**pGL3-1.1 (Sequence-1)**

AAGTGAAGAACGACATCAATGCTGCTGGGGAGTCCGAGGAGCTGGCTAATGAGTACGAGACCCGGGCTGTTGGTGAGTCCACAGTGTGGAATGCTGTGGTGGGCGCGGATCTGCCATGTGGCACAGACATTGCCAGCGGCACTCATAGACCAGATGGTGGAGGTCCGTGGCATGTCCAAGCTCCCCAGTCTGATTGAGGGCTGCAGACCACAAGGTCTGGATGCGACAATCTCCTTGGTCCTGGCACATATGGAATTTTCCAAGAATGAATGTGGGAAATCTTGGGCTCTCTGATCCCATGGCCACCCAGGGCCATACCCAGGCCCAGTTCTAAGCAACTCAGGGAGCACTGGACTACTTTTTTTTGTGGGGGGGGGGGGTGTTTCTGGATGCCGTTACAACATTGTGACAGGGCTGAGATTTTACCTGACTTGTGCCCTAACCAGTTAGCCTGCCAGTTTCATATGCACACACTGCCAGAGGACCCAGCCCCTGGGCCTGCGACACTCATGGTTTCTTACTCATGGCAAAAGCAGCAGCCTGAGTAGCATCTGGGATGCTTCCCCTTGCCTCGGTTCCCAAGGGGTAACTCGAATAACAGTTGCCCTGCAGCTCCCTGAAGTTAGGACATGCTGAGCTTCTATCAGGGCTGCAGCTGAGATTACTTATTGCCTGGAGTGGACGATACTGCACTAAGCATTGCTCTCCTGGCATGTCTCAGGACGCCTGACTGCTGTTTGCTATTCAGTCCTCGAACAAAGCTTGCCAGTGCCCTTTGCACAGAGGCCTCGATCATTCAGGAAGGTGAGAAATCCAGAACCGATTACCTCTAAACAGCATTTTAAATGAGAATTTCAGGCCTGCTCAGTTTTTTCCATTTTCACTTGAGTTTTAAGTTTGCAACGAGGTATTTGCATCCAGGTTTGTCTAGTGTCTTATCAAATGTAAACATGCTCATGAGTTTAGCTTGTCCATGTTGGAAAAAAGATGTCTAATTATTTCTTTTAATTTATTAAAATTTCAAAGCAGTTTATTTCTGGATAATTAGGCAATGGCTCCTAATAGTTTTACTGTAAAAAAATTTCCCTGAGGATCTACACTGCAATTTCTTTGTCATTAGGTGATGAAATGTAAGCACACACTAATGCAATAGATCAGTGTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGTGGAGTTTCGCTCTTGTTGCCCAGGCCGGAGAACAATGGTGTGATCTCAGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCTTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCATGCCACCACACCCGGCTAATTCTTTGTATTTTTAGTAGAGACGGGGTTTTGCCATGTTGGGCAGACTAGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACACTCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACTGCGCCCAACCTTTTTTTTCCTCTGTGCCTTATCTGCCAAACAACCTTGCCAAGAAGGCGTAGAGTTCAAATGAGATGGAGGAAGGGCTGCTCTGATTACGGGGGGGTCGGGGGGCGGCGGTGGGGAGGTGCAGAAGGTTAGATCCCTTCTCAGTGGCTGAGGCTCTTCTGCCTGAGCCCAGATGGAAGCCCATCAAAGAGAGGGGCTCCCTCTGTCCAATGCAGCTCAATCCAGTGAGCAGTTATTGTCACCTGCTGCCATCAGGAGCTCTGCTGGGTTTGTCTTGCCTTCAGAAAATTCTGCTATTCAGTAACAAATTGTGTTGTGATGGCATTTTCTATGCCTTTTGTAAGAATGGACTCACGCACAGGCTATTTTTGGATTCAGGGGTTGGCTGGGGGTGGAAGCAGGACAGTTTCGGTCATGTGCAGCTCTTACACCAGCTTCTCTCTGTGCTGATGTCGCTGTAGAGCTGTTCACTGAGTGTTACAGCAGCGATGAAGACTTGGCAGAACAGCTGCTGGTCTATTCCTGTGAAGCctagttgtcacgtcctgcacgacgctagcgagatccggccccgcccagcgtcttgtcattggcgaattcgaacacgcagatgcagtcggggcggcgcggtccgaggtccacttcgcatattaaggtgacgcgtgtggcctcgaacaccgagcgaccctgcagcgacccgcttaacagcgtcaacagcgtgccgcagatctaagtaagcttggcattccggtactgttggtaa

**pGL3-1.2 (Sequence-2)**

GCCCAGCCTGGGGTCCAGGTAAACCATACTCAGCCACCAGACCACACGGCCAGAAATGGGGCTTTTATGTCAGATGCTACTAGCAGCATTAAACAATAGTAAAAACAAACCTTATTCTCCAATATAAAAGCCATAGAAGGAGTGGTTTGGTGATGATGTGGGAGATGGCCAAGTATAGGCATTGGTCGAAATCCATGCTTTAAGAGATGGTGCAGGACAAAGAATATTCTTTGAGTTTCCACTAAGCAAACAACACAGCATCATAATTATGAGCTGTGTCTCTGGATCCCACTGCCTGGGTCTCCATCCGCTGTACCCCTAATGAAGTGTGTGATGATGGGCCAAGTTACATGAGCTCTCCGAGTATTAGTTTCCTCATCTACAAAATGGGGATAGCAGCAGATAAAGGGTTATTGTGAAGATTTAAGGAGATAATATGTGAAAGGTGTTGGTCCTTTATTTAGCTATTGCTATTGCAGTTATTATTAGTAGTGATAGCAGTAGGGAAACTATTGTGAAATGGGTAAAAGCTGTCTAGAGGCTTTCTGCACTGAAGTGAATGAATCGTAGTTTGCACCTGGTGTCTTAGGCTGCAGAGCAGAGCTTTTCACCCACAGTTCCAGTTGTAGAAATGTGGGTGTGAGAAGGGGAGGGGAAAAGGAAGAGATGGAGAGACCAACGCTTGTCAGCCACAGCTGCTATACACTAGGCCACATTTCATCTTCACAGCACCTGTGGGGATGGGTGCCATCCCATTTCACTGAGGAGGATGCAGGAGCTCAGAGAGGTTCTGGAATGTCCTTCCAGCTTGCACTGCTGTGAAGTAGCAGCACTAGGATTGGCTCTCATGTTGATTGCCTGCAACTTTCATGTCCTAGACTTTCCATGATATCATACAGCCAGATGTTTACGAACAAAACCCATTTACTACTGCAACTAAGCTAGACTAAATGAGAGCATTGATCCATGACAAGGAGCATGCGGAGAGCGTCTTGCTATTGCTCAGTTTTAGCCTCTGCTGCAGTGTAGTGGGTAGAAGTAAGGCTGGTGCTGGAGTCGGGGTGTGCCTGGGAGGCTGGGGTGGCTTCCCAGGTGGGTCACACTCTACTTATGTCTTCCTGGGCCCCAAACCCTATCTCGCTTGTGTCCCAGAACTTGGGGCCCTGGGGAGTCTGGCTTTTACTCCTGTCCAGGTTCACAGATCCTGAGGTTTCAATCAGATGCCAGGTCATTCATTTCACTGAAAATCTTACTACCAGGCCACAGGATCACCCAGTGGGCCTGGCCAGGGAGTTTTCTTTCTATAGTCAGGGTGCTGTGTGGGGTCAGAATGCTGCCAGTGACCATGGAACCCAACCCAGTGCTGTAATTTCCGTGACTGGGGCCTGACGGTGATGCTCAGTGATGGCCTGGCGTCTGCATCACCCCAGCAGAATAGGAGAGTGAGGAAGACTAAGCACTGCCTGTCTCCGTTGCCCGCCACCCCCGCACCCCCTCCCAAGAAGCAAACCCCAAAGTGAGGATGTCAATACAAGGAGTTTATTCTGGAGGTGAACCTGGGAAGCACAGGAGGCACCAGTGAGACAGGGAAGGGACAGGGACAGACAAGATGTGCTGATGAGGAGGTTGCCACTGTGGGCACCCGGGGCTCAGCCTGCCAGGGACCTCTGGGAAACTGTAGAACCAGCTTCAGTGTTGCCCGGCCCAGTGCAAAGCAGTCGGCCATTTACCCACCAACTGCAATTGGTTGTTTGTGGAAAGCTGACACCTTATTCCAGGACACTAGTCCTCATGGGTCAAGCACGCACCTGGCTGGAGTAGCCCTAGGCAGGGGCCCTCAGAAGCAGCCATCCTCCTCCAAGGGCAGGGCAGGTGCCCAGGGCCAGAGGGGTGCATGTCAGTCCCAGCCCTCCTAGCTAGCACTGAGAAGGCCCTGGGTTTCCCTTTTCCTCTGTTCCTGAGACACACCAAACTCCTTCTGCTTGACGGGCTATTTTTTGAGAGATGTGGGTCCTTTGATGTGGTCGAGTCTATGCTCCCCTGCTAACTCTCAGAGCTACTGTGAGTTTTCTAATTTCCACCTTTGTGAAAGTCCCTTCTGTCCCAACGTCAAGGGTTGATACAGTCTGGGGAGAGCTTTTACATGCATTTCAGCCTGAATTGATGTCAAGACATCAACAGTCTCTCCCTTCCGAACTTCCTTTTAGTTTCCTGACAAAAGCATCACCTGTCTTTCTCCAGAAATGAATCGTTGGGGACCCTACAGGTAGTACTGGCTGTGCCTGTGAATTTGTGATCATTGAAGACAAAGGAGCCAGAAAGATACTTGTTTAAACTTACCTAATAAAAATGAGAGTTGGATAAAAATTCCTAGGTTTATTGAATTTGAACGTACACAACTATTACTTTAAAGTGCACATAATGCAACTCAGAAAAAGACTTAAAATAAAACCAAGTTTGGCCAGGCATGGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGTGGATCACCTGAGGTCGGGAGTTTGTGACCAGCCTGACCAACATGGAGAAATCCCGTCACTACCAAAAATACAAAAAAAAAAAAAATTAGACAGGAATGGTGGCACATTCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGTGGAGGTTGTGGTGAGCTGAGATTGCACCATTGCACTCCAGCCTGGGCAGCAAGCGTGAAACTCCGTCTCAAGAAAAAAAACAAAAAACCAAGTTTTAAATTGTTTTTTTTAACACTGCCCCTTAGAATCCAGGCAACTGGTATAAAAGAATAATGACATTAATTCAAAGAGCTGTGTATTTTGGGGAAAGTGTGGGGCGGGGAAGAAAGTTTGCATGGCATCCTGCATACAATTGTGTTAATAAGGACCTTGTTCTCTGTCTTTGTTTCCCTGTAGAATTTTCTTTCTAAGCAATGGTATGGAGAGATTTctagttgtcacgtcctgcacgacgctagcgagatccggccccgcccagcgtcttgtcattggcgaattcgaacacgcagatgcagtcggggcggcgcggtccgaggtccacttcgcatattaaggtgacgcgtgtggcctcgaacaccgagcgaccctgcagcgacccgcttaacagcgtcaacagcgtgccgcagatctaagtaagcttggcattccggtactgttggtaa