

snp	gene	chr	pos	wtvt	MAF	women			p	wtvt	MAF	men
						beta	ste	beta				
rs17574650	GHR	5	42472673	A>C	0.09	0.02	0.01	3.23E-02	A>C	0.10	0.01	
rs6414898	GHR	5	42731925	G>C	0.24	0.00	0.01	8.42E-01	G>C	0.24	0.01	
rs13182117	GHR	5	42647605	T>G	0.14	0.01	0.01	1.74E-01	T>G	0.15	0.00	
rs6878461	GHR	5	42710126	A>G	0.16	0.01	0.01	3.13E-01	A>G	0.16	0.00	
rs10473280	GHR	5	42445720	G>A	0.21	0.00	0.01	4.36E-01	G>A	0.19	-0.01	
rs10440649	GHR	5	42652098	T>A	0.18	0.01	0.01	2.34E-01	T>A	0.19	0.00	
rs6883523	GHR	5	42600505	G>T	0.18	0.01	0.01	3.04E-01	G>T	0.19	0.00	
rs7447731	GHR	5	42715990	C>T	0.16	0.01	0.01	3.53E-01	C>T	0.16	0.00	
rs7709790	GHR	5	42645847	C>G	0.19	0.01	0.01	2.55E-01	C>G	0.19	0.00	
rs7707913	GHR	5	42620609	C>T	0.25	0.00	0.00	6.98E-01	C>T	0.25	0.01	
rs4395642	GHR	5	42588188	C>T	0.25	0.00	0.00	6.90E-01	C>T	0.25	0.01	
rs17636762	GHR	5	42498018	C>T	0.27	0.00	0.00	7.36E-01	C>T	0.27	0.01	
rs17575164	GHR	5	42506774	T>C	0.20	0.00	0.01	4.06E-01	T>C	0.21	0.00	
rs1509458	GHR	5	42457840	G>T	0.28	0.00	0.00	3.94E-01	G>T	0.28	0.00	
rs2972419	GHR	5	42519634	G>A	0.20	0.00	0.01	3.95E-01	G>A	0.19	0.00	
rs2940935	GHR	5	42522360	C>T	0.20	0.00	0.01	4.38E-01	C>T	0.19	0.00	
rs12153009	GHR	5	42589636	G>A	0.28	0.01	0.00	1.82E-01	G>A	0.29	0.00	
rs4130113	GHR	5	42550408	G>A	0.41	0.00	0.00	2.52E-01	G>A	0.41	0.00	
rs719756	GHR	5	42761386	T>A	0.47	0.00	0.00	7.40E-01	T>A	0.45	0.00	
rs11739840	GHR	5	42714102	T>C	0.08	-0.01	0.01	2.38E-01	T>C	0.08	0.02	
rs4410646	GHR	5	42605399	A>C	0.10	0.00	0.01	5.68E-01	A>C	0.09	0.00	
rs6451620	GHR	5	42508871	G>A	0.06	0.00	0.01	8.05E-01	G>A	0.06	-0.01	
rs7715032	GHR	5	42660552	T>C	0.27	0.00	0.00	6.23E-01	T>C	0.27	0.01	
rs2940923	GHR	5	42499532	G>A	0.47	0.00	0.00	9.57E-01	G>A	0.46	0.00	
rs12233949	GHR	5	42643218	G>C	0.27	0.01	0.00	2.76E-01	G>C	0.28	0.00	
rs28943889	GHR	5	42681415	T>C	0.09	-0.01	0.01	1.04E-01	T>C	0.09	0.02	
rs1862628	GHR	5	42758885	T>C	0.30	0.00	0.00	8.49E-01	T>C	0.31	0.00	
rs11744988	GHR	5	42510453	C>T	0.07	-0.01	0.01	3.15E-01	C>T	0.06	0.02	
rs1345825	GHR	5	42760275	A>C	0.30	0.00	0.00	8.48E-01	A>C	0.31	0.00	
rs4129472	GHR	5	42558929	T>C	0.19	0.00	0.01	4.94E-01	T>C	0.20	0.00	
rs10473282	GHR	5	42445817	G>A	0.41	0.00	0.00	5.18E-01	G>A	0.41	0.00	
rs2972392	GHR	5	42531592	A>C	0.44	0.00	0.00	8.02E-01	A>C	0.43	0.00	
rs1364024	GHR	5	42760670	T>C	0.26	0.00	0.00	4.05E-01	T>C	0.28	0.00	
rs6887528	GHR	5	42659309	C>T	0.07	0.00	0.01	7.69E-01	C>T	0.06	0.00	
rs6451628	GHR	5	42670471	A>C	0.10	-0.01	0.01	1.74E-01	A>C	0.10	0.01	
rs4530764	GHR	5	42540052	T>A	0.47	0.00	0.00	6.78E-01	T>A	0.47	0.00	
rs6032470	GHRH	20	35320941	T>C	0.13	0.01	0.01	2.67E-01	T>C	0.13	0.01	
rs4988492	GHRH	20	35316112	G>A	0.02	-0.02	0.02	1.43E-01	G>A	0.02	-0.01	
rs11086990	GHRH	20	35345908	A>G	0.30	0.00	0.00	6.35E-01	A>G	0.29	-0.01	
rs11086970	GHRH	20	35302756	G>A	0.21	0.01	0.01	6.32E-02	G>A	0.23	0.00	
rs6032574	GHRH	20	35336875	G>T	0.25	0.00	0.00	7.37E-01	G>T	0.25	-0.01	
rs1534971	GHRH	20	35306281	A>G	0.16	0.01	0.01	6.69E-02	A>G	0.19	0.00	
rs8114696	GHRH	20	35304638	A>G	0.12	-0.01	0.01	4.17E-01	A>G	0.12	0.00	
rs6017708	GHRH	20	35335091	G>A	0.27	0.00	0.00	4.63E-01	G>A	0.26	-0.01	
rs1073768	GHRH	20	35310424	C>T	0.44	0.00	0.00	9.45E-01	C>T	0.44	0.00	

rs6017655	GHRH	20	35319954	C>T	0.27	0.00	0.01	4.01E-01	C>T	0.28	-0.01
rs1001351	GHRH	20	35305507	C>T	0.28	0.00	0.00	3.10E-01	C>T	0.31	0.00
rs10265249	GHRHR	7	30758816	G>A	0.05	0.03	0.01	8.11E-03	G>A	0.05	0.01
rs13438065	GHRHR	7	30791287	T>A	0.05	0.01	0.01	1.62E-01	T>A	0.05	0.02
rs28371559	GHRHR	7	30782137	C>T	0.05	0.01	0.01	1.22E-01	C>T	0.06	0.02
rs28371568	GHRHR	7	30793692	C>T	0.05	0.01	0.01	3.55E-01	C>T	0.05	0.03
rs11771444	GHRHR	7	30797413	T>C	0.24	0.01	0.00	3.96E-02	T>C	0.22	0.01
rs10429033	GHRHR	7	30800461	G>C	0.23	0.01	0.01	1.74E-02	G>C	0.23	0.00
rs11973385	GHRHR	7	30799084	A>G	0.23	0.01	0.01	2.23E-02	A>G	0.23	0.01
rs4988498	GHRHR	7	30782816	G>T	0.06	0.01	0.01	1.90E-01	G>T	0.06	0.02
rs4988496	GHRHR	7	30781926	G>A	0.06	0.01	0.01	3.32E-01	G>A	0.06	0.02
rs4988505	GHRHR	7	30790343	G>C	0.30	0.01	0.00	4.39E-02	G>C	0.30	0.00
rs2267723	GHRHR	7	30780182	A>G	0.45	0.01	0.00	6.07E-02	A>G	0.45	0.00
rs33995922	GHRHR	7	30968800	C>T	0.09	0.01	0.01	1.27E-01	C>T	0.08	0.01
rs7458593	GHRHR	7	30762746	C>T	0.13	0.00	0.01	6.37E-01	C>T	0.12	0.01
rs4410792	GHRHR	7	30770433	A>T	0.15	0.00	0.01	6.92E-01	A>T	0.15	0.01
rs17159769	GHRHR	7	30775780	C>T	0.32	0.00	0.00	8.62E-01	C>T	0.31	-0.01
rs2228078	GHRHR	7	30792092	T>C	0.02	0.01	0.02	4.88E-01	T>C	0.01	0.02
rs11761979	GHRHR	7	30791378	C>A	0.22	0.01	0.01	1.92E-01	C>A	0.23	0.00
rs6954044	GHRHR	7	30775255	T>A	0.08	0.01	0.01	2.40E-01	T>A	0.08	0.00
rs28371570	GHRHR	7	30796742	G>A	0.22	0.00	0.01	4.48E-01	G>A	0.23	0.00
rs4988494	GHRHR	7	30777059	C>T	0.12	0.00	0.01	7.00E-01	C>T	0.12	0.01
rs28371552	GHRHR	7	30776065	C>T	0.34	0.00	0.00	9.37E-01	C>T	0.33	-0.01
rs7384927	GHRHR	7	30773340	G>T	0.39	0.01	0.00	2.26E-01	G>T	0.38	0.00
rs2267721	GHRHR	7	30778683	C>G	0.37	0.00	0.00	9.37E-01	C>G	0.36	-0.01
rs4723025	GHRHR	7	30750682	T>C	0.43	0.00	0.00	4.50E-01	T>C	0.42	0.00
rs10225302	GHRHR	7	30774315	C>T	0.44	0.00	0.00	7.51E-01	C>T	0.43	-0.01
rs6962369	GHRHR	7	30792545	T>C	0.14	0.00	0.01	4.96E-01	T>C	0.14	0.00
rs881499	GHRHR	7	30749304	A>G	0.29	0.01	0.00	8.25E-02	A>G	0.28	-0.01
rs2302019	GHRHR	7	30776663	C>T	0.44	0.00	0.00	9.31E-01	C>T	0.43	0.00
rs886825	GHRHR	7	30748473	T>C	0.44	0.00	0.01	8.26E-01	T>C	0.42	0.00
rs2741	GHRHR	7	30788805	T>G	0.10	0.00	0.01	6.32E-01	T>G	0.10	-0.01
rs12821878	IGF1	12	101370134	G>A	0.23	0.00	0.00	5.61E-01	G>A	0.22	-0.01
rs7965399	IGF1	12	101394153	T>C	0.04	-0.02	0.01	1.06E-01	T>C	0.05	0.01
rs4764876	IGF1	12	101261169	G>C	0.26	0.00	0.00	6.76E-01	G>C	0.27	-0.01
rs1549593	IGF1	12	101299258	G>T	0.13	0.00	0.01	7.80E-01	G>T	0.14	-0.01
rs35767	IGF1	12	101378036	G>A	0.16	-0.01	0.01	1.14E-01	G>A	0.17	0.00
rs1019731	IGF1	12	101366892	C>A	0.13	0.00	0.01	7.35E-01	C>A	0.13	-0.01
rs1996656	IGF1	12	101254429	A>G	0.17	0.00	0.01	5.45E-01	A>G	0.19	-0.01
rs2946834	IGF1	12	101290281	G>A	0.32	0.00	0.00	8.94E-01	G>A	0.33	0.00
rs2195239	IGF1	12	101359169	C>G	0.22	0.01	0.01	1.68E-01	C>G	0.25	-0.01
rs4764695	IGF1	12	101259580	A>G	0.50	0.00	0.00	9.63E-01	G>A	0.49	0.00
rs5742665	IGF1	12	101326017	C>G	0.14	0.00	0.01	6.58E-01	C>G	0.13	0.01
rs2373722	IGF1	12	101342924	G>A	0.07	0.00	0.01	7.95E-01	G>A	0.07	0.00
rs1520220	IGF1	12	101298989	C>G	0.18	0.00	0.01	4.39E-01	C>G	0.19	-0.01
rs10735380	IGF1	12	101346703	A>G	0.26	0.00	0.00	3.32E-01	A>G	0.28	0.00
rs11865665	IGFALS	16	1805537	A>G	0.07	0.02	0.01	3.66E-03	A>G	0.07	0.03

rs344352	IGFALS	16	1786477	C>G	0.28	-0.01	0.00	2.03E-02	C>G	0.30	-0.02
rs17559	IGFALS	16	1781034	G>A	0.09	0.02	0.01	3.27E-02	G>A	0.09	0.03
rs1178436	IGFALS	16	1771654	C>T	0.15	-0.01	0.01	9.57E-02	C>T	0.16	-0.02
rs344359	IGFALS	16	1778641	C>T	0.14	-0.01	0.01	1.76E-01	C>T	0.16	-0.02
rs238680	IGFALS	16	1812161	A>G	0.29	-0.01	0.00	4.05E-02	A>G	0.31	-0.01
rs2272977	IGFALS	16	1778038	C>G	0.12	-0.01	0.01	4.16E-02	C>G	0.13	-0.01
rs2473466	IGFALS	16	1784562	A>G	0.37	-0.01	0.00	5.84E-02	A>G	0.39	-0.01
rs238678	IGFALS	16	1812723	G>A	0.15	-0.01	0.01	2.39E-02	G>A	0.16	0.00
rs2268670	IGFALS	16	1811330	C>T	0.14	0.00	0.01	4.25E-01	C>T	0.15	-0.01
rs344361	IGFALS	16	1808555	C>T	0.14	0.00	0.01	4.25E-01	C>T	0.15	-0.01
rs1742430	IGFALS	16	1798950	G>C	0.22	0.01	0.01	1.69E-01	G>C	0.23	0.00
rs1742450	IGFALS	16	1794541	T>C	0.22	0.01	0.01	2.16E-01	T>C	0.23	0.00
rs1028590	IGFALS	16	1798070	T>C	0.37	-0.01	0.00	1.75E-01	T>C	0.39	0.00
rs7189070	IGFALS	16	1790814	G>A	0.24	-0.01	0.00	2.87E-01	G>A	0.24	0.01
rs10228265	IGFBP1	7	45682155	A>G	0.30	-0.01	0.00	2.27E-01	A>G	0.31	-0.02
rs1553009	IGFBP1	7	45682234	G>A	0.20	0.01	0.01	1.91E-01	G>A	0.19	0.01
rs4988515	IGFBP1	7	45705840	C>T	0.04	-0.01	0.01	4.33E-01	C>T	0.04	-0.02
rs4619	IGFBP1	7	45705909	A>G	0.34	0.00	0.00	4.92E-01	A>G	0.35	-0.01
rs1065780	IGFBP1	7	45700917	G>A	0.38	0.00	0.00	6.79E-01	G>A	0.38	-0.01
rs2201638	IGFBP1	7	45696150	G>A	0.03	-0.02	0.01	8.10E-02	G>A	0.03	0.00
rs35539615	IGFBP1	7	45878989	C>G	0.23	0.00	0.01	5.89E-01	C>G	0.24	-0.01
rs1908751	IGFBP1	7	45708759	C>T	0.30	0.00	0.00	5.46E-01	C>T	0.31	0.00
rs3770473	IGFBP2_5	2	217324345	T>G	0.30	-0.01	0.00	3.61E-03	T>G	0.31	-0.01
rs4674100	IGFBP2_5	2	217305930	G>A	0.30	-0.01	0.00	1.97E-01	G>A	0.28	-0.01
rs16856445	IGFBP2_5	2	217321405	C>A	0.21	0.01	0.01	6.97E-02	C>A	0.22	0.00
rs1525608	IGFBP2_5	2	217319261	G>A	0.41	0.00	0.00	3.54E-01	G>A	0.42	0.01
rs4674101	IGFBP2_5	2	217313128	G>A	0.33	0.01	0.00	2.11E-01	G>A	0.33	0.00
rs2241199	IGFBP2_5	2	217364322	T>C	0.04	0.02	0.01	1.26E-01	T>C	0.04	0.00
rs9341218	IGFBP2_5	2	217354115	A>G	0.04	0.01	0.01	1.85E-01	A>G	0.04	0.00
rs4674107	IGFBP2_5	2	217361860	A>C	0.28	-0.01	0.00	1.05E-01	A>C	0.28	0.00
rs3276	IGFBP2_5	2	217362504	G>A	0.05	0.01	0.01	5.95E-01	G>A	0.05	0.00
rs9341134	IGFBP2_5	2	217333432	A>T	0.08	0.00	0.01	6.05E-01	A>T	0.07	0.00
rs6727330	IGFBP2_5	2	217388951	T>C	0.35	0.00	0.00	5.22E-01	T>C	0.35	0.00
rs759546	IGFBP2_5	2	217410439	C>T	0.06	0.00	0.01	9.92E-01	C>T	0.06	0.01
rs7603372	IGFBP2_5	2	217330843	T>C	0.36	0.01	0.00	2.48E-01	T>C	0.36	0.00
rs888184	IGFBP2_5	2	217396272	A>G	0.16	0.00	0.01	8.69E-01	A>G	0.16	0.00
rs9341191	IGFBP2_5	2	217347154	C>T	0.05	0.00	0.01	7.15E-01	C>T	0.06	-0.01
rs7565131	IGFBP2_5	2	217371431	A>C	0.07	0.01	0.01	2.14E-01	A>C	0.07	0.00
rs888182	IGFBP2_5	2	217397351	T>G	0.16	0.00	0.01	9.92E-01	T>G	0.16	0.00
rs12694392	IGFBP2_5	2	217307885	G>A	0.19	0.00	0.01	7.80E-01	G>A	0.20	0.00
rs2270360	IGFBP2_5	2	217350492	A>C	0.29	-0.01	0.00	2.22E-01	A>C	0.29	0.00
rs17496232	IGFBP2_5	2	217309735	T>C	0.33	0.00	0.00	8.48E-01	T>C	0.34	0.00
rs9341156	IGFBP2_5	2	217340277	C>T	0.04	-0.01	0.01	3.27E-01	C>T	0.04	0.02
rs7602780	IGFBP2_5	2	217404429	C>T	0.10	0.01	0.01	4.29E-01	C>T	0.10	-0.01
rs6736397	IGFBP2_5	2	217299904	C>T	0.09	0.00	0.01	7.06E-01	C>T	0.09	0.00
rs3755137	IGFBP2_5	2	217379280	T>A	0.19	-0.01	0.01	7.75E-02	T>A	0.18	0.01
rs2372866	IGFBP2_5	2	217411488	C>T	0.10	0.00	0.01	6.84E-01	C>T	0.09	-0.01

rs741384	IGFBP2_5	2	217377460	G>C	0.48	0.00	0.00	9.45E-01	G>C	0.49	0.00
rs2056642	IGFBP2_5	2	217302936	T>C	0.43	0.00	0.00	6.35E-01	T>C	0.44	0.00
rs11575134	IGFBP2_5	2	217381330	C>T	0.21	0.01	0.01	1.86E-01	C>T	0.22	-0.01
rs11693848	IGFBP2_5	2	217302723	T>C	0.28	-0.01	0.00	2.71E-01	T>C	0.28	0.01
rs10165302	IGFBP2_5	2	217309663	T>C	0.19	-0.01	0.01	3.40E-01	T>C	0.19	0.01
rs6435948	IGFBP2_5	2	217413523	T>G	0.41	0.00	0.00	8.55E-01	T>G	0.41	0.00
rs10168974	IGFBP2_5	2	217310922	T>A	0.09	0.00	0.01	7.54E-01	T>A	0.10	0.00
rs9341145	IGFBP2_5	2	217336606	C>T	0.05	0.00	0.01	7.44E-01	C>T	0.07	0.00
rs10932674	IGFBP2_5	2	217394160	G>C	0.24	0.00	0.00	9.86E-01	G>C	0.24	0.00
rs11575194	IGFBP2_5	2	217369234	G>A	0.05	0.01	0.01	4.18E-01	G>A	0.04	-0.01
rs7426116	IGFBP2_5	2	217376076	C>G	0.30	0.00	0.00	4.23E-01	C>G	0.29	0.00
rs9288520	IGFBP2_5	2	217306777	G>A	0.12	0.00	0.01	8.43E-01	G>A	0.13	0.00
rs10932667	IGFBP2_5	2	217295302	G>A	0.40	0.00	0.00	7.81E-01	G>A	0.40	0.00
rs888186	IGFBP2_5	2	217393224	A>G	0.09	0.00	0.01	8.06E-01	A>G	0.09	0.00
rs2854746	IGFBP3	7	45733885	G>C	0.43	0.06	0.00	4.62E-41	G>C	0.40	0.06
rs2960436	IGFBP3	7	45750522	G>A	0.49	0.05	0.00	4.40E-32	G>A	0.46	0.05
rs2854744	IGFBP3	7	45734315	G>T	0.48	0.05	0.00	5.20E-31	G>T	0.46	0.05
rs3110697	IGFBP3	7	45728269	G>A	0.42	-0.04	0.00	6.14E-18	G>A	0.42	-0.04
rs2132570	IGFBP3	7	45735703	G>T	0.21	-0.03	0.01	1.22E-06	G>T	0.22	-0.03
rs2270628	IGFBP3	7	45722810	C>T	0.18	-0.02	0.01	3.55E-03	C>T	0.20	-0.02
rs6670	IGFBP3	7	45725494	T>A	0.22	0.00	0.01	8.40E-01	T>A	0.21	0.01
rs2453839	IGFBP3	7	45726813	T>C	0.19	-0.01	0.01	1.80E-01	T>C	0.20	0.00
rs538399	IGFBP4	17	35864191	A>G	0.25	0.00	0.00	7.96E-01	A>G	0.27	0.00
rs7214466	IGFBP4	17	35871630	T>C	0.28	0.00	0.00	9.64E-01	T>C	0.30	0.00
rs528045	IGFBP4	17	35840398	G>A	0.19	0.01	0.01	1.34E-01	G>A	0.20	0.00
rs2245333	IGFBP4	17	35870239	A>G	0.34	0.00	0.00	3.53E-01	A>G	0.32	-0.01
rs584438	IGFBP4	17	35852698	C>A	0.37	0.00	0.00	4.31E-01	C>A	0.37	0.00
rs4890114	IGFBP4	17	35857075	A>G	0.40	0.00	0.00	4.50E-01	A>G	0.42	0.00
rs2015561	IGFBP4	17	35846820	A>G	0.40	0.00	0.00	4.54E-01	A>G	0.41	0.00
rs7308390	IGFBP6	12	51786309	C>T	0.06	-0.01	0.01	4.59E-01	C>T	0.05	-0.02
rs9658605	IGFBP6	12	51778766	T>C	0.07	0.00	0.01	6.64E-01	T>C	0.07	0.01
rs2280700	IGFBP6	12	51784068	A>G	0.07	0.00	0.01	9.13E-01	A>G	0.07	-0.01
rs7974876	IGFBP6	12	51765401	T>C	0.12	-0.01	0.01	3.63E-01	T>C	0.13	0.00
rs2280699	IGFBP6	12	51783965	A>G	0.20	0.00	0.01	9.24E-01	A>G	0.19	0.00
rs11170414	IGFBP6	12	51786412	C>T	0.11	0.00	0.01	6.15E-01	C>T	0.11	0.00
rs822688	IGFBP6	12	51779654	C>T	0.13	0.00	0.01	7.95E-01	C>T	0.13	0.00
rs7979974	IGFBP6	12	51761289	T>C	0.21	0.00	0.01	3.60E-01	T>C	0.20	0.01
rs300982	POU1F1	3	87408443	G>A	0.05	-0.02	0.01	2.01E-02	G>A	0.06	0.00
rs2009491	POU1F1	3	87384135	C>A	0.40	0.00	0.00	7.11E-01	C>A	0.40	0.00
rs2172685	POU1F1	3	87425634	C>T	0.28	0.00	0.00	7.33E-01	C>T	0.28	-0.01
rs300995	POU1F1	3	87415359	G>A	0.44	0.00	0.00	9.09E-01	G>A	0.43	0.00
rs300984	POU1F1	3	87428332	T>C	0.43	0.00	0.00	9.56E-01	T>C	0.34	0.00
rs17024118	POU1F1	3	87404447	G>A	0.48	0.00	0.00	8.08E-01	G>A	0.48	0.00
rs300998	POU1F1	3	87417321	T>C	0.12	-0.01	0.01	3.42E-01	T>C	0.13	0.00
rs7428816	POU1F1	3	87390237	A>G	0.06	0.00	0.01	8.15E-01	A>G	0.06	0.01
rs33934967	SST	3	188869716	T>G	0.01	-0.02	0.02	3.96E-01	T>G	0.01	-0.03
rs2162188	SST	3	188873681	C>T	0.12	0.02	0.01	2.14E-02	C>T	0.11	0.00

rs7624906	SST	3	188872338	T>C	0.11	0.01	0.01	4.06E-02	T>C	0.11	0.00
rs10513817	SST	3	188867488	G>T	0.11	0.01	0.01	3.33E-02	G>T	0.11	0.00
rs5008195	SST	3	188898728	T>C	0.35	0.00	0.00	3.46E-01	T>C	0.34	0.01
rs9812190	SST	3	188902430	G>A	0.13	0.00	0.01	7.19E-01	G>A	0.13	0.01
rs3864101	SST	3	188862457	G>T	0.23	0.01	0.01	3.04E-01	G>T	0.22	0.00
rs4988514	SST	3	188869533	T>C	0.09	0.00	0.01	6.96E-01	T>C	0.09	0.00
rs6786957	SST	3	188878602	C>T	0.13	-0.01	0.01	2.34E-01	C>T	0.13	0.00
rs3915052	SST	3	188890618	G>A	0.18	0.00	0.01	3.81E-01	G>A	0.18	0.01
rs13434247	SST	3	188866046	A>G	0.32	0.00	0.00	6.50E-01	A>G	0.32	0.00
rs9861141	SST	3	188891555	G>A	0.20	0.00	0.01	5.63E-01	G>A	0.20	0.00
rs6802392	SST	3	188884683	T>C	0.20	0.00	0.01	5.62E-01	T>C	0.20	0.00
rs10513819	SST	3	188874200	G>A	0.10	-0.01	0.01	4.07E-01	G>A	0.10	0.01
rs6765474	SST	3	188885080	A>C	0.38	-0.01	0.00	8.07E-02	A>C	0.38	0.01
rs17796004	SST	3	188868756	A>G	0.10	0.00	0.01	5.10E-01	A>G	0.10	0.01
rs4640088	SSTR1	14	37752444	G>A	0.14	0.00	0.01	6.06E-01	G>A	0.14	-0.01
rs2250339	SSTR1	14	37739008	A>G	0.36	-0.01	0.00	1.89E-01	A>G	0.34	0.00
rs12887630	SSTR1	14	37743255	C>T	0.29	-0.01	0.00	1.72E-01	C>T	0.28	0.00
rs7152719	SSTR1	14	37757024	G>T	0.38	0.00	0.00	9.57E-01	G>T	0.36	0.00
rs11622412	SSTR1	14	37753012	C>T	0.05	0.00	0.01	8.14E-01	C>T	0.05	-0.01
rs4371078	SSTR1	14	37761320	G>A	0.12	-0.01	0.01	1.59E-01	G>A	0.11	0.00
rs2812094	SSTR1	14	37736641	T>C	0.19	0.01	0.01	2.93E-01	T>C	0.19	0.00
rs7156366	SSTR1	14	37735529	G>A	0.47	0.00	0.00	9.77E-01	G>A	0.48	0.00
rs10498338	SSTR1	14	37736265	G>A	0.14	0.01	0.01	7.53E-02	G>A	0.15	-0.01
rs12885336	SSTR1	14	37752732	C>T	0.28	0.00	0.00	2.88E-01	C>T	0.27	0.00
rs12889916	SSTR1	14	37749831	T>C	0.33	-0.01	0.00	1.34E-01	T>C	0.32	0.01
rs2250334	SSTR1	14	37738744	A>G	0.41	0.00	0.00	5.15E-01	A>G	0.40	0.00
rs2250885	SSTR1	14	37743042	A>G	0.07	0.01	0.01	4.89E-01	A>G	0.07	-0.01
rs17474043	SSTR1	14	37754617	A>T	0.33	-0.01	0.00	1.80E-01	A>T	0.33	0.01
rs2257050	SSTR1	14	37722468	G>A	0.49	0.00	0.00	9.97E-01	G>A	0.48	0.00
rs2415459	SSTR1	14	37717870	G>A	0.23	0.00	0.00	3.66E-01	G>A	0.22	0.00
rs2415462	SSTR1	14	37723475	G>T	0.23	0.00	0.00	6.14E-01	G>T	0.22	0.00
rs2812075	SSTR1	14	37718230	A>T	0.26	0.00	0.00	6.04E-01	A>T	0.26	0.00
rs4394988	SSTR1	14	37747663	A>G	0.42	0.00	0.00	8.26E-01	A>G	0.41	0.00
rs7224362	SSTR2	17	68679136	G>A	0.23	0.00	0.01	5.47E-01	G>A	0.22	0.01
rs2236754	SSTR2	17	68675676	A>G	0.24	0.00	0.00	9.06E-01	A>G	0.24	0.01
rs1037260	SSTR2	17	68668860	T>G	0.06	0.01	0.01	1.48E-01	T>G	0.05	0.00
rs714925	SSTR2	17	68675264	A>G	0.34	0.00	0.00	7.16E-01	A>G	0.35	-0.01
rs6501603	SSTR2	17	68687739	T>G	0.47	0.01	0.00	1.11E-01	T>G	0.50	0.00
rs12936744	SSTR2	17	68679350	G>T	0.09	0.01	0.01	1.55E-01	G>T	0.10	0.00
rs8070513	SSTR2	17	68659303	A>G	0.17	0.00	0.01	7.18E-01	A>G	0.16	-0.01
rs11650004	SSTR2	17	68687566	C>T	0.30	0.01	0.00	1.05E-01	C>T	0.32	0.00
rs1037257	SSTR2	17	68662948	C>T	0.32	0.00	0.00	4.54E-01	C>T	0.33	0.00
rs7207812	SSTR2	17	68654483	G>C	0.10	0.00	0.01	5.21E-01	G>C	0.11	0.00
rs728291	SSTR2	17	68675383	C>A	0.37	0.00	0.00	8.09E-01	C>A	0.37	0.00
rs753281	SSTR2	17	68691048	G>A	0.18	0.00	0.01	7.19E-01	G>A	0.18	0.00
rs8073445	SSTR2	17	68688734	C>T	0.18	0.00	0.01	7.35E-01	C>T	0.18	0.00
rs4969076	SSTR2	17	68665319	C>G	0.24	0.00	0.00	6.93E-01	C>G	0.25	0.00

rs7213907	SSTR2	17	68654589	C>T	0.21	0.00	0.01	7.08E-01	C>T	0.21	0.00
rs2239774	SSTR3	22	35962153	G>C	0.15	-0.01	0.01	1.03E-01	G>C	0.15	0.00
rs739042	SSTR3	22	35949919	A>G	0.41	0.00	0.00	4.84E-01	A>G	0.40	0.01
rs13058338	SSTR3	22	35957270	T>A	0.25	0.01	0.00	1.84E-01	T>A	0.24	0.00
rs8135343	SSTR3	22	35952345	G>A	0.38	0.00	0.00	4.51E-01	G>A	0.37	0.00
rs2285110	SSTR3	22	35952645	A>G	0.32	0.00	0.00	8.76E-01	A>G	0.32	0.01
rs229559	SSTR3	22	35922900	C>G	0.27	0.00	0.00	7.88E-01	C>G	0.27	0.01
rs2239775	SSTR3	22	35962341	C>A	0.14	0.00	0.01	6.56E-01	C>A	0.13	-0.01
rs33939988	SSTR3	22	35930987	G>A	0.05	-0.01	0.01	5.25E-01	G>A	0.05	0.02
rs229562	SSTR3	22	35923565	T>G	0.45	0.00	0.00	8.92E-01	T>G	0.45	0.00
rs8137698	SSTR3	22	35948736	T>C	0.15	0.00	0.01	7.84E-01	T>C	0.15	0.01
rs6000603	SSTR3	22	35917591	A>G	0.23	0.00	0.00	9.11E-01	A>G	0.23	0.00
rs737550	SSTR3	22	35936487	C>T	0.40	0.00	0.00	6.04E-01	C>T	0.40	0.00
rs4820271	SSTR3	22	35920734	G>A	0.21	0.00	0.01	8.87E-01	G>A	0.21	0.00
rs933223	SSTR3	22	35943334	A>G	0.30	0.00	0.00	3.60E-01	A>G	0.29	0.00
rs4821605	SSTR3	22	35940590	C>G	0.15	0.00	0.01	6.96E-01	C>G	0.15	0.01
rs933222	SSTR3	22	35943137	C>T	0.30	0.00	0.00	3.94E-01	C>T	0.29	0.00
rs5756573	SSTR3	22	35958275	G>A	0.10	0.00	0.01	9.76E-01	G>A	0.11	0.00
rs1476002	SSTR3	22	35955288	C>T	0.12	0.00	0.01	9.32E-01	C>T	0.11	0.00
rs9610669	SSTR3	22	35932481	C>A	0.49	0.00	0.00	9.97E-01	C>A	0.50	0.00
rs9607432	SSTR3	22	35954983	T>C	0.12	0.00	0.01	5.85E-01	T>C	0.12	0.00
rs739040	SSTR3	22	35924302	C>A	0.34	0.00	0.00	7.70E-01	C>A	0.34	0.00
rs229563	SSTR3	22	35923942	A>G	0.26	0.00	0.00	9.75E-01	A>G	0.28	0.00
rs6572	SSTR3	22	35945945	G>C	0.46	0.00	0.00	3.06E-01	G>C	0.45	0.01
rs3176123	SSTR4	20	22975413	T>G	0.17	-0.01	0.01	1.12E-01	T>G	0.18	-0.01
rs1986208	SSTR4	20	22972250	G>T	0.37	-0.01	0.00	1.63E-01	G>T	0.38	-0.01
rs2567608	SSTR4	20	22965082	T>C	0.46	0.00	0.00	3.46E-01	T>C	0.47	0.01
rs2896939	SSTR4	20	22985365	G>A	0.23	-0.01	0.01	8.54E-02	G>A	0.24	-0.01
rs8120756	SSTR4	20	22959718	T>C	0.35	0.00	0.00	4.11E-01	T>C	0.35	0.01
rs6048519	SSTR4	20	22982274	T>G	0.38	-0.01	0.00	5.52E-02	T>G	0.39	0.00
rs2235951	SSTR4	20	22967541	T>C	0.46	0.01	0.00	2.05E-01	T>C	0.46	0.01
rs6113905	SSTR4	20	22965768	A>G	0.38	0.00	0.00	6.40E-01	A>G	0.38	0.01
rs2749817	SSTR4	20	23007255	C>T	0.32	-0.01	0.00	1.42E-01	C>T	0.33	0.00
rs3746732	SSTR4	20	23013342	G>A	0.23	0.01	0.01	9.59E-02	G>A	0.23	0.00
rs2749812	SSTR4	20	23010927	G>A	0.15	-0.01	0.01	7.42E-02	G>A	0.16	0.00
rs3746726	SSTR4	20	22964970	T>G	0.38	0.00	0.00	9.03E-01	T>G	0.39	0.01
rs1331071	SSTR4	20	22945832	T>C	0.37	0.00	0.00	4.17E-01	T>C	0.37	0.01
rs1883956	SSTR4	20	22945466	G>T	0.37	0.00	0.00	4.04E-01	G>T	0.37	0.01
rs1884654	SSTR4	20	23017201	T>A	0.15	0.00	0.01	4.35E-01	T>A	0.16	0.01
rs220988	SSTR4	20	22957294	T>C	0.08	0.01	0.01	1.49E-01	T>C	0.08	0.00
rs11698496	SSTR4	20	22938350	G>C	0.08	0.00	0.01	7.40E-01	G>C	0.07	0.01
rs1318041	SSTR4	20	22989366	A>G	0.25	0.00	0.00	3.29E-01	A>G	0.26	0.00
rs3991894	SSTR4	20	22958155	C>T	0.14	0.01	0.01	2.40E-01	C>T	0.13	0.00
rs2144940	SSTR4	20	22998806	T>C	0.07	-0.01	0.01	3.16E-01	T>C	0.07	0.00
rs220979	SSTR4	20	22960609	T>A	0.40	0.00	0.00	3.22E-01	T>A	0.39	0.00
rs3746731	SSTR4	20	23013209	A>G	0.41	0.00	0.00	9.23E-01	A>G	0.41	0.00
rs6048506	SSTR4	20	22944625	A>T	0.10	0.00	0.01	9.15E-01	A>T	0.10	0.01

rs2007363	SSTR4	20	22973295	G>T	0.20	0.00	0.01	8.41E-01	G>T	0.20	-0.01
rs11697609	SSTR4	20	22956390	G>A	0.09	-0.01	0.01	3.40E-01	G>A	0.08	0.00
rs1360406	SSTR4	20	22936864	G>A	0.09	0.00	0.01	7.96E-01	G>A	0.10	-0.01
rs6113897	SSTR4	20	22948009	A>T	0.49	0.00	0.00	2.93E-01	T>A	0.50	0.00
rs16984890	SSTR4	20	22993714	G>T	0.06	0.00	0.01	7.10E-01	G>T	0.07	0.00
rs2268197	SSTR4	20	22962459	G>C	0.48	0.00	0.00	6.65E-01	G>C	0.48	0.00
rs6106592	SSTR4	20	22946634	C>T	0.12	0.00	0.01	6.26E-01	C>T	0.13	0.00
rs2424500	SSTR4	20	22936426	C>T	0.09	0.00	0.01	7.87E-01	C>T	0.08	0.00
rs3751830	SSTR5	16	1068407	C>T	0.41	-0.01	0.00	6.16E-02	C>T	0.41	-0.01
rs197057	SSTR5	16	1072016	G>C	0.47	0.01	0.00	1.73E-01	G>C	0.47	0.01
rs174643	SSTR5	16	1073050	A>G	0.44	0.01	0.01	1.26E-01	A>G	0.45	0.01
rs619698	SSTR5	16	1066544	C>A	0.38	0.01	0.00	2.31E-01	C>A	0.38	0.01
rs213657	SSTR5	16	1053994	T>G	0.04	0.01	0.01	5.23E-01	T>G	0.05	0.02
rs197056	SSTR5	16	1071696	G>A	0.37	0.00	0.01	3.55E-01	G>A	0.38	0.01
rs213656	SSTR5	16	1053848	G>T	0.41	0.00	0.00	3.00E-01	G>T	0.41	0.01
rs213653	SSTR5	16	1051385	G>A	0.38	0.01	0.00	2.09E-01	G>A	0.38	0.00
rs4984761	SSTR5	16	1053696	G>T	0.35	-0.01	0.00	1.83E-01	G>T	0.34	0.00
rs2076421	SSTR5	16	1071394	A>G	0.41	0.01	0.00	2.24E-01	A>G	0.42	0.00
rs213654	SSTR5	16	1053552	C>T	0.44	0.00	0.00	2.37E-01	C>T	0.44	0.00
rs550713	SSTR5	16	1066680	T>G	0.20	0.00	0.01	7.04E-01	T>G	0.22	0.00
rs213658	SSTR5	16	1054259	A>G	0.20	0.00	0.01	6.04E-01	A>G	0.22	0.00
rs9937517	SSTR5	16	1074819	T>G	0.06	0.01	0.01	5.33E-01	T>G	0.05	-0.01

ste	p	combined		
		beta	ste	p
0.01	2.29E-01	0.01	0.01	1.70E-02
0.01	6.36E-02	0.01	0.00	1.50E-01
0.01	5.90E-01	0.01	0.00	1.80E-01
0.01	4.61E-01	0.01	0.00	2.10E-01
0.01	3.69E-01	0.00	0.00	2.40E-01
0.01	6.67E-01	0.00	0.00	2.50E-01
0.01	5.48E-01	0.00	0.00	2.50E-01
0.01	4.86E-01	0.00	0.00	2.50E-01
0.01	6.50E-01	0.00	0.00	2.50E-01
0.01	2.33E-01	0.00	0.00	2.70E-01
0.01	2.64E-01	0.00	0.00	2.90E-01
0.01	2.37E-01	0.00	0.00	2.90E-01
0.01	5.58E-01	0.00	0.00	3.10E-01
0.00	6.02E-01	0.00	0.00	3.30E-01
0.01	6.35E-01	0.00	0.00	3.40E-01
0.01	7.07E-01	0.00	0.00	4.10E-01
0.00	8.19E-01	0.00	0.00	4.20E-01
0.00	9.63E-01	0.00	0.00	4.20E-01
0.00	4.30E-01	0.00	0.00	4.30E-01
0.01	1.95E-02	0.00	0.01	4.50E-01
0.01	7.00E-01	0.00	0.01	5.00E-01
0.01	5.05E-01	0.00	0.01	5.30E-01
0.01	1.76E-01	0.00	0.00	5.70E-01
0.00	4.36E-01	0.00	0.00	6.20E-01
0.00	5.81E-01	0.00	0.00	6.90E-01
0.01	2.49E-02	0.00	0.01	7.00E-01
0.00	4.68E-01	0.00	0.00	7.20E-01
0.01	1.08E-01	0.00	0.01	7.30E-01
0.00	4.99E-01	0.00	0.00	7.40E-01
0.01	7.23E-01	0.00	0.00	8.00E-01
0.00	7.28E-01	0.00	0.00	8.20E-01
0.00	9.85E-01	0.00	0.00	8.60E-01
0.01	5.26E-01	0.00	0.00	8.70E-01
0.01	6.57E-01	0.00	0.01	9.30E-01
0.01	1.84E-01	0.00	0.01	9.30E-01
0.00	5.82E-01	0.00	0.00	9.40E-01
0.01	2.37E-01	0.01	0.00	1.10E-01
0.02	7.47E-01	-0.01	0.01	2.00E-01
0.00	1.89E-01	0.00	0.00	2.10E-01
0.01	8.21E-01	0.00	0.00	2.40E-01
0.01	2.07E-01	0.00	0.00	2.70E-01
0.01	5.28E-01	0.00	0.00	3.90E-01
0.01	7.39E-01	0.00	0.00	4.10E-01
0.01	1.17E-01	0.00	0.00	5.90E-01
0.00	4.90E-01	0.00	0.00	6.70E-01



0.01	2.01E-01	0.00	0.00	7.50E-01
0.00	4.45E-01	0.00	0.00	8.40E-01
0.01	1.93E-01	0.02	0.01	4.60E-03
0.01	1.26E-02	0.02	0.01	6.10E-03
0.01	4.68E-02	0.02	0.01	1.30E-02
0.01	1.11E-02	0.02	0.01	1.50E-02
0.01	2.04E-01	0.01	0.00	1.80E-02
0.01	3.66E-01	0.01	0.00	1.90E-02
0.01	3.18E-01	0.01	0.00	1.90E-02
0.01	5.20E-02	0.02	0.01	2.20E-02
0.01	3.35E-02	0.01	0.01	2.90E-02
0.00	3.11E-01	0.01	0.00	3.10E-02
0.00	5.49E-01	0.01	0.00	7.70E-02
0.01	4.06E-01	0.01	0.01	9.10E-02
0.01	6.62E-02	0.01	0.00	1.10E-01
0.01	8.28E-02	0.01	0.00	1.40E-01
0.00	1.38E-01	0.00	0.00	2.60E-01
0.02	4.44E-01	0.01	0.01	3.10E-01
0.01	9.21E-01	0.00	0.00	3.10E-01
0.01	8.35E-01	0.01	0.01	3.20E-01
0.01	7.38E-01	0.00	0.00	4.30E-01
0.01	4.53E-01	0.00	0.00	4.30E-01
0.00	2.34E-01	0.00	0.00	4.50E-01
0.00	8.51E-01	0.00	0.00	4.50E-01
0.00	2.46E-01	0.00	0.00	4.60E-01
0.00	9.24E-01	0.00	0.00	5.40E-01
0.00	2.44E-01	0.00	0.00	5.70E-01
0.01	9.87E-01	0.00	0.00	6.30E-01
0.00	2.17E-01	0.00	0.00	6.70E-01
0.00	6.06E-01	0.00	0.00	7.70E-01
0.00	6.29E-01	0.00	0.00	7.90E-01
0.01	4.94E-01	0.00	0.01	9.10E-01
0.01	8.64E-02	0.00	0.00	4.50E-01
0.01	6.22E-01	-0.01	0.01	4.60E-01
0.00	1.39E-01	0.00	0.00	4.60E-01
0.01	1.95E-01	0.00	0.00	4.70E-01
0.01	5.01E-01	0.00	0.00	5.10E-01
0.01	2.17E-01	0.00	0.00	5.40E-01
0.01	1.97E-01	0.00	0.00	6.20E-01
0.00	6.24E-01	0.00	0.00	6.60E-01
0.01	5.90E-02	0.00	0.00	7.10E-01
0.00	5.92E-01	0.00	0.00	7.30E-01
0.01	4.43E-01	0.00	0.00	8.30E-01
0.01	9.56E-01	0.00	0.01	8.80E-01
0.01	3.24E-01	0.00	0.00	8.90E-01
0.00	3.69E-01	0.00	0.00	9.50E-01
0.01	3.75E-04	0.03	0.01	5.20E-06

0.00	5.36E-05	-0.02	0.00	7.90E-06
0.01	5.36E-04	0.02	0.01	8.20E-05
0.01	2.26E-04	-0.02	0.00	1.70E-04
0.01	1.02E-04	-0.02	0.00	2.10E-04
0.00	6.47E-03	-0.01	0.00	7.80E-04
0.01	1.98E-01	-0.01	0.00	1.70E-02
0.00	2.11E-01	-0.01	0.00	2.60E-02
0.01	4.36E-01	-0.01	0.00	3.00E-02
0.01	4.97E-02	-0.01	0.00	5.20E-02
0.01	1.11E-01	-0.01	0.00	9.00E-02
0.01	5.44E-01	0.01	0.00	1.60E-01
0.01	4.97E-01	0.01	0.00	1.70E-01
0.00	5.84E-01	0.00	0.00	1.70E-01
0.01	2.10E-01	0.00	0.00	9.20E-01
0.00	5.48E-04	-0.01	0.00	1.00E-03
0.01	6.39E-02	0.01	0.00	2.60E-02
0.01	2.93E-02	-0.02	0.01	3.60E-02
0.00	4.63E-02	-0.01	0.00	5.90E-02
0.00	7.09E-02	0.00	0.00	1.20E-01
0.01	9.79E-01	-0.01	0.01	2.20E-01
0.01	2.72E-01	0.00	0.00	2.50E-01
0.00	7.68E-01	0.00	0.00	5.20E-01
0.00	6.02E-02	-0.01	0.00	6.70E-04
0.00	2.71E-01	-0.01	0.00	9.00E-02
0.01	6.50E-01	0.01	0.00	1.00E-01
0.00	2.08E-01	0.00	0.00	1.20E-01
0.00	4.13E-01	0.00	0.00	1.40E-01
0.01	7.23E-01	0.01	0.01	1.70E-01
0.01	7.30E-01	0.01	0.01	2.30E-01
0.00	7.79E-01	0.00	0.00	3.20E-01
0.01	6.42E-01	0.01	0.01	4.80E-01
0.01	6.59E-01	0.00	0.01	5.00E-01
0.00	7.68E-01	0.00	0.00	5.00E-01
0.01	3.36E-01	0.00	0.01	5.20E-01
0.01	5.52E-01	0.00	0.00	5.50E-01
0.01	5.19E-01	0.00	0.00	5.70E-01
0.01	2.59E-01	0.00	0.01	5.90E-01
0.01	6.20E-01	0.00	0.01	5.90E-01
0.01	4.55E-01	0.00	0.00	6.00E-01
0.01	6.73E-01	0.00	0.00	6.20E-01
0.00	5.58E-01	0.00	0.00	6.30E-01
0.00	4.42E-01	0.00	0.00	6.90E-01
0.01	1.14E-01	0.00	0.01	7.00E-01
0.01	1.75E-01	0.00	0.01	7.30E-01
0.01	9.22E-01	0.00	0.01	7.30E-01
0.01	1.51E-01	0.00	0.00	7.50E-01
0.01	3.64E-01	0.00	0.01	7.60E-01

0.00	7.12E-01	0.00	0.00	7.60E-01
0.00	3.60E-01	0.00	0.00	7.70E-01
0.01	7.36E-02	0.00	0.00	7.80E-01
0.00	1.28E-01	0.00	0.00	8.00E-01
0.01	1.89E-01	0.00	0.00	8.30E-01
0.00	6.24E-01	0.00	0.00	8.40E-01
0.01	5.49E-01	0.00	0.01	8.40E-01
0.01	9.63E-01	0.00	0.01	8.50E-01
0.01	8.16E-01	0.00	0.00	8.80E-01
0.01	4.79E-01	0.00	0.01	9.10E-01
0.00	3.44E-01	0.00	0.00	9.50E-01
0.01	8.90E-01	0.00	0.00	9.60E-01
0.00	7.28E-01	0.00	0.00	9.70E-01
0.01	7.55E-01	0.00	0.01	9.70E-01
0.00	0.00E+00	0.06	0.00	4.50E-83
0.00	0.00E+00	0.05	0.00	3.60E-66
0.00	0.00E+00	0.05	0.00	4.40E-65
0.00	0.00E+00	-0.04	0.00	2.80E-35
0.01	7.84E-07	-0.03	0.00	4.20E-12
0.01	8.24E-05	-0.02	0.00	1.20E-06
0.01	4.42E-02	0.01	0.00	1.20E-01
0.01	4.66E-01	0.00	0.00	6.50E-01
0.00	4.02E-01	0.00	0.00	4.40E-01
0.00	4.00E-01	0.00	0.00	5.80E-01
0.01	4.32E-01	0.00	0.00	5.90E-01
0.00	2.13E-01	0.00	0.00	8.50E-01
0.00	2.90E-01	0.00	0.00	8.70E-01
0.00	3.74E-01	0.00	0.00	9.40E-01
0.00	4.85E-01	0.00	0.00	9.50E-01
0.01	1.14E-01	-0.01	0.01	1.10E-01
0.01	2.54E-01	0.01	0.01	2.70E-01
0.01	2.53E-01	0.00	0.01	4.90E-01
0.01	9.66E-01	0.00	0.00	4.90E-01
0.01	6.49E-01	0.00	0.00	7.00E-01
0.01	8.27E-01	0.00	0.00	8.30E-01
0.01	6.96E-01	0.00	0.00	9.30E-01
0.01	3.32E-01	0.00	0.00	1.00E+00
0.01	6.48E-01	-0.01	0.01	2.00E-01
0.00	2.70E-01	0.00	0.00	3.00E-01
0.00	1.03E-01	0.00	0.00	3.80E-01
0.00	3.81E-01	0.00	0.00	6.00E-01
0.00	4.28E-01	0.00	0.00	6.30E-01
0.00	3.80E-01	0.00	0.00	6.60E-01
0.01	5.14E-01	0.00	0.00	8.30E-01
0.01	5.68E-01	0.00	0.01	8.30E-01
0.02	9.93E-02	-0.02	0.01	7.90E-02
0.01	5.96E-01	0.01	0.00	1.80E-01

0.01	6.65E-01	0.01	0.00	2.30E-01
0.01	5.36E-01	0.01	0.00	2.60E-01
0.00	8.51E-03	0.00	0.00	2.60E-01
0.01	5.36E-02	0.00	0.00	2.90E-01
0.01	8.02E-01	0.00	0.00	3.60E-01
0.01	6.05E-01	0.00	0.01	5.20E-01
0.01	6.70E-01	0.00	0.00	5.70E-01
0.01	9.89E-02	0.00	0.00	6.30E-01
0.00	8.31E-01	0.00	0.00	8.50E-01
0.01	4.92E-01	0.00	0.00	9.60E-01
0.01	4.95E-01	0.00	0.00	9.60E-01
0.01	4.09E-01	0.00	0.01	9.70E-01
0.00	5.59E-02	0.00	0.00	9.70E-01
0.01	4.71E-01	0.00	0.01	9.90E-01
0.01	6.34E-02	0.00	0.00	3.60E-01
0.00	9.32E-01	0.00	0.00	3.60E-01
0.01	7.38E-01	0.00	0.00	4.40E-01
0.00	2.86E-01	0.00	0.00	4.90E-01
0.01	4.59E-01	0.00	0.01	4.90E-01
0.01	5.42E-01	0.00	0.00	5.50E-01
0.01	6.83E-01	0.00	0.00	6.30E-01
0.00	4.66E-01	0.00	0.00	6.30E-01
0.01	2.04E-01	0.00	0.00	6.70E-01
0.01	5.02E-01	0.00	0.00	7.50E-01
0.00	2.45E-01	0.00	0.00	7.70E-01
0.00	7.83E-01	0.00	0.00	7.70E-01
0.01	2.29E-01	0.00	0.01	7.80E-01
0.00	2.91E-01	0.00	0.00	8.00E-01
0.00	7.67E-01	0.00	0.00	8.40E-01
0.01	4.73E-01	0.00	0.00	8.60E-01
0.01	4.43E-01	0.00	0.00	8.80E-01
0.01	7.30E-01	0.00	0.00	8.90E-01
0.00	9.42E-01	0.00	0.00	9.10E-01
0.01	3.86E-02	0.01	0.00	6.30E-02
0.01	8.25E-02	0.00	0.00	2.00E-01
0.01	8.80E-01	0.01	0.01	2.30E-01
0.00	2.42E-01	0.00	0.00	2.90E-01
0.00	8.31E-01	0.00	0.00	3.20E-01
0.01	8.80E-01	0.00	0.01	3.60E-01
0.01	3.45E-01	0.00	0.00	3.60E-01
0.00	5.77E-01	0.00	0.00	4.30E-01
0.00	7.35E-01	0.00	0.00	4.40E-01
0.01	6.97E-01	0.00	0.01	4.60E-01
0.00	4.24E-01	0.00	0.00	4.70E-01
0.01	7.58E-01	0.00	0.00	6.40E-01
0.01	7.76E-01	0.00	0.00	6.60E-01
0.01	9.10E-01	0.00	0.00	7.20E-01

0.01	8.77E-01	0.00	0.00	8.70E-01
0.01	8.24E-01	-0.01	0.00	1.80E-01
0.00	2.44E-01	0.00	0.00	1.90E-01
0.01	7.12E-01	0.00	0.00	2.20E-01
0.00	4.55E-01	0.00	0.00	2.90E-01
0.00	9.09E-02	0.00	0.00	3.00E-01
0.01	2.39E-01	0.00	0.00	3.20E-01
0.01	4.13E-01	0.00	0.00	3.80E-01
0.01	8.36E-02	0.01	0.01	4.70E-01
0.00	3.21E-01	0.00	0.00	5.60E-01
0.01	2.73E-01	0.00	0.00	5.80E-01
0.01	3.63E-01	0.00	0.00	5.90E-01
0.00	8.08E-01	0.00	0.00	5.90E-01
0.01	5.26E-01	0.00	0.00	5.90E-01
0.00	8.28E-01	0.00	0.00	6.00E-01
0.01	2.79E-01	0.00	0.00	6.50E-01
0.00	7.84E-01	0.00	0.00	6.60E-01
0.01	5.92E-01	0.00	0.01	7.20E-01
0.01	8.14E-01	0.00	0.00	8.20E-01
0.00	8.60E-01	0.00	0.00	9.10E-01
0.01	6.67E-01	0.00	0.00	9.20E-01
0.00	6.57E-01	0.00	0.00	9.20E-01
0.00	9.54E-01	0.00	0.00	9.50E-01
0.00	2.45E-01	0.00	0.00	9.60E-01
0.01	1.88E-02	-0.01	0.00	5.50E-03
0.00	1.19E-02	-0.01	0.00	5.70E-03
0.00	3.50E-02	0.01	0.00	3.20E-02
0.01	2.40E-01	-0.01	0.00	4.00E-02
0.00	4.22E-02	0.01	0.00	4.60E-02
0.00	3.82E-01	-0.01	0.00	4.70E-02
0.00	1.96E-01	0.01	0.00	7.00E-02
0.00	3.54E-02	0.01	0.00	7.30E-02
0.00	3.46E-01	-0.01	0.00	8.70E-02
0.01	4.66E-01	0.01	0.00	8.80E-02
0.01	7.47E-01	-0.01	0.00	1.30E-01
0.00	4.74E-02	0.00	0.00	1.40E-01
0.00	2.34E-01	0.00	0.00	1.60E-01
0.00	2.53E-01	0.00	0.00	1.60E-01
0.01	3.06E-01	0.01	0.00	2.00E-01
0.01	8.01E-01	0.01	0.01	2.20E-01
0.01	1.52E-01	0.01	0.01	2.30E-01
0.01	4.93E-01	0.00	0.00	2.40E-01
0.01	9.11E-01	0.00	0.00	3.50E-01
0.01	8.20E-01	-0.01	0.01	3.80E-01
0.00	8.54E-01	0.00	0.00	4.00E-01
0.00	3.53E-01	0.00	0.00	4.80E-01
0.01	4.48E-01	0.00	0.01	5.50E-01

0.01	3.21E-01	0.00	0.00	6.00E-01
0.01	7.28E-01	0.00	0.01	6.40E-01
0.01	3.89E-01	0.00	0.01	6.70E-01
0.00	5.71E-01	0.00	0.00	7.10E-01
0.01	8.91E-01	0.00	0.01	7.20E-01
0.00	9.54E-01	0.00	0.00	7.20E-01
0.01	4.83E-01	0.00	0.00	8.90E-01
0.01	7.37E-01	0.00	0.01	9.80E-01
0.00	1.06E-01	-0.01	0.00	1.40E-02
0.01	1.14E-01	0.01	0.00	4.00E-02
0.00	2.57E-01	0.01	0.00	6.30E-02
0.00	1.68E-01	0.01	0.00	6.90E-02
0.01	5.38E-02	0.01	0.01	7.00E-02
0.00	1.28E-01	0.01	0.00	7.90E-02
0.00	2.01E-01	0.01	0.00	1.00E-01
0.00	3.06E-01	0.01	0.00	1.10E-01
0.00	3.98E-01	-0.01	0.00	1.20E-01
0.00	4.63E-01	0.00	0.00	1.70E-01
0.00	8.85E-01	0.00	0.00	3.40E-01
0.01	9.97E-01	0.00	0.00	7.80E-01
0.01	5.77E-01	0.00	0.00	9.90E-01
0.01	4.62E-01	0.00	0.01	9.90E-01

snp	gene	chr	pos	wtvt	MAF	women			men			
						beta	ste	p	wtvt	MAF	beta	ste
rs1757465	GHR	5	42472673	A>C	0.09	0.03	0.01	1.24E-02	A>C	0.10	0.01	0.01
rs7715032	GHR	5	42660552	T>C	0.27	0.01	0.01	2.10E-01	T>C	0.27	0.02	0.01
rs719756	GHR	5	42761386	T>A	0.47	-0.01	0.01	1.97E-01	T>A	0.45	-0.01	0.01
rs6414898	GHR	5	42731925	G>C	0.24	0.01	0.01	4.51E-01	G>C	0.24	0.02	0.01
rs2894388	GHR	5	42681415	T>C	0.09	0.01	0.01	5.09E-01	T>C	0.09	0.03	0.01
rs1173984	GHR	5	42714102	T>C	0.08	0.00	0.01	6.98E-01	T>C	0.08	0.03	0.01
rs1318211	GHR	5	42647605	T>G	0.14	0.01	0.01	3.07E-01	T>G	0.15	0.02	0.01
rs1044064	GHR	5	42652098	T>A	0.18	0.01	0.01	3.01E-01	T>A	0.19	0.01	0.01
rs6451628	GHR	5	42670471	A>C	0.10	0.00	0.01	7.05E-01	A>C	0.10	0.02	0.01
rs7709790	GHR	5	42645847	C>G	0.19	0.00	0.01	5.33E-01	C>G	0.19	0.01	0.01
rs4410646	GHR	5	42605399	A>C	0.10	-0.01	0.01	2.22E-01	A>C	0.10	-0.01	0.01
rs6878461	GHR	5	42710126	A>G	0.16	0.01	0.01	4.21E-01	A>G	0.16	0.01	0.01
rs7447731	GHR	5	42715990	C>T	0.16	0.01	0.01	4.35E-01	C>T	0.16	0.01	0.01
rs1215300	GHR	5	42589636	G>A	0.28	0.02	0.01	1.67E-02	G>A	0.29	-0.01	0.01
rs2940923	GHR	5	42499532	G>A	0.47	0.00	0.01	7.70E-01	G>A	0.46	0.01	0.01
rs1047328	GHR	5	42445720	G>A	0.21	0.00	0.01	5.36E-01	G>A	0.19	0.01	0.01
rs2940935	GHR	5	42522360	C>T	0.20	0.00	0.01	8.31E-01	C>T	0.19	0.01	0.01
rs6883523	GHR	5	42600505	G>T	0.18	0.00	0.01	9.66E-01	G>T	0.19	0.01	0.01
rs1223394	GHR	5	42643218	G>C	0.27	0.01	0.01	1.19E-01	G>C	0.28	0.00	0.01
rs2972419	GHR	5	42519634	G>A	0.20	0.00	0.01	8.76E-01	G>A	0.19	0.01	0.01
rs6887528	GHR	5	42659309	C>T	0.07	-0.01	0.01	5.58E-01	C>T	0.06	-0.01	0.01
rs4530764	GHR	5	42540052	T>A	0.47	0.00	0.01	4.91E-01	T>A	0.47	0.01	0.01
rs4395642	GHR	5	42588188	C>T	0.25	0.00	0.01	5.78E-01	C>T	0.25	0.01	0.01
rs1364024	GHR	5	42760670	T>C	0.26	0.01	0.01	2.40E-01	T>C	0.28	0.00	0.01
rs1862628	GHR	5	42758885	T>C	0.30	0.01	0.01	3.53E-01	T>C	0.31	0.00	0.01
rs1345825	GHR	5	42760275	A>C	0.30	0.01	0.01	3.75E-01	A>C	0.31	0.00	0.01
rs1047328	GHR	5	42445817	G>A	0.41	0.00	0.01	7.57E-01	G>A	0.41	-0.01	0.01
rs7707913	GHR	5	42620609	C>T	0.25	-0.01	0.01	4.36E-01	C>T	0.25	0.01	0.01
rs1509458	GHR	5	42457840	G>T	0.28	0.01	0.01	4.04E-01	G>T	0.28	0.00	0.01
rs1757516	GHR	5	42506774	T>C	0.20	0.00	0.01	6.59E-01	T>C	0.21	0.01	0.01
rs4130113	GHR	5	42550408	G>A	0.41	0.01	0.01	3.60E-01	G>A	0.41	-0.01	0.01
rs6451620	GHR	5	42508871	G>A	0.07	0.00	0.01	9.54E-01	G>A	0.06	0.00	0.01

rs4129472 GHR	5	42558929	T>C	0.19	0.00	0.01	8.16E-01	T>C	0.20	0.00	0.01
rs1174498 GHR	5	42510453	C>T	0.07	-0.01	0.01	2.86E-01	C>T	0.06	0.02	0.01
rs1763676 GHR	5	42498018	C>T	0.27	-0.01	0.01	2.98E-01	C>T	0.27	0.01	0.01
rs2972392 GHR	5	42531592	A>C	0.43	-0.01	0.01	3.97E-01	A>C	0.43	0.01	0.01
rs4988492 GHRH	20	35316112	G>A	0.02	-0.05	0.02	4.04E-02	G>A	0.02	-0.03	0.03
rs6032574 GHRH	20	35336875	G>T	0.25	0.00	0.01	9.47E-01	G>T	0.25	-0.02	0.01
rs1108699 GHRH	20	35345908	A>G	0.30	0.00	0.01	7.13E-01	A>G	0.29	-0.01	0.01
rs6032470 GHRH	20	35320941	T>C	0.13	0.01	0.01	4.93E-01	T>C	0.13	0.01	0.01
rs1001351 GHRH	20	35305507	C>T	0.28	0.01	0.01	1.30E-01	C>T	0.31	0.00	0.01
rs6017708 GHRH	20	35335091	G>A	0.27	0.00	0.01	6.92E-01	G>A	0.26	-0.01	0.01
rs1108697 GHRH	20	35302756	G>A	0.21	0.01	0.01	7.95E-02	G>A	0.23	-0.01	0.01
rs1073768 GHRH	20	35310424	C>T	0.44	0.00	0.01	6.74E-01	C>T	0.44	0.00	0.01
rs8114696 GHRH	20	35304638	A>G	0.12	0.00	0.01	7.81E-01	A>G	0.12	0.01	0.01
rs6017655 GHRH	20	35319954	C>T	0.27	0.01	0.01	4.82E-01	C>T	0.28	-0.01	0.01
rs1534971 GHRH	20	35306281	A>G	0.16	0.01	0.01	1.34E-01	A>G	0.19	-0.01	0.01
rs1343806 GHRHR	7	30791287	T>A	0.05	0.03	0.01	1.56E-02	T>A	0.05	0.02	0.02
rs2837156 GHRHR	7	30793692	C>T	0.05	0.03	0.01	1.91E-02	C>T	0.05	0.02	0.02
rs4988498 GHRHR	7	30782816	G>T	0.05	0.03	0.01	3.03E-02	G>T	0.06	0.01	0.02
rs2837155 GHRHR	7	30782137	C>T	0.05	0.03	0.01	4.45E-02	C>T	0.06	0.01	0.02
rs4988496 GHRHR	7	30781926	G>A	0.06	0.02	0.01	1.08E-01	G>A	0.06	0.02	0.01
rs2228078 GHRHR	7	30792092	T>C	0.02	0.04	0.02	7.92E-02	T>C	0.01	0.03	0.03
rs4410792 GHRHR	7	30770433	A>T	0.15	0.01	0.01	5.02E-01	A>T	0.14	0.02	0.01
rs1197338 GHRHR	7	30799084	A>G	0.23	0.01	0.01	2.42E-01	A>G	0.23	0.01	0.01
rs3399592 GHRHR	7	30968800	C>T	0.09	0.01	0.01	4.84E-01	C>T	0.08	0.02	0.01
rs7458593 GHRHR	7	30762746	C>T	0.13	0.01	0.01	4.79E-01	C>T	0.12	0.01	0.01
rs1026524 GHRHR	7	30758816	G>A	0.05	0.01	0.01	6.38E-01	G>A	0.05	0.02	0.02
rs1042903 GHRHR	7	30800461	G>C	0.23	0.01	0.01	3.27E-01	G>C	0.23	0.01	0.01
rs2837157 GHRHR	7	30796742	G>A	0.22	-0.01	0.01	3.63E-01	G>A	0.23	-0.01	0.01
rs4723025 GHRHR	7	30750682	T>C	0.43	0.01	0.01	3.24E-01	T>C	0.42	0.00	0.01
rs7384927 GHRHR	7	30773340	G>T	0.40	0.01	0.01	2.44E-01	G>T	0.38	0.00	0.01
rs1176197 GHRHR	7	30791378	C>A	0.22	-0.01	0.01	2.99E-01	C>A	0.23	0.00	0.01
rs2267723 GHRHR	7	30780182	A>G	0.45	-0.01	0.01	2.70E-01	A>G	0.45	0.00	0.01
rs1715976 GHRHR	7	30775780	C>T	0.32	0.00	0.01	7.18E-01	C>T	0.31	-0.01	0.01
rs2837155 GHRHR	7	30776065	C>T	0.34	0.00	0.01	6.40E-01	C>T	0.33	-0.01	0.01



rs1177144:GHRHR	7	30797413	T>C	0.24	0.01	0.01	4.93E-01	T>C	0.22	0.00	0.01
rs2741 GHRHR	7	30788805	T>G	0.10	-0.01	0.01	2.86E-01	T>G	0.10	0.00	0.01
rs4988494 GHRHR	7	30777059	C>T	0.12	0.00	0.01	8.92E-01	C>T	0.12	0.01	0.01
rs1022530:GHRHR	7	30774315	C>T	0.44	0.00	0.01	8.89E-01	C>T	0.43	0.00	0.01
rs2302019 GHRHR	7	30776663	C>T	0.44	0.00	0.01	6.70E-01	C>T	0.43	0.00	0.01
rs6962369 GHRHR	7	30792545	T>C	0.14	-0.01	0.01	4.06E-01	T>C	0.14	0.01	0.01
rs4988505 GHRHR	7	30790343	G>C	0.30	0.00	0.01	9.15E-01	G>C	0.30	0.00	0.01
rs2267721 GHRHR	7	30778683	C>G	0.37	0.00	0.01	5.16E-01	C>G	0.36	0.00	0.01
rs886825 GHRHR	7	30748473	T>C	0.44	0.00	0.01	6.57E-01	T>C	0.42	0.00	0.01
rs6954044 GHRHR	7	30775255	T>A	0.08	0.00	0.01	6.99E-01	T>A	0.08	-0.01	0.01
rs881499 GHRHR	7	30749304	A>G	0.29	0.01	0.01	4.09E-01	A>G	0.28	-0.01	0.01
rs1520220 IGF1	12	1.01E+08	C>G	0.18	0.03	0.01	6.83E-04	C>G	0.19	0.02	0.01
rs1073538:IGF1	12	1.01E+08	A>G	0.26	0.02	0.01	2.65E-03	A>G	0.28	0.02	0.01
rs1282187:IGF1	12	1.01E+08	G>A	0.23	-0.01	0.01	2.65E-01	G>A	0.22	-0.03	0.01
rs2373722 IGF1	12	1.01E+08	G>A	0.07	0.03	0.01	1.80E-02	G>A	0.07	0.03	0.01
rs2946834 IGF1	12	1.01E+08	G>A	0.33	0.02	0.01	1.02E-02	G>A	0.33	0.01	0.01
rs35767 IGF1	12	1.01E+08	G>A	0.16	0.01	0.01	2.16E-01	G>A	0.17	0.03	0.01
rs1549593 IGF1	12	1.01E+08	G>T	0.13	-0.01	0.01	4.85E-01	G>T	0.14	-0.03	0.01
rs2195239 IGF1	12	1.01E+08	C>G	0.22	0.02	0.01	6.50E-03	C>G	0.25	0.01	0.01
rs1996656 IGF1	12	1.01E+08	A>G	0.17	0.01	0.01	2.05E-01	A>G	0.19	0.01	0.01
rs1019731 IGF1	12	1.01E+08	C>A	0.13	0.00	0.01	7.88E-01	C>A	0.13	-0.03	0.01
rs7965399 IGF1	12	1.01E+08	T>C	0.04	0.01	0.02	3.72E-01	T>C	0.05	0.00	0.02
rs4764876 IGF1	12	1.01E+08	G>C	0.26	0.00	0.01	4.92E-01	G>C	0.27	0.00	0.01
rs5742665 IGF1	12	1.01E+08	C>G	0.14	0.00	0.01	9.63E-01	C>G	0.13	-0.01	0.01
rs4764695 IGF1	12	1.01E+08	A>G	0.50	0.01	0.01	2.62E-01	G>A	0.48	-0.01	0.01
rs344352 IGFALS	16	1786477	C>G	0.28	-0.01	0.01	2.34E-01	C>G	0.30	-0.03	0.01
rs1178436 IGFALS	16	1771654	C>T	0.15	-0.01	0.01	3.51E-01	C>T	0.16	-0.03	0.01
rs344359 IGFALS	16	1778641	C>T	0.14	-0.01	0.01	4.91E-01	C>T	0.16	-0.03	0.01
rs1186566:IGFALS	16	1805537	A>G	0.07	0.03	0.01	3.91E-02	A>G	0.07	0.02	0.01
rs17559 IGFALS	16	1781034	G>A	0.09	0.01	0.01	1.76E-01	G>A	0.09	0.02	0.01
rs2268670 IGFALS	16	1811330	C>T	0.14	-0.01	0.01	3.41E-01	C>T	0.15	-0.02	0.01
rs238680 IGFALS	16	1812161	A>G	0.29	0.00	0.01	5.45E-01	A>G	0.31	-0.01	0.01
rs344361 IGFALS	16	1808555	C>T	0.14	-0.01	0.01	3.41E-01	C>T	0.15	-0.01	0.01
rs7189070 IGFALS	16	1790814	G>A	0.24	0.01	0.01	4.35E-01	G>A	0.24	0.01	0.01

rs2272977	IGFALS	16	1778038	C>G	0.12	0.00	0.01	8.51E-01	C>G	0.13	-0.02	0.01
rs2473466	IGFALS	16	1784562	A>G	0.37	0.00	0.01	7.78E-01	A>G	0.39	-0.01	0.01
rs1028590	IGFALS	16	1798070	T>C	0.37	0.00	0.01	8.59E-01	T>C	0.39	-0.01	0.01
rs1742430	IGFALS	16	1798950	G>C	0.22	0.00	0.01	8.31E-01	G>C	0.23	-0.01	0.01
rs1742450	IGFALS	16	1794541	T>C	0.22	0.00	0.01	9.33E-01	T>C	0.23	-0.01	0.01
rs238678	IGFALS	16	1812723	G>A	0.15	0.00	0.01	6.81E-01	G>A	0.16	0.00	0.01
rs2201638	IGFBP1	7	45696150	G>A	0.03	0.02	0.02	2.32E-01	G>A	0.03	0.04	0.02
rs1022826	IGFBP1	7	45682155	A>G	0.30	0.01	0.01	5.81E-02	A>G	0.31	0.01	0.01
rs1908751	IGFBP1	7	45708759	C>T	0.30	0.00	0.01	9.64E-01	C>T	0.31	0.01	0.01
rs4988515	IGFBP1	7	45705840	C>T	0.04	0.01	0.02	3.64E-01	C>T	0.04	0.00	0.02
rs3553961	IGFBP1	7	45878989	C>G	0.23	0.00	0.01	7.75E-01	C>G	0.24	0.00	0.01
rs1553009	IGFBP1	7	45682234	G>A	0.20	0.00	0.01	8.53E-01	G>A	0.19	-0.01	0.01
rs4619	IGFBP1	7	45705909	A>G	0.34	0.01	0.01	2.86E-01	A>G	0.35	-0.01	0.01
rs1065780	IGFBP1	7	45700917	G>A	0.38	0.00	0.01	6.43E-01	G>A	0.38	0.00	0.01
rs3770473	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>G	0.30	-0.02	0.01	1.11E-02	T>G	0.31	-0.02	0.01
rs1525608	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.42	0.00	0.01	5.15E-01	G>A	0.42	0.01	0.01
rs9341134	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>T	0.08	-0.01	0.01	2.57E-01	A>T	0.07	-0.01	0.01
rs1685644	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>A	0.21	0.01	0.01	3.76E-01	C>A	0.22	0.01	0.01
rs4674101	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.33	0.00	0.01	7.80E-01	G>A	0.33	0.01	0.01
rs4674100	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.30	0.00	0.01	6.15E-01	G>A	0.28	-0.01	0.01
rs7603372	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.36	0.01	0.01	2.20E-01	T>C	0.36	0.00	0.01
rs6727330	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.35	-0.01	0.01	1.84E-01	T>C	0.35	0.00	0.01
rs741384	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>C	0.48	0.00	0.01	8.44E-01	G>C	0.49	-0.01	0.01
rs1093267	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>C	0.24	0.00	0.01	7.58E-01	G>C	0.24	0.01	0.01
rs7565131	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>C	0.07	0.02	0.01	1.93E-01	A>C	0.07	-0.01	0.01
rs1169384	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.28	-0.01	0.01	6.50E-02	T>C	0.28	0.01	0.01
rs9341145	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.05	0.00	0.01	7.34E-01	C>T	0.07	-0.01	0.01
rs1157519	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.05	0.00	0.01	9.25E-01	G>A	0.04	0.01	0.02
rs2372866	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.10	-0.01	0.01	4.22E-01	C>T	0.09	0.00	0.01
rs1016530	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.19	0.00	0.01	7.07E-01	T>C	0.19	0.01	0.01
rs888184	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>G	0.16	-0.01	0.01	1.54E-01	A>G	0.16	0.01	0.01
rs1749623	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.33	0.00	0.01	9.33E-01	T>C	0.34	-0.01	0.01
rs2241199	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.04	0.01	0.02	3.91E-01	T>C	0.04	0.00	0.02
rs6736397	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.09	-0.01	0.01	5.04E-01	C>T	0.09	0.00	0.01

rs9341218	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>G	0.04	0.01	0.02	5.98E-01	A>G	0.04	0.00	0.02
rs9341156	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.04	0.00	0.02	9.05E-01	C>T	0.04	0.01	0.02
rs1016897	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>A	0.09	0.00	0.01	7.49E-01	T>A	0.10	0.00	0.01
rs1093266	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.40	0.00	0.01	8.34E-01	G>A	0.40	0.01	0.01
rs888182	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>G	0.16	-0.01	0.01	2.55E-01	T>G	0.16	0.01	0.01
rs4674107	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>C	0.28	0.00	0.01	7.23E-01	A>C	0.28	0.00	0.01
rs1269439	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.20	0.00	0.01	6.59E-01	G>A	0.20	0.00	0.01
rs6435948	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>G	0.41	-0.01	0.01	1.61E-01	T>G	0.41	0.01	0.01
rs2056642	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>C	0.43	0.00	0.01	9.27E-01	T>C	0.44	0.00	0.01
rs3276	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.05	0.00	0.01	9.73E-01	G>A	0.05	-0.01	0.02
rs888186	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>G	0.09	0.00	0.01	7.16E-01	A>G	0.09	0.01	0.01
rs7426116	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>G	0.30	0.00	0.01	4.75E-01	C>G	0.29	0.00	0.01
rs1157513	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.21	0.01	0.01	1.70E-01	C>T	0.22	-0.01	0.01
rs9288520	IGFBP2_5	2	2.17E+08	G>A	0.12	0.00	0.01	9.67E-01	G>A	0.13	0.00	0.01
rs759546	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.06	-0.02	0.01	1.69E-01	C>T	0.06	0.02	0.01
rs2270360	IGFBP2_5	2	2.17E+08	A>C	0.29	0.00	0.01	6.23E-01	A>C	0.29	0.01	0.01
rs9341191	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.05	0.00	0.01	8.29E-01	C>T	0.06	0.00	0.02
rs3755137	IGFBP2_5	2	2.17E+08	T>A	0.19	-0.01	0.01	2.30E-01	T>A	0.18	0.01	0.01
rs7602780	IGFBP2_5	2	2.17E+08	C>T	0.10	0.00	0.01	9.74E-01	C>T	0.10	0.00	0.01
rs2960436	IGFBP3	7	45750522	G>A	0.49	-0.01	0.01	2.61E-01	G>A	0.46	-0.01	0.01
rs2132570	IGFBP3	7	45735703	G>T	0.20	0.00	0.01	5.48E-01	G>T	0.22	0.02	0.01
rs6670	IGFBP3	7	45725494	T>A	0.22	-0.02	0.01	3.24E-03	T>A	0.21	0.00	0.01
rs2854746	IGFBP3	7	45733885	G>C	0.43	0.00	0.01	4.54E-01	G>C	0.40	-0.01	0.01
rs2854744	IGFBP3	7	45734315	G>T	0.48	0.00	0.01	6.74E-01	G>T	0.46	-0.01	0.01
rs3110697	IGFBP3	7	45728269	G>A	0.41	0.00	0.01	6.49E-01	G>A	0.42	0.01	0.01
rs2270628	IGFBP3	7	45722810	C>T	0.18	0.00	0.01	9.26E-01	C>T	0.20	0.00	0.01
rs2453839	IGFBP3	7	45726813	T>C	0.19	0.00	0.01	8.23E-01	T>C	0.20	0.00	0.01
rs584438	IGFBP4	17	35852698	C>A	0.37	0.00	0.01	5.35E-01	C>A	0.37	0.01	0.01
rs538399	IGFBP4	17	35864191	A>G	0.25	0.00	0.01	9.31E-01	A>G	0.27	0.01	0.01
rs7214466	IGFBP4	17	35871630	T>C	0.28	0.00	0.01	8.51E-01	T>C	0.30	0.01	0.01
rs2015561	IGFBP4	17	35846820	A>G	0.40	0.00	0.01	8.07E-01	A>G	0.41	0.00	0.01
rs4890114	IGFBP4	17	35857075	A>G	0.40	0.00	0.01	6.12E-01	A>G	0.42	0.00	0.01
rs528045	IGFBP4	17	35840398	G>A	0.19	0.01	0.01	1.69E-01	G>A	0.20	-0.01	0.01
rs2245333	IGFBP4	17	35870239	A>G	0.34	0.01	0.01	4.01E-01	A>G	0.32	-0.01	0.01

rs9658605	IGFBP6	12	51778766	T>C	0.07	0.00	0.01	7.05E-01	T>C	0.07	0.02	0.01
rs7974876	IGFBP6	12	51765401	T>C	0.12	-0.01	0.01	2.11E-01	T>C	0.13	0.00	0.01
rs7979974	IGFBP6	12	51761289	T>C	0.21	-0.01	0.01	1.28E-01	T>C	0.20	0.00	0.01
rs7308390	IGFBP6	12	51786309	C>T	0.06	0.00	0.01	9.58E-01	C>T	0.05	-0.02	0.02
rs2280699	IGFBP6	12	51783965	A>G	0.20	-0.01	0.01	3.84E-01	A>G	0.19	0.00	0.01
rs2280700	IGFBP6	12	51784068	A>G	0.07	0.00	0.01	8.38E-01	A>G	0.07	-0.01	0.01
rs1117041	IGFBP6	12	51786412	C>T	0.11	-0.01	0.01	5.29E-01	C>T	0.11	0.00	0.01
rs822688	IGFBP6	12	51779654	C>T	0.13	0.00	0.01	6.02E-01	C>T	0.13	0.01	0.01
rs300982	POU1F1	3	87408443	G>A	0.05	-0.01	0.01	3.65E-01	G>A	0.06	-0.02	0.02
rs2009491	POU1F1	3	87384135	C>A	0.40	-0.01	0.01	2.05E-01	C>A	0.40	0.00	0.01
rs300998	POU1F1	3	87417321	T>C	0.12	-0.01	0.01	4.81E-01	T>C	0.13	-0.01	0.01
rs7428816	POU1F1	3	87390237	A>G	0.06	0.01	0.01	3.38E-01	A>G	0.06	0.00	0.01
rs300995	POU1F1	3	87415359	G>A	0.44	-0.01	0.01	4.11E-01	G>A	0.43	0.00	0.01
rs2172685	POU1F1	3	87425634	C>T	0.28	-0.01	0.01	3.97E-01	C>T	0.28	0.00	0.01
rs300984	POU1F1	3	87428332	T>C	0.43	0.00	0.01	5.14E-01	T>C	0.34	0.00	0.01
rs1702411	POU1F1	3	87404447	G>A	0.48	0.00	0.01	6.32E-01	G>A	0.48	0.00	0.01
rs3393496	SST	3	1.89E+08	T>G	0.01	-0.05	0.03	7.43E-02	T>G	0.01	-0.06	0.03
rs3864101	SST	3	1.89E+08	G>T	0.23	0.01	0.01	2.12E-01	G>T	0.22	0.01	0.01
rs7624906	SST	3	1.89E+08	T>C	0.11	0.02	0.01	1.22E-01	T>C	0.11	0.01	0.01
rs1051381	SST	3	1.89E+08	G>T	0.11	0.02	0.01	7.70E-02	G>T	0.11	0.01	0.01
rs2162188	SST	3	1.89E+08	C>T	0.12	0.01	0.01	1.33E-01	C>T	0.11	0.01	0.01
rs1343424	SST	3	1.89E+08	A>G	0.32	0.00	0.01	4.61E-01	A>G	0.32	0.01	0.01
rs9812190	SST	3	1.89E+08	G>A	0.13	0.00	0.01	8.07E-01	G>A	0.13	0.02	0.01
rs4988514	SST	3	1.89E+08	T>C	0.09	-0.01	0.01	3.22E-01	T>C	0.09	0.00	0.01
rs9861141	SST	3	1.89E+08	G>A	0.20	-0.02	0.01	4.00E-02	G>A	0.20	0.01	0.01
rs6802392	SST	3	1.89E+08	T>C	0.20	-0.02	0.01	3.12E-02	T>C	0.20	0.01	0.01
rs3915052	SST	3	1.89E+08	G>A	0.18	0.00	0.01	8.04E-01	G>A	0.18	0.01	0.01
rs6786957	SST	3	1.89E+08	C>T	0.13	0.00	0.01	5.97E-01	C>T	0.13	0.01	0.01
rs5008195	SST	3	1.89E+08	T>C	0.35	-0.01	0.01	1.24E-01	T>C	0.34	0.02	0.01
rs1051381	SST	3	1.89E+08	G>A	0.10	0.00	0.01	7.23E-01	G>A	0.10	0.01	0.01
rs1779600	SST	3	1.89E+08	A>G	0.10	0.00	0.01	7.49E-01	A>G	0.10	0.01	0.01
rs6765474	SST	3	1.89E+08	A>C	0.38	-0.01	0.01	4.88E-02	A>C	0.38	0.02	0.01
rs2812094	SSTR1	14	37736641	T>C	0.19	0.01	0.01	4.48E-01	T>C	0.19	0.01	0.01
rs2812075	SSTR1	14	37718230	A>T	0.26	0.00	0.01	6.90E-01	A>T	0.26	0.01	0.01

rs2415462	SSTR1	14	37723475	G>T	0.23	-0.01	0.01	9.55E-02	G>T	0.22	0.00	0.01
rs1288533	SSTR1	14	37752732	C>T	0.28	-0.01	0.01	3.21E-02	C>T	0.27	0.01	0.01
rs1049833	SSTR1	14	37736265	G>A	0.14	0.01	0.01	4.81E-01	G>A	0.15	-0.02	0.01
rs4371078	SSTR1	14	37761320	G>A	0.12	-0.01	0.01	1.39E-01	G>A	0.12	0.00	0.01
rs2415459	SSTR1	14	37717870	G>A	0.23	-0.01	0.01	1.11E-01	G>A	0.22	0.00	0.01
rs1747404	SSTR1	14	37754617	A>T	0.33	-0.01	0.01	5.73E-02	A>T	0.33	0.01	0.01
rs1288991	SSTR1	14	37749831	T>C	0.33	-0.01	0.01	6.44E-02	T>C	0.32	0.01	0.01
rs7156366	SSTR1	14	37735529	G>A	0.47	0.01	0.01	3.17E-01	G>A	0.48	-0.02	0.01
rs1288763	SSTR1	14	37743255	C>T	0.29	-0.01	0.01	1.50E-01	C>T	0.28	0.00	0.01
rs7152719	SSTR1	14	37757024	G>T	0.38	0.00	0.01	6.71E-01	G>T	0.36	-0.01	0.01
rs2257050	SSTR1	14	37722468	G>A	0.49	-0.01	0.01	3.76E-01	G>A	0.48	0.01	0.01
rs2250339	SSTR1	14	37739008	A>G	0.36	-0.01	0.01	2.29E-01	A>G	0.34	0.01	0.01
rs4394988	SSTR1	14	37747663	A>G	0.42	0.00	0.01	5.22E-01	A>G	0.41	0.01	0.01
rs1162241	SSTR1	14	37753012	C>T	0.05	0.00	0.01	7.31E-01	C>T	0.05	0.01	0.02
rs2250334	SSTR1	14	37738744	A>G	0.41	-0.01	0.01	2.89E-01	A>G	0.40	0.01	0.01
rs2250885	SSTR1	14	37743042	A>G	0.07	0.00	0.01	9.64E-01	A>G	0.07	0.00	0.01
rs4640088	SSTR1	14	37752444	G>A	0.14	0.01	0.01	4.79E-01	G>A	0.14	-0.01	0.01
rs714925	SSTR2	17	68675264	A>G	0.34	-0.01	0.01	2.74E-01	A>G	0.35	0.00	0.01
rs8070513	SSTR2	17	68659303	A>G	0.17	-0.01	0.01	2.22E-01	A>G	0.16	0.00	0.01
rs7207812	SSTR2	17	68654483	G>C	0.10	-0.01	0.01	4.76E-01	G>C	0.11	0.00	0.01
rs7224362	SSTR2	17	68679136	G>A	0.23	-0.01	0.01	4.65E-01	G>A	0.22	0.02	0.01
rs728291	SSTR2	17	68675383	C>A	0.37	0.01	0.01	5.85E-02	C>A	0.37	-0.01	0.01
rs2236754	SSTR2	17	68675676	A>G	0.24	-0.01	0.01	4.14E-01	A>G	0.24	0.01	0.01
rs1293674	SSTR2	17	68679350	G>T	0.09	0.00	0.01	9.82E-01	G>T	0.10	-0.01	0.01
rs1037257	SSTR2	17	68662948	C>T	0.32	-0.01	0.01	3.67E-01	C>T	0.33	0.00	0.01
rs7213907	SSTR2	17	68654589	C>T	0.21	-0.01	0.01	3.44E-01	C>T	0.21	0.00	0.01
rs1037260	SSTR2	17	68668860	T>G	0.06	0.01	0.01	5.06E-01	T>G	0.05	0.00	0.02
rs1165000	SSTR2	17	68687566	C>T	0.30	0.00	0.01	8.51E-01	C>T	0.32	0.01	0.01
rs6501603	SSTR2	17	68687739	T>G	0.47	0.00	0.01	9.27E-01	T>G	0.50	0.00	0.01
rs4969076	SSTR2	17	68665319	C>G	0.24	0.00	0.01	8.05E-01	C>G	0.25	0.00	0.01
rs8073445	SSTR2	17	68688734	C>T	0.18	0.00	0.01	9.80E-01	C>T	0.18	0.00	0.01
rs753281	SSTR2	17	68691048	G>A	0.18	0.00	0.01	8.25E-01	G>A	0.18	0.00	0.01
rs3393998	SSTR3	22	35930987	G>A	0.05	-0.01	0.01	4.78E-01	G>A	0.05	0.04	0.02
rs229559	SSTR3	22	35922900	C>G	0.27	0.00	0.01	6.42E-01	C>G	0.27	0.02	0.01

rs2285110	SSTR3	22	35952645	A>G	0.32	0.00	0.01	8.56E-01	A>G	0.32	0.01	0.01
rs229562	SSTR3	22	35923565	T>G	0.45	0.00	0.01	4.58E-01	T>G	0.45	0.01	0.01
rs1305833	SSTR3	22	35957270	T>A	0.25	0.01	0.01	4.39E-01	T>A	0.24	0.00	0.01
rs229563	SSTR3	22	35923942	A>G	0.27	0.00	0.01	7.72E-01	A>G	0.28	0.01	0.01
rs739042	SSTR3	22	35949919	A>G	0.41	0.00	0.01	9.09E-01	A>G	0.40	0.01	0.01
rs739040	SSTR3	22	35924302	C>A	0.34	0.00	0.01	8.05E-01	C>A	0.34	-0.01	0.01
rs6572	SSTR3	22	35945945	G>C	0.46	-0.01	0.01	1.59E-01	G>C	0.45	0.02	0.01
rs6000603	SSTR3	22	35917591	A>G	0.23	0.00	0.01	5.88E-01	A>G	0.23	-0.01	0.01
rs4820271	SSTR3	22	35920734	G>A	0.21	0.00	0.01	7.18E-01	G>A	0.21	-0.01	0.01
rs2239774	SSTR3	22	35962153	G>C	0.15	-0.01	0.01	2.12E-01	G>C	0.15	0.01	0.01
rs8135343	SSTR3	22	35952345	G>A	0.38	0.00	0.01	8.47E-01	G>A	0.37	0.00	0.01
rs4821605	SSTR3	22	35940590	C>G	0.15	0.00	0.01	8.17E-01	C>G	0.15	0.01	0.01
rs8137698	SSTR3	22	35948736	T>C	0.15	0.00	0.01	8.24E-01	T>C	0.15	0.01	0.01
rs737550	SSTR3	22	35936487	C>T	0.40	0.01	0.01	3.16E-01	C>T	0.40	0.00	0.01
rs1476002	SSTR3	22	35955288	C>T	0.12	0.00	0.01	6.20E-01	C>T	0.11	0.01	0.01
rs933222	SSTR3	22	35943137	C>T	0.30	-0.01	0.01	1.72E-01	C>T	0.29	0.02	0.01
rs5756573	SSTR3	22	35958275	G>A	0.10	0.01	0.01	5.98E-01	G>A	0.11	-0.01	0.01
rs9607432	SSTR3	22	35954983	T>C	0.12	0.00	0.01	7.48E-01	T>C	0.11	0.01	0.01
rs933223	SSTR3	22	35943334	A>G	0.30	-0.01	0.01	1.29E-01	A>G	0.29	0.01	0.01
rs2239775	SSTR3	22	35962341	C>A	0.14	0.00	0.01	7.75E-01	C>A	0.13	0.00	0.01
rs9610669	SSTR3	22	35932481	C>A	0.49	0.00	0.01	7.62E-01	C>A	0.50	0.00	0.01
rs3176123	SSTR4	20	22975413	T>G	0.17	-0.02	0.01	6.45E-02	T>G	0.18	-0.02	0.01
rs2567608	SSTR4	20	22965082	T>C	0.46	0.01	0.01	2.82E-01	T>C	0.47	0.02	0.01
rs2896939	SSTR4	20	22985365	G>A	0.23	-0.01	0.01	4.87E-02	G>A	0.24	-0.01	0.01
rs8120756	SSTR4	20	22959718	T>C	0.35	0.00	0.01	5.23E-01	T>C	0.35	0.02	0.01
rs220988	SSTR4	20	22957294	T>C	0.08	0.02	0.01	8.42E-02	T>C	0.08	0.01	0.01
rs2235951	SSTR4	20	22967541	T>C	0.46	0.01	0.01	4.19E-01	T>C	0.46	0.01	0.01
rs6048519	SSTR4	20	22982274	T>G	0.38	-0.02	0.01	1.83E-02	T>G	0.39	0.00	0.01
rs3746726	SSTR4	20	22964970	T>G	0.38	0.00	0.01	8.34E-01	T>G	0.39	0.02	0.01
rs6113905	SSTR4	20	22965768	A>G	0.38	0.00	0.01	9.14E-01	A>G	0.38	0.02	0.01
rs1883956	SSTR4	20	22945466	G>T	0.37	0.00	0.01	5.11E-01	G>T	0.37	0.01	0.01
rs1986208	SSTR4	20	22972250	G>T	0.37	-0.01	0.01	4.47E-01	G>T	0.38	-0.01	0.01
rs1331071	SSTR4	20	22945832	T>C	0.37	0.00	0.01	6.09E-01	T>C	0.37	0.01	0.01
rs2749817	SSTR4	20	23007255	C>T	0.32	-0.01	0.01	1.09E-01	C>T	0.33	0.00	0.01

rs1318041	SSTR4	20	22989366	A>G	0.25	-0.01	0.01	2.07E-01	A>G	0.26	0.00	0.01
rs3746732	SSTR4	20	23013342	G>A	0.23	0.01	0.01	1.81E-01	G>A	0.23	0.00	0.01
rs1169760	SSTR4	20	22956390	G>A	0.09	-0.01	0.01	3.07E-01	G>A	0.08	-0.01	0.01
rs2749812	SSTR4	20	23010927	G>A	0.16	-0.01	0.01	1.58E-01	G>A	0.16	0.00	0.01
rs6106592	SSTR4	20	22946634	C>T	0.12	0.01	0.01	2.02E-01	C>T	0.13	0.00	0.01
rs2144940	SSTR4	20	22998806	T>C	0.07	-0.02	0.01	1.88E-01	T>C	0.07	0.00	0.01
rs1884654	SSTR4	20	23017201	T>A	0.15	0.00	0.01	5.82E-01	T>A	0.16	0.01	0.01
rs3746731	SSTR4	20	23013209	A>G	0.41	-0.01	0.01	4.31E-01	A>G	0.41	0.00	0.01
rs220979	SSTR4	20	22960609	T>A	0.40	0.00	0.01	9.11E-01	T>A	0.39	-0.01	0.01
rs3991894	SSTR4	20	22958155	C>T	0.14	0.00	0.01	7.48E-01	C>T	0.13	-0.01	0.01
rs2268197	SSTR4	20	22962459	G>C	0.48	0.01	0.01	3.05E-01	G>C	0.47	0.00	0.01
rs6048506	SSTR4	20	22944625	A>T	0.10	-0.01	0.01	5.55E-01	A>T	0.10	0.00	0.01
rs2424500	SSTR4	20	22936426	C>T	0.09	0.00	0.01	9.63E-01	C>T	0.08	0.01	0.01
rs1169849	SSTR4	20	22938350	G>C	0.08	0.00	0.01	8.57E-01	G>C	0.07	0.01	0.01
rs2007363	SSTR4	20	22973295	G>T	0.20	0.00	0.01	5.64E-01	G>T	0.20	0.00	0.01
rs6113897	SSTR4	20	22948009	A>T	0.49	0.01	0.01	1.66E-01	T>A	0.50	-0.01	0.01
rs1698489	SSTR4	20	22993714	G>T	0.06	0.00	0.01	8.39E-01	G>T	0.07	0.00	0.01
rs1360406	SSTR4	20	22936864	G>A	0.09	0.00	0.01	8.49E-01	G>A	0.10	0.00	0.01
rs3751830	SSTR5	16	1068407	C>T	0.41	-0.02	0.01	2.66E-03	C>T	0.41	-0.02	0.01
rs197057	SSTR5	16	1072016	G>C	0.47	0.02	0.01	5.29E-03	G>C	0.46	0.02	0.01
rs174643	SSTR5	16	1073050	A>G	0.44	0.03	0.01	6.19E-04	A>G	0.45	0.02	0.01
rs197056	SSTR5	16	1071696	G>A	0.37	0.02	0.01	1.12E-03	G>A	0.38	0.02	0.01
rs213656	SSTR5	16	1053848	G>T	0.40	0.02	0.01	4.04E-03	G>T	0.41	0.02	0.01
rs619698	SSTR5	16	1066544	C>A	0.38	0.02	0.01	3.11E-03	C>A	0.38	0.01	0.01
rs213653	SSTR5	16	1051385	G>A	0.38	0.02	0.01	2.33E-03	G>A	0.38	0.01	0.01
rs2076421	SSTR5	16	1071394	A>G	0.41	0.02	0.01	6.17E-03	A>G	0.42	0.01	0.01
rs4984761	SSTR5	16	1053696	G>T	0.35	-0.02	0.01	7.38E-03	G>T	0.35	-0.02	0.01
rs213654	SSTR5	16	1053552	C>T	0.44	-0.02	0.01	1.22E-02	C>T	0.44	-0.01	0.01
rs213657	SSTR5	16	1053994	T>G	0.04	0.01	0.02	6.07E-01	T>G	0.05	0.00	0.02
rs9937517	SSTR5	16	1074819	T>G	0.06	0.00	0.01	9.72E-01	T>G	0.05	0.01	0.02
rs213658	SSTR5	16	1054259	A>G	0.20	0.00	0.01	8.72E-01	A>G	0.22	0.00	0.01
rs550713	SSTR5	16	1066680	T>G	0.20	0.00	0.01	9.29E-01	T>G	0.22	0.00	0.01

p	combined		
	beta	ste	p
2.40E-01	0.02	0.01	8.00E-03
5.32E-02	0.01	0.01	2.60E-02
1.22E-01	-0.01	0.00	4.60E-02
3.25E-02	0.01	0.01	4.70E-02
3.09E-02	0.02	0.01	5.30E-02
2.28E-02	0.02	0.01	7.10E-02
1.22E-01	0.01	0.01	7.30E-02
1.45E-01	0.01	0.01	8.20E-02
5.50E-02	0.01	0.01	1.20E-01
1.44E-01	0.01	0.01	1.50E-01
4.87E-01	-0.01	0.01	1.70E-01
2.53E-01	0.01	0.01	1.70E-01
2.51E-01	0.01	0.01	1.80E-01
5.01E-01	0.01	0.01	1.80E-01
8.00E-02	0.00	0.00	3.50E-01
5.00E-01	0.01	0.01	3.60E-01
2.89E-01	0.01	0.01	3.90E-01
1.93E-01	0.01	0.01	4.00E-01
5.38E-01	0.00	0.01	4.60E-01
3.48E-01	0.00	0.01	4.60E-01
6.71E-01	-0.01	0.01	4.70E-01
7.70E-02	0.00	0.00	5.10E-01
1.21E-01	0.00	0.01	5.40E-01
6.51E-01	0.00	0.01	5.70E-01
7.64E-01	0.00	0.01	6.20E-01
7.93E-01	0.00	0.01	6.30E-01
2.82E-01	0.00	0.00	6.30E-01
1.19E-01	0.00	0.01	6.60E-01
6.98E-01	0.00	0.01	7.10E-01
4.29E-01	0.00	0.01	8.40E-01
1.88E-01	0.00	0.00	8.50E-01
7.84E-01	0.00	0.01	8.90E-01



8.67E-01	0.00	0.01	9.50E-01
2.29E-01	0.00	0.01	9.70E-01
2.49E-01	0.00	0.01	9.90E-01
3.31E-01	0.00	0.00	1.00E+00
2.04E-01	-0.04	0.02	1.80E-02
4.48E-02	-0.01	0.01	1.70E-01
9.73E-02	-0.01	0.01	1.70E-01
2.56E-01	0.01	0.01	2.00E-01
8.31E-01	0.01	0.01	3.30E-01
7.91E-02	0.00	0.01	3.80E-01
5.17E-01	0.00	0.01	3.90E-01
5.09E-01	0.00	0.00	4.50E-01
4.41E-01	0.01	0.01	4.70E-01
1.21E-01	0.00	0.01	5.70E-01
3.81E-01	0.00	0.01	6.20E-01
2.47E-01	0.03	0.01	1.00E-02
2.36E-01	0.03	0.01	1.10E-02
3.71E-01	0.02	0.01	2.80E-02
3.30E-01	0.02	0.01	3.20E-02
2.23E-01	0.02	0.01	4.40E-02
4.10E-01	0.04	0.02	5.70E-02
1.20E-01	0.01	0.01	1.30E-01
4.61E-01	0.01	0.01	1.70E-01
2.07E-01	0.01	0.01	1.80E-01
2.33E-01	0.01	0.01	1.90E-01
1.48E-01	0.01	0.01	1.90E-01
4.42E-01	0.01	0.01	2.10E-01
4.12E-01	-0.01	0.01	2.20E-01
4.87E-01	0.01	0.00	2.30E-01
6.48E-01	0.01	0.00	2.40E-01
5.84E-01	-0.01	0.01	2.60E-01
7.58E-01	0.00	0.00	3.00E-01
3.02E-01	0.00	0.00	3.40E-01
4.88E-01	0.00	0.00	4.20E-01

7.23E-01	0.00	0.01	4.50E-01
9.17E-01	-0.01	0.01	4.60E-01
2.50E-01	0.00	0.01	5.10E-01
5.63E-01	0.00	0.00	6.30E-01
9.68E-01	0.00	0.00	7.30E-01
6.27E-01	0.00	0.01	7.60E-01
8.99E-01	0.00	0.01	8.70E-01
6.16E-01	0.00	0.00	8.80E-01
8.29E-01	0.00	0.01	9.50E-01
6.09E-01	0.00	0.01	9.60E-01
3.43E-01	0.00	0.01	9.90E-01
6.66E-03	0.03	0.01	1.40E-05
2.45E-02	0.02	0.01	1.90E-04
3.08E-04	-0.02	0.01	1.30E-03
6.61E-02	0.03	0.01	2.80E-03
1.22E-01	0.01	0.00	3.30E-03
2.80E-03	0.02	0.01	3.40E-03
1.07E-03	-0.02	0.01	6.00E-03
3.08E-01	0.01	0.01	7.50E-03
1.94E-01	0.01	0.01	7.00E-02
1.03E-02	-0.01	0.01	1.30E-01
8.33E-01	0.01	0.01	4.40E-01
9.40E-01	0.00	0.01	5.80E-01
5.77E-01	0.00	0.01	6.90E-01
2.37E-01	0.00	0.00	9.80E-01
9.25E-05	-0.02	0.01	4.60E-04
1.00E-03	-0.02	0.01	3.70E-03
5.73E-04	-0.02	0.01	4.30E-03
1.42E-01	0.02	0.01	1.20E-02
1.58E-01	0.02	0.01	5.10E-02
1.22E-01	-0.01	0.01	8.10E-02
6.78E-02	-0.01	0.01	9.50E-02
1.81E-01	-0.01	0.01	1.10E-01
4.90E-01	0.01	0.01	3.00E-01

1.42E-01	-0.01	0.01	3.10E-01
1.28E-01	0.00	0.00	4.20E-01
3.24E-01	0.00	0.00	4.30E-01
3.78E-01	0.00	0.01	6.70E-01
5.13E-01	0.00	0.01	7.10E-01
9.40E-01	0.00	0.01	7.20E-01
3.68E-02	0.03	0.01	2.20E-02
3.22E-01	0.01	0.00	3.90E-02
2.47E-01	0.00	0.01	4.50E-01
9.21E-01	0.01	0.01	5.50E-01
7.20E-01	0.00	0.01	6.50E-01
3.89E-01	0.00	0.01	6.60E-01
4.26E-01	0.00	0.00	8.10E-01
5.93E-01	0.00	0.00	9.80E-01
2.02E-02	-0.02	0.01	5.80E-04
1.31E-01	0.01	0.00	1.40E-01
3.51E-01	-0.01	0.01	1.40E-01
3.54E-01	0.01	0.01	2.00E-01
1.72E-01	0.01	0.00	2.70E-01
3.97E-01	0.00	0.01	3.50E-01
7.76E-01	0.01	0.01	3.70E-01
7.30E-01	0.00	0.00	4.40E-01
3.77E-01	0.00	0.00	4.60E-01
5.20E-01	0.00	0.01	5.10E-01
6.34E-01	0.01	0.01	5.20E-01
2.61E-01	0.00	0.01	5.30E-01
6.09E-01	-0.01	0.01	5.50E-01
4.25E-01	0.01	0.01	5.50E-01
9.66E-01	0.00	0.01	5.60E-01
1.98E-01	0.00	0.01	5.60E-01
4.44E-01	0.00	0.01	5.70E-01
4.84E-01	0.00	0.00	5.90E-01
8.15E-01	0.01	0.01	6.30E-01
9.79E-01	0.00	0.01	6.30E-01

9.14E-01	0.01	0.01	6.40E-01
4.11E-01	0.01	0.01	6.40E-01
8.24E-01	0.00	0.01	7.00E-01
4.22E-01	0.00	0.00	7.00E-01
4.55E-01	0.00	0.01	7.20E-01
9.05E-01	0.00	0.01	7.30E-01
9.88E-01	0.00	0.01	7.50E-01
2.37E-01	0.00	0.00	7.80E-01
6.21E-01	0.00	0.00	7.90E-01
7.05E-01	0.00	0.01	8.20E-01
5.17E-01	0.00	0.01	8.80E-01
5.42E-01	0.00	0.01	8.90E-01
1.75E-01	0.00	0.01	9.00E-01
8.25E-01	0.00	0.01	9.10E-01
1.51E-01	0.00	0.01	9.30E-01
5.07E-01	0.00	0.01	9.40E-01
8.98E-01	0.00	0.01	9.40E-01
1.98E-01	0.00	0.01	9.50E-01
9.39E-01	0.00	0.01	9.80E-01
4.96E-02	-0.01	0.00	3.20E-02
3.38E-02	0.01	0.01	5.90E-02
6.27E-01	-0.01	0.01	6.30E-02
8.93E-02	-0.01	0.00	9.00E-02
4.93E-02	-0.01	0.00	1.00E-01
6.74E-02	0.01	0.00	1.20E-01
8.39E-01	0.00	0.01	9.40E-01
8.77E-01	0.00	0.01	9.50E-01
3.15E-01	0.01	0.00	2.60E-01
2.14E-01	0.00	0.01	3.70E-01
2.04E-01	0.00	0.01	4.80E-01
5.86E-01	0.00	0.00	5.90E-01
8.06E-01	0.00	0.00	5.90E-01
3.97E-01	0.00	0.01	6.50E-01
2.86E-01	0.00	0.00	9.40E-01

1.57E-01	0.01	0.01	2.20E-01
6.88E-01	-0.01	0.01	2.30E-01
7.27E-01	-0.01	0.01	3.60E-01
2.55E-01	-0.01	0.01	4.30E-01
9.63E-01	0.00	0.01	5.30E-01
5.36E-01	-0.01	0.01	5.70E-01
9.64E-01	0.00	0.01	6.60E-01
5.09E-01	0.00	0.01	9.60E-01
2.94E-01	-0.01	0.01	1.70E-01
6.00E-01	-0.01	0.00	2.00E-01
4.40E-01	-0.01	0.01	3.00E-01
8.51E-01	0.01	0.01	4.00E-01
8.55E-01	0.00	0.00	4.60E-01
9.10E-01	0.00	0.01	5.80E-01
9.31E-01	0.00	0.00	6.50E-01
9.26E-01	0.00	0.00	7.70E-01
4.14E-02	-0.05	0.02	7.10E-03
1.72E-01	0.01	0.01	6.60E-02
3.60E-01	0.01	0.01	7.70E-02
5.19E-01	0.01	0.01	7.90E-02
3.93E-01	0.01	0.01	9.00E-02
2.82E-01	0.01	0.00	2.10E-01
6.63E-02	0.01	0.01	3.10E-01
8.70E-01	-0.01	0.01	4.00E-01
2.65E-01	0.00	0.01	4.30E-01
2.18E-01	0.00	0.01	4.30E-01
1.60E-01	0.00	0.01	4.60E-01
1.62E-01	0.00	0.01	5.90E-01
2.04E-02	0.00	0.00	7.00E-01
3.24E-01	0.00	0.01	7.00E-01
4.40E-01	0.00	0.01	7.90E-01
3.11E-02	0.00	0.00	9.60E-01
1.53E-01	0.01	0.01	1.30E-01
8.20E-02	0.01	0.01	1.50E-01

8.28E-01	-0.01	0.01	2.70E-01
3.98E-01	-0.01	0.01	2.90E-01
1.93E-02	-0.01	0.01	3.10E-01
8.02E-01	-0.01	0.01	3.50E-01
6.15E-01	0.00	0.01	3.80E-01
3.65E-01	0.00	0.01	4.10E-01
3.85E-01	0.00	0.00	4.20E-01
1.88E-02	0.00	0.00	4.30E-01
5.35E-01	0.00	0.01	5.00E-01
1.43E-01	0.00	0.00	5.20E-01
7.99E-02	0.00	0.00	6.30E-01
4.72E-01	0.00	0.00	6.60E-01
2.34E-01	0.00	0.00	7.50E-01
4.76E-01	0.00	0.01	8.20E-01
3.66E-01	0.00	0.00	8.40E-01
7.67E-01	0.00	0.01	8.80E-01
5.05E-01	0.00	0.01	9.40E-01
5.49E-01	-0.01	0.00	2.20E-01
9.69E-01	-0.01	0.01	3.70E-01
7.74E-01	-0.01	0.01	4.70E-01
6.55E-02	0.00	0.01	5.00E-01
2.22E-01	0.00	0.00	5.50E-01
7.87E-02	0.00	0.01	5.80E-01
4.94E-01	0.00	0.01	6.60E-01
7.05E-01	0.00	0.00	6.70E-01
6.37E-01	0.00	0.01	6.90E-01
8.51E-01	0.00	0.01	6.90E-01
4.36E-01	0.00	0.01	7.00E-01
5.77E-01	0.00	0.00	7.60E-01
5.62E-01	0.00	0.01	8.40E-01
7.54E-01	0.00	0.01	8.50E-01
7.67E-01	0.00	0.01	9.70E-01
1.98E-02	0.01	0.01	3.10E-01
5.45E-02	0.00	0.01	3.60E-01

1.57E-01	0.00	0.00	4.20E-01
4.77E-02	0.00	0.00	4.40E-01
9.61E-01	0.00	0.01	5.40E-01
2.47E-01	0.00	0.01	5.70E-01
4.74E-01	0.00	0.00	5.70E-01
2.64E-01	0.00	0.00	5.80E-01
1.94E-02	0.00	0.00	6.30E-01
1.92E-01	0.00	0.01	6.40E-01
2.81E-01	0.00	0.01	6.60E-01
4.54E-01	0.00	0.01	6.60E-01
6.77E-01	0.00	0.00	6.80E-01
3.93E-01	0.00	0.01	7.00E-01
4.11E-01	0.00	0.01	7.10E-01
5.23E-01	0.00	0.00	7.40E-01
3.12E-01	0.00	0.01	7.80E-01
5.22E-02	0.00	0.01	8.00E-01
3.92E-01	0.00	0.01	8.40E-01
6.21E-01	0.00	0.01	9.30E-01
6.19E-02	0.00	0.01	9.30E-01
8.12E-01	0.00	0.01	9.50E-01
7.27E-01	0.00	0.00	1.00E+00
3.57E-02	-0.02	0.01	5.40E-03
8.20E-03	0.01	0.00	1.00E-02
1.94E-01	-0.01	0.01	2.00E-02
3.42E-02	0.01	0.00	5.90E-02
4.05E-01	0.02	0.01	6.50E-02
6.19E-02	0.01	0.00	6.60E-02
9.83E-01	-0.01	0.00	7.80E-02
2.10E-02	0.01	0.00	9.00E-02
2.20E-02	0.01	0.00	1.10E-01
9.92E-02	0.01	0.00	1.10E-01
1.45E-01	-0.01	0.01	1.20E-01
8.90E-02	0.01	0.00	1.30E-01
6.63E-01	-0.01	0.01	1.40E-01

5.52E-01	-0.01	0.01	1.80E-01
7.84E-01	0.01	0.01	2.40E-01
5.53E-01	-0.01	0.01	2.50E-01
9.59E-01	-0.01	0.01	2.70E-01
9.21E-01	0.01	0.01	3.10E-01
8.14E-01	-0.01	0.01	4.10E-01
5.56E-01	0.01	0.01	4.20E-01
8.72E-01	0.00	0.00	4.90E-01
3.71E-01	0.00	0.00	5.00E-01
5.58E-01	0.00	0.01	5.30E-01
7.13E-01	0.00	0.00	6.00E-01
9.49E-01	0.00	0.01	6.30E-01
5.44E-01	0.00	0.01	6.70E-01
5.99E-01	0.00	0.01	8.40E-01
7.25E-01	0.00	0.01	8.40E-01
9.48E-02	0.00	0.00	9.40E-01
7.51E-01	0.00	0.01	9.50E-01
7.94E-01	0.00	0.01	9.70E-01
4.82E-03	-0.02	0.01	3.80E-05
6.05E-03	0.02	0.01	1.00E-04
3.82E-02	0.02	0.01	1.00E-04
2.64E-02	0.02	0.01	1.10E-04
3.35E-02	0.02	0.00	3.60E-04
5.04E-02	0.02	0.00	4.40E-04
7.48E-02	0.02	0.00	5.20E-04
4.96E-02	0.02	0.00	8.10E-04
4.44E-02	-0.02	0.00	8.30E-04
1.60E-01	-0.01	0.00	4.90E-03
9.73E-01	0.00	0.01	7.20E-01
6.33E-01	0.00	0.01	7.50E-01
6.76E-01	0.00	0.01	8.70E-01
8.40E-01	0.00	0.01	9.40E-01