

MES/DLD1	Δexpression	ΔH3K4me3	Expression	Expression	Expression	Expression	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3
Δexpression (RPKM) <> 1.5x	log2 RPKM	log2 reads	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(reads)	(reads)	(reads)	(reads)
ΔH3K4me3 (reads) <> 1.5x	MES-DLD1	MES-DLD1	DLD1	SA	SPH	MET	DLD1	SA	SPH	MET
SEPT3	-0.80	-0.63	1.30	0.90	0.62	0.70	280	228	144	285
AC005606.14	1.29	-0.62	0.10	0.14	0.44	0.27	99	84	49	87
AC010226.4	-0.78	-4.02	1.22	1.05	0.48	0.95	85	17	2	0
AC093323.3	-0.62	-0.72	10.70	7.90	6.11	10.90	496	416	219	482
AC147651.3	2.57	-0.98	0.07	0.36	0.46	0.14	55	36	21	53
ACN9	-1.78	-2.49	2.51	1.63	0.33	2.51	162	96	9	102
ACOT4	-1.91	-1.23	1.71	0.66	0.31	0.67	112	69	33	72
ADAM19	4.47	-1.28	0.05	1.18	1.17	0.13	2	1	1	10
ADAMTS14	1.47	-0.84	0.20	0.58	0.51	0.60	107	71	50	102
ADAMTS16	-1.64	-1.17	0.55	0.22	0.14	0.27	15	11	4	17
ADAP2	-1.27	-1.62	0.41	0.19	0.15	0.45	81	38	18	102
ADM2	-1.24	-3.87	1.38	0.72	0.48	0.89	155	35	3	126
ADPRH	-0.70	-1.25	0.81	0.52	0.48	0.92	200	103	68	114
AF064858.8	0.97	0.63	0.76	1.41	1.57	0.16	16	18	34	13
AFAP1L2	1.84	-0.87	0.35	1.12	1.38	1.49	276	186	122	253
AGPAT4	-1.56	-1.63	0.30	0.16	0.06	0.05	182	101	34	68
AK9	1.06	1.68	0.25	0.45	0.60	0.33	5	13	20	1
AKR1C3	1.17	0.60	0.77	1.53	1.97	1.44	52	76	82	51
AKR1E2	-1.01	-0.79	0.94	0.49	0.45	0.37	146	102	71	79
ALDH1L1	-4.29	-1.13	0.99	0.06	0.04	0.02	268	152	99	76
ALDH3B1	1.01	0.64	2.08	3.09	5.68	2.30	165	270	244	214
ANO1	4.37	-2.42	0.04	0.79	0.73	0.01	83	23	10	77
AP000769.1	2.75	1.13	0.03	0.12	0.27	0.00	3	8	6	19
AP001058.3	0.65	-0.86	0.20	0.27	0.37	0.43	29	22	12	10
ARHGAP40	-3.10	-1.32	2.15	0.35	0.18	0.79	117	53	42	72
BEND7	-1.06	-0.68	0.81	0.40	0.37	0.15	414	307	218	266
BHLHE41	2.41	-0.61	0.42	1.83	2.75	0.46	436	319	256	364
BMP8A	-1.02	-3.08	0.71	0.23	0.54	0.57	54	17	2	57
C1QTNF2	-1.03	-0.70	0.48	0.32	0.17	0.34	183	120	105	156
C5orf66	1.62	-0.84	0.21	0.69	0.61	0.23	149	102	68	98
C6orf15	-1.58	-0.61	8.95	2.94	3.06	19.07	4	2	4	13
C6orf222	-1.06	1.11	0.36	0.13	0.23	0.29	8	16	18	9
CA2	-1.27	-0.76	12.29	5.16	5.05	10.69	311	220	153	252
CACNB4	-2.18	-0.70	0.52	0.14	0.10	0.23	578	368	346	471
CBR3	1.13	-0.72	1.36	2.76	3.21	0.99	354	251	184	247
CBS	8.68	0.89	0.00	1.12	1.10	0.01	6	9	14	8

CCDC11	1.50	-5.13	0.34	0.88	1.06	0.13	190	37	1	172
CD22	1.29	0.68	0.23	0.49	0.64	0.02	7	7	18	6
CDC42EP5	-1.76	-0.87	4.09	1.55	0.94	0.95	162	102	77	106
CDKL2	-0.68	-1.04	0.22	0.16	0.12	0.36	166	94	69	145
CES3	1.49	1.63	0.18	0.44	0.59	0.03	3	5	17	2
CGREF1	-1.05	-1.25	5.60	3.11	2.36	6.66	284	181	78	363
CHRNA1	1.26	0.86	0.71	1.09	2.61	0.15	14	18	36	9
CHST11	5.48	-0.64	0.03	1.41	1.40	0.02	46	28	32	21
CHST13	-1.00	-0.73	0.56	0.44	0.18	0.29	196	169	82	166
CHST14	-0.68	-0.68	10.85	6.68	6.83	6.14	487	404	229	403
CITED4	-0.91	-1.12	1.61	0.73	1.00	0.45	144	96	46	64
CLDN15	0.68	-0.93	2.96	5.15	4.32	2.73	173	102	81	122
CLDN23	-0.64	-0.69	2.69	1.76	1.69	1.98	159	102	95	127
COCH	-1.18	-1.05	8.24	5.07	2.62	7.33	297	190	109	290
COL4A1	0.67	1.00	1.37	1.87	2.56	1.97	14	30	26	25
COPZ2	-0.72	-1.18	1.02	0.90	0.43	0.77	148	85	50	105
CPLX2	3.73	-0.85	0.03	0.41	0.50	0.02	70	28	53	16
CPNE7	-1.07	-2.10	1.49	1.01	0.50	2.37	59	27	7	96
CTC-246B18.8	-1.12	-0.91	0.85	0.59	0.26	1.27	363	270	139	382
CTC-326K19.6	0.75	-0.76	4.26	9.08	5.63	7.48	68	40	40	34
CTC-498J12.1	-1.70	-0.69	0.25	0.05	0.13	0.00	70	44	43	38
CTD-3035D6.2	-1.05	-1.22	0.63	0.37	0.25	0.21	95	47	35	51
CTD-3148I10.9	1.22	-0.67	0.11	0.34	0.20	0.24	108	77	59	60
CYP3A7	2.06	2.25	0.06	0.20	0.35	0.01	3	11	18	2
CYP4F23P	1.04	-0.69	0.32	0.43	1.00	0.16	8	5	5	12
DBN1	2.14	-1.42	0.41	1.82	1.82	0.09	50	26	13	17
DBP	1.07	-1.69	3.30	4.08	11.81	2.02	36	22	6	23
DGAT2	-0.79	-0.82	1.07	0.64	0.59	0.77	89	59	44	66
DHRS3	1.94	-0.65	0.27	0.88	1.21	1.85	245	173	141	209
DHX58	-0.81	-4.28	0.40	0.24	0.21	0.17	16	1	1	2
DIP2C	-1.14	-0.80	0.97	0.49	0.39	0.57	402	262	205	302
DIRC2	-0.63	-0.87	1.92	1.32	1.16	1.89	238	166	101	237
DTX2	-0.95	-0.93	10.91	6.26	5.09	7.35	50	34	21	40
EDAR	2.40	-0.83	0.44	2.26	2.43	0.28	71	43	37	37
EFHD1	-2.43	-0.65	7.89	1.72	1.25	5.78	119	84	69	67
ELOVL3	0.68	-0.64	0.69	0.96	1.27	0.20	69	51	39	52
ENG	0.95	-0.92	0.18	0.34	0.36	0.14	46	24	25	30
EPHA4	1.44	-0.66	0.49	1.38	1.30	0.71	447	323	247	359
ERVMER34-1	-0.65	-1.07	4.00	3.64	1.78	4.55	217	130	82	193

ESPN	1.03	-1.15	0.34	0.42	1.14	0.64	27	15	10	24
ETNK2	-1.42	-1.04	0.64	0.30	0.19	0.37	249	169	86	240
FAM105A	0.61	-0.92	0.24	0.34	0.40	0.35	238	139	113	279
FAM132B	-1.15	-0.74	1.39	0.79	0.50	0.71	219	178	97	194
FAM222A-AS1	-1.21	-1.01	0.64	0.29	0.27	0.41	65	34	30	57
FAM46B	-0.70	0.73	1.28	0.76	0.83	1.43	13	15	30	6
FBP1	-0.88	-1.31	7.69	4.76	3.68	6.40	61	45	13	77
FBXL16	2.47	-0.97	0.12	0.72	0.62	0.52	25	26	6	112
FBXO6	-0.93	-1.02	1.87	0.92	1.06	1.58	134	84	52	103
FER1L6	-2.64	-0.80	0.56	0.16	0.05	0.33	54	32	30	52
FGFR3	-1.77	-1.32	1.72	0.74	0.34	3.41	324	200	85	373
FOLR1	0.90	0.78	1.25	1.94	2.77	4.55	5	8	10	27
FSCN1	-0.73	-0.75	39.10	23.93	23.38	12.75	473	358	221	302
FSCN2	0.64	-0.84	0.19	0.25	0.36	0.20	84	54	40	42
FUT3	-1.39	-0.73	3.99	1.42	1.63	1.66	43	21	33	21
GABRE	-1.53	-1.79	0.70	0.86	0.07	0.80	83	81	7	137
GAL	-0.67	-0.63	34.42	25.94	17.96	41.90	322	254	170	364
GALNT5	-4.72	-1.76	1.27	0.42	0.01	1.32	102	47	19	104
GJB6	-3.49	-1.58	1.28	0.38	0.03	0.32	167	71	44	98
GJC3	-0.86	-0.74	0.37	0.09	0.44	0.14	91	55	54	62
GLI3	7.07	-0.86	0.01	1.14	1.02	0.03	12	7	6	8
GNG2	-1.93	-2.84	0.28	0.12	0.05	0.40	29	10	2	46
GNMT	1.21	-0.68	0.16	0.31	0.42	0.17	221	184	103	167
GPD1	0.70	2.29	0.30	0.47	0.49	0.28	9	35	55	24
GSDMA	0.84	1.09	2.40	2.99	6.22	4.15	6	13	13	6
H19	-2.28	-0.70	58.04	9.74	14.67	2892.87	105	66	63	590
HHIP	2.80	-3.36	0.12	0.88	0.78	0.01	82	27	2	85
HHIP-AS1	-3.76	-3.36	0.30	0.04	0.01	0.04	82	27	2	85
HIST1H2BH	-0.83	-1.78	0.52	0.39	0.22	0.42	145	84	21	138
HMGN5	-3.26	-1.91	1.89	0.62	0.06	0.23	45	18	8	46
HOXC11	0.86	0.68	0.27	0.47	0.50	0.27	47	74	77	56
HPCAL4	-2.13	-0.70	0.33	0.04	0.14	0.08	122	82	69	81
HR	-1.32	-1.76	0.72	0.44	0.19	0.44	125	64	21	87
HRCT1	-0.60	-0.93	3.75	1.69	3.61	1.61	26	18	10	18
HS3ST3B1	-0.75	-0.69	0.84	0.61	0.41	0.06	346	262	177	231
HSD3B7	-0.89	-1.15	6.78	3.99	3.36	8.23	60	42	17	65
ICAM2	-1.13	-0.93	2.73	1.48	1.05	1.66	110	61	55	89
IGF2	-1.63	-1.05	1.58	0.53	0.49	0.61	56	32	23	48
IGFBP7	5.75	-2.32	0.12	6.17	6.23	0.04	99	41	10	134

IL11	0.74	-1.46	0.45	0.89	0.64	0.19	59	28	17	23
IL17RB	-0.74	-1.12	4.05	3.20	1.84	5.34	38	24	13	46
IL1RN	-1.12	-0.66	3.22	1.84	1.20	2.38	21	17	10	13
IL32	-3.78	0.63	1.43	0.28	0.04	0.38	5	7	9	13
ITGA9	-2.56	-0.82	1.21	0.17	0.25	1.07	252	169	121	215
ITGB2	1.09	-0.64	0.15	0.30	0.34	0.08	96	67	56	39
ITIH4	0.94	-1.22	0.34	0.61	0.70	0.37	12	3	10	13
KB-1460A1.1	-0.97	-0.68	0.60	0.43	0.22	0.05	492	342	274	363
KCNH2	-1.14	-0.67	0.76	0.44	0.27	1.01	484	360	256	445
KCP	-0.66	0.84	0.78	0.61	0.40	0.74	14	28	22	25
KCTD14	-1.02	-0.91	2.26	1.76	0.71	1.95	156	104	67	116
KHDRBS3	-1.53	-1.77	0.25	0.10	0.08	0.12	136	63	25	132
KIF17	-0.61	-0.60	0.98	0.78	0.53	0.24	288	233	154	260
KLHDC8B	-1.43	-0.73	1.38	0.56	0.47	0.15	164	117	84	59
KRT20	-2.61	-2.91	21.92	4.06	3.18	0.50	59	8	8	2
KRT7	-1.00	0.60	2.22	1.09	1.15	1.08	26	45	35	34
LAGE3	-0.85	-1.49	4.93	2.77	2.71	6.11	61	37	13	52
LARP6	1.23	-3.74	0.11	0.29	0.21	0.42	47	8	2	78
LBH	4.76	0.67	0.01	0.30	0.37	0.00	11	13	24	9
LDHD	-0.64	-0.60	0.17	0.07	0.18	0.57	11	6	9	23
LDLRAD1	2.11	1.18	0.28	0.71	2.05	0.62	9	15	27	17
LEPREL4	-0.76	-0.74	7.07	4.47	3.89	5.89	409	356	167	398
LHX5	-1.84	-3.79	0.17	0.12	0.02	0.34	74	36	1	117
LHX6	-1.00	-0.80	1.07	0.62	0.46	1.73	175	121	84	141
LINC00173	0.96	-0.84	0.37	0.60	0.85	0.17	163	93	89	42
LINC00471	-0.86	-0.66	0.32	0.16	0.19	0.16	77	64	37	57
LINC00482	0.77	-0.92	0.29	0.35	0.69	0.55	18	9	10	30
LINC00842	-0.63	0.60	0.43	0.26	0.29	0.24	39	53	66	42
LPHN2	-3.27	-3.78	0.33	0.50	0.00	0.20	32	7	1	36
LRG1	-1.02	-0.81	3.65	1.54	2.11	0.90	109	80	48	56
LRRC37A17P	1.44	-1.09	0.10	0.26	0.29	0.12	225	149	75	254
MAGED1	-1.81	-1.70	9.94	3.79	2.11	2.99	113	42	29	60
MDK	-1.29	-1.51	4.26	2.30	1.32	1.23	310	145	82	177
MESP1	-0.96	-0.79	0.80	0.40	0.42	0.53	409	307	182	355
MGAT3	-2.23	-0.78	0.03	0.00	0.01	0.25	4	7	1	30
MGST1	-4.31	-2.70	4.88	2.22	0.03	8.14	174	82	9	197
MRC2	5.07	-0.60	0.02	0.62	0.65	0.02	121	80	79	115
MRPL23-AS1	-1.72	-2.86	0.21	0.10	0.04	0.46	19	2	4	59
MT1F	-0.76	-1.12	3.91	1.81	2.95	3.03	223	147	71	212

MYH7B	1.98	0.72	0.39	1.34	1.78	0.85	15	26	24	25
MYRF	-1.31	-0.81	0.22	0.10	0.07	0.32	217	171	90	214
N4BP3	-0.93	-0.68	0.49	0.22	0.30	0.13	210	151	113	127
NCOR1	-1.02	-0.88	3.22	2.13	1.18	2.92	1118	830	442	992
NEURL3	-0.71	-1.45	0.75	0.31	0.67	0.21	27	9	10	25
NFIB	-1.58	-0.77	4.85	3.07	0.86	2.19	1376	1106	587	955
NKX2-1	-2.03	-1.07	0.57	0.21	0.09	1.00	165	113	55	159
NOD2	-0.83	-0.82	0.57	0.38	0.27	0.45	264	180	124	222
NRIP3	1.62	-3.23	0.09	0.35	0.22	0.04	75	27	2	49
NRSN2	1.10	-0.66	0.25	0.58	0.51	0.12	313	224	176	208
NTN1	-0.78	-0.75	0.93	0.48	0.62	0.53	305	207	159	332
NUP62	-0.63	-0.65	12.86	10.73	6.44	8.98	157	119	84	117
OPLAH	-0.97	-1.26	1.19	0.64	0.58	2.24	73	38	25	88
PACSLN3	-0.75	-0.72	4.96	2.83	3.08	2.33	372	289	176	302
PALM2-AKAP2	1.07	0.71	0.18	0.41	0.34	0.29	10	15	18	13
PAOX	-0.79	-1.44	0.30	0.35	0.09	0.76	50	33	10	103
PARVB	5.21	-2.68	0.01	0.52	0.42	0.01	13	3	2	7
PCOLCE2	0.92	-0.69	0.20	0.46	0.32	0.23	143	101	78	108
PCP4	1.19	1.05	9.57	16.90	28.07	15.78	25	50	54	22
PCSK9	-0.63	-1.14	2.77	1.84	1.75	2.93	129	86	40	143
PDE10A	-0.84	-0.69	0.37	0.28	0.15	0.16	583	402	326	570
PDE2A	-2.01	-0.72	0.30	0.07	0.08	0.07	225	156	120	139
PDGFRB	0.68	-1.16	0.12	0.10	0.34	0.10	35	17	14	23
PEAR1	-1.55	-3.41	0.33	0.16	0.08	0.48	68	17	2	79
PITPNM3	-0.77	-0.69	0.64	0.47	0.30	0.65	426	340	205	378
PLA2G4A	0.88	0.66	0.72	0.99	1.77	0.03	62	70	137	9
PLCB2	0.92	-0.75	0.11	0.13	0.31	0.38	352	222	198	269
PLEKHF1	-0.88	-1.02	0.67	0.38	0.35	0.32	260	163	101	170
POMZP3	-1.24	-1.17	3.40	1.75	1.18	3.46	52	32	17	43
PROM1	-3.22	-0.86	0.43	0.10	0.02	0.02	146	95	68	69
PROX1	1.29	0.65	0.14	0.30	0.42	0.52	45	46	109	79
PRSS36	-0.63	-0.64	0.29	0.12	0.29	0.12	208	137	129	143
PTGER2	-1.53	-1.01	2.36	1.65	0.41	1.55	283	192	103	195
PVRL3	1.66	0.60	0.28	0.82	0.96	0.59	113	176	167	269
PXMP4	-0.98	-1.15	2.21	1.21	1.04	1.92	212	122	75	201
QKI	-1.25	-0.67	0.93	0.57	0.27	0.95	346	272	174	344
QPRT	-1.24	-1.34	11.95	4.49	5.69	3.46	89	37	33	24
RAB3D	0.95	0.87	0.21	0.28	0.59	0.15	8	10	21	4
RAG1	1.03	-1.12	0.14	0.26	0.33	0.16	17	9	7	6

RASGRF1	1.35	-0.65	0.36	0.91	0.91	0.06	14	8	10	4
RASGRF2	-1.13	-0.76	2.18	1.76	0.57	0.32	646	547	266	368
RASL10A	0.72	-2.16	0.53	1.02	0.75	0.38	34	15	4	21
RBM20	5.13	-0.70	0.02	0.58	0.69	0.01	161	118	83	158
RCOR2	-0.79	-1.02	0.24	0.10	0.19	0.27	159	115	54	184
RIMKLB	2.85	1.87	0.05	0.41	0.26	0.02	9	33	33	8
RP11-1055B8.6	0.95	0.73	0.93	1.41	2.33	1.35	522	894	840	826
RP11-127B20.3	1.48	0.63	0.12	0.33	0.34	0.51	30	40	55	27
RP11-141J13.5	1.65	2.23	0.13	0.63	0.27	0.02	4	16	21	3
RP11-148B18.4	-0.83	2.21	0.50	0.21	0.38	0.10	2	8	11	2
RP11-14P20.1	0.94	-0.97	0.19	0.37	0.34	0.04	28	13	16	14
RP11-218M11.3	1.82	0.68	0.07	0.07	0.74	0.14	12	23	16	22
RP11-244K5.8	0.99	2.09	0.43	0.80	0.91	0.35	3	13	13	9
RP11-293P20.2	0.75	-1.39	0.16	0.18	0.42	0.00	14	6	5	4
RP11-298P3.4	0.77	-4.26	0.22	0.62	0.22	0.23	136	64	1	90
RP11-336A10.5	0.79	1.10	0.21	0.44	0.31	0.49	14	20	45	17
RP11-38M8.1	0.76	1.05	0.68	1.09	1.21	0.84	11	16	32	14
RP11-43F13.3	1.39	0.87	0.16	0.32	0.54	0.25	6	7	17	5
RP11-465N4.4	0.60	0.75	0.19	0.25	0.34	0.15	52	84	91	85
RP11-53O19.1	1.39	1.20	0.08	0.13	0.30	0.17	3	4	11	8
RP11-551L14.4	0.72	0.97	0.18	0.28	0.31	0.27	5	9	11	20
RP11-556I14.1	0.83	0.66	0.09	0.10	0.26	0.00	23	31	43	34
RP11-566K11.7	1.21	-1.10	0.70	2.06	1.25	1.07	52	34	17	42
RP11-613M10.8	-0.86	-0.86	0.30	0.19	0.14	0.12	357	280	138	320
RP11-618G20.1	2.03	0.74	0.08	0.17	0.58	0.72	15	22	29	20
RP11-74E22.3	2.38	1.04	0.04	0.19	0.26	0.00	3	7	6	12
RP11-895M11.3	-0.91	-1.04	0.12	0.07	0.06	0.26	93	59	35	73
RP11-95P13.1	1.74	0.81	0.29	1.05	0.88	0.40	12	18	25	21
RP1-30G7.2	0.93	0.93	0.39	0.53	1.03	0.83	13	19	33	14
RP1-90G24.10	-0.66	-0.62	0.38	0.14	0.41	0.11	45	28	31	32
RP5-1142J19.1	-2.08	-1.91	0.36	0.11	0.07	0.00	52	17	11	23
RPSAP58	-0.62	-4.84	0.31	0.23	0.18	0.26	58	5	1	37
RSG1	-1.05	-0.87	2.21	1.04	1.09	1.41	315	235	126	313
RTN4RL2	-0.62	-0.97	1.34	0.73	1.04	0.53	251	145	114	132
S100A4	2.17	0.60	8.56	28.49	52.40	304.62	24	43	31	197
S1PR4	1.02	0.78	0.20	0.34	0.47	0.20	10	14	21	9
SCAMP5	-0.62	-1.05	0.48	0.31	0.31	0.28	105	66	39	75
SCARF2	0.95	-0.60	0.19	0.33	0.39	0.09	221	179	118	255
SCG5	-0.84	-0.89	3.62	2.20	1.87	4.55	65	40	31	45

SEMA4A	1.80	0.89	0.14	0.41	0.59	0.62	4	8	7	12
SEMA6A	-0.67	-0.68	0.38	0.32	0.17	0.49	150	115	77	143
SEMA7A	-1.85	-0.97	0.86	0.39	0.15	0.72	260	226	78	300
SERPINA1	1.12	1.19	1.44	2.26	4.36	1.06	8	12	28	23
SERPINB5	0.61	0.87	3.56	3.60	8.27	8.59	37	55	82	65
SH2D2A	-2.20	-2.89	0.28	0.16	0.02	0.25	62	29	2	68
SH3BGR1	-3.17	-2.73	6.16	3.82	0.12	14.26	60	34	2	66
SIPA1L2	0.77	-0.90	1.41	2.63	2.19	3.35	19	7	15	6
SLAIN1	-1.64	-1.56	0.11	0.06	0.02	0.25	423	229	90	423
SLC16A6	2.73	-0.86	0.04	0.27	0.27	0.01	54	39	23	76
SLC19A3	-2.55	-3.64	0.38	0.10	0.04	0.39	60	15	2	65
SLC35D3	-2.15	-0.70	0.57	0.26	0.06	0.31	390	316	182	373
SLC38A8	0.69	-0.89	0.23	0.29	0.49	0.12	30	14	19	13
SLC44A4	0.84	0.89	5.50	7.71	12.55	1.64	60	98	126	58
SLC51B	1.81	1.89	0.41	0.90	2.34	0.53	4	12	18	7
SLC5A1	2.13	1.48	0.15	0.37	1.23	0.06	12	29	38	7
SLC6A16	2.42	-1.18	0.07	0.35	0.37	0.08	13	5	6	11
SMC5-AS1	0.76	-0.78	0.24	0.49	0.35	0.31	4	2	3	32
SOCS2	-0.60	-0.73	2.34	1.35	1.76	1.93	263	171	147	213
SOCS3	0.95	-0.78	0.10	0.18	0.19	0.31	57	50	22	79
SPINK2	-0.80	-0.88	0.29	0.19	0.15	0.05	154	108	65	144
SRCRB4D	-0.72	-0.61	0.23	0.15	0.13	0.25	368	302	193	282
SRRM3	-0.96	-0.69	0.41	0.19	0.24	0.10	183	114	113	131
SSTR5-AS1	1.21	0.83	0.07	0.06	0.44	0.02	22	39	40	17
ST6GALNAC1	0.79	1.98	0.53	0.72	1.15	0.64	3	10	13	10
STAC3	0.73	-1.31	0.61	0.82	1.24	0.45	166	76	59	98
STAT5A	-0.70	-0.65	1.29	0.79	0.79	0.96	294	207	169	282
STC2	9.02	-2.28	0.00	1.59	1.55	0.00	34	8	6	8
STEAP1	-1.35	-0.93	3.82	2.00	1.12	3.31	173	108	77	127
SUGCT	1.30	0.97	0.54	1.01	1.77	0.55	9	10	30	6
SUSD3	-1.30	-5.19	0.25	0.12	0.09	0.64	74	5	1	88
TBKBP1	-0.68	-0.79	1.40	0.99	0.77	1.32	266	209	113	242
TDO2	-1.94	-1.86	0.10	0.04	0.01	0.38	18	3	7	17
TERT	1.20	-0.81	0.27	0.63	0.61	0.88	103	77	44	117
TGFB111	-1.01	-0.78	1.39	0.92	0.52	1.22	490	331	247	359
TGFBR3L	2.18	-1.92	0.15	0.60	0.74	0.16	85	30	17	31
TGM2	3.49	-0.83	0.29	3.39	3.16	0.15	41	26	21	25
THSD1	0.90	-1.80	0.67	1.33	1.18	0.62	102	60	14	78
TIMP3	-2.62	-1.21	1.26	0.73	0.06	4.97	303	190	90	349

TMEM173	0.91	0.88	3.31	5.24	7.42	2.90	43	65	97	47
TMEM52	-0.74	-0.71	3.57	2.48	1.84	4.12	206	154	102	196
TNFAIP2	0.61	-0.64	0.27	0.34	0.50	0.05	73	60	36	72
TNNT1	-1.54	-1.67	4.75	1.65	1.61	0.90	144	55	37	63
TRBV30	0.99	0.78	0.08	0.32	0.08	0.13	19	25	43	23
TRIM31-AS1	0.93	-0.63	0.17	0.19	0.55	0.22	32	30	14	26
TRIQK	0.94	0.69	0.54	0.73	1.44	1.20	71	84	156	81
TRMT12	-0.94	-1.08	5.39	3.67	2.15	5.34	303	207	100	327
TSPAN2	-1.15	-0.62	0.73	0.31	0.35	0.20	103	65	68	81
TTC18	0.71	-3.37	1.15	1.89	1.88	1.02	56	37	1	47
TTLL3	0.73	-0.65	1.90	2.85	3.45	2.59	328	261	167	287
TXK	-0.66	-1.40	0.27	0.20	0.14	0.14	40	18	13	17
UCP2	-1.42	-0.70	1.75	0.79	0.54	1.06	139	112	65	88
UNC5B	-0.69	-0.61	0.85	0.57	0.48	0.62	428	358	219	457
UPK3B	-1.25	-0.76	2.16	1.04	0.80	1.56	841	665	370	797
VILL	-1.48	-1.06	5.44	2.29	1.65	6.40	186	104	77	211
WDR72	0.71	-0.65	0.21	0.32	0.37	0.33	53	33	35	32
WDR88	0.98	-0.69	0.10	0.26	0.15	0.10	19	10	13	5
WNT10B	-0.77	-0.63	0.93	0.63	0.47	0.74	102	66	66	80
ZNF141	-2.12	-3.56	0.86	0.56	0.07	1.51	228	118	3	327
ZNF256	-3.68	-4.91	0.85	0.26	0.02	1.12	208	60	1	249
ZNF432	-0.97	-2.32	0.32	0.18	0.16	0.34	102	44	10	83
ZNF442	-2.64	-4.09	0.26	0.07	0.02	0.18	235	80	2	178
ZNF625-ZNF20	0.61	-0.76	0.17	0.20	0.32	0.21	51	28	32	28

MES/MET	Δexpression	ΔH3K4me3	Expression	Expression	Expression	Expression	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3
Δexpression (RPKM) <> 1.5x	log2 RPKM	log2 reads	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(reads)	(reads)	(reads)	(reads)
ΔH3K4me3 (reads) <> 1.5x	MES-MET	MES-MET	DLD1	SA	SPH	MET	DLD1	SA	SPH	MET
AATK	-1.17	-0.94	0.21	0.25	0.18	0.47	142	130	53	159
AC005624.2	1.13	0.74	0.25	0.61	0.82	0.32	72	57	86	42
AC006262.5	-0.96	1.08	2.15	2.45	5.99	7.44	15	20	19	9
AC007193.6	-0.72	0.66	0.22	0.50	0.17	0.48	51	56	68	39
AC008074.3	1.04	0.65	0.21	0.34	0.24	0.14	198	185	191	120
AC009005.2	0.67	0.67	1.88	2.73	3.59	1.97	88	69	95	51
AC009410.1	0.67	0.81	1.02	1.61	1.48	0.97	106	127	149	78
AC011747.6	-1.27	-0.89	6.63	3.93	4.56	10.23	53	40	38	72
AC017060.1	-1.30	1.02	2.06	1.63	1.07	3.25	46	46	76	29
AC019117.1	-5.05	1.85	0.07	0.12	0.05	2.48	11	6	13	2
AC027119.1	2.21	0.87	0.44	0.57	0.61	0.13	59	56	54	30
AC091167.3	1.77	1.26	0.40	0.29	0.95	0.15	9	26	26	11
AC092594.1	-0.83	-0.99	0.14	0.19	0.20	0.35	19	23	22	45
AC093323.3	-0.65	-0.68	10.70	7.90	6.11	10.90	496	416	219	482
AC104135.3	0.64	-0.82	0.65	0.73	0.68	0.45	38	21	18	34
AC147651.3	1.52	-0.94	0.07	0.36	0.46	0.14	55	36	21	53
AC156455.1	1.63	0.80	0.06	0.27	0.21	0.08	16	9	20	7
ACN9	-1.78	-1.83	2.51	1.63	0.33	2.51	162	96	9	102
ACSL5	1.18	1.04	31.35	26.54	24.26	11.22	81	116	100	52
ACTA2	2.41	1.09	0.31	0.42	0.49	0.09	89	80	114	45
ADAM19	3.21	-3.60	0.05	1.18	1.17	0.13	2	1	1	10
ADAMTS16	-0.61	-1.32	0.55	0.22	0.14	0.27	15	11	4	17
ADAP2	-1.41	-1.95	0.41	0.19	0.15	0.45	81	38	18	102
ADM2	-0.60	-3.57	1.38	0.72	0.48	0.89	155	35	3	126
ADRB1	1.34	-0.63	0.48	0.55	0.54	0.22	164	136	109	188
AF064858.8	3.26	0.90	0.76	1.41	1.57	0.16	16	18	34	13
AHR	-1.37	-1.39	16.35	20.30	16.10	46.67	9	17	16	43
AK4	-0.84	-0.67	1.86	2.32	1.20	2.98	366	348	194	415
AK9	0.67	4.26	0.25	0.45	0.60	0.33	5	13	20	1
AL162759.1	1.13	1.15	6.59	10.18	14.69	5.59	38	33	60	20
ALDH1L1	1.67	0.69	0.99	0.06	0.04	0.02	268	152	99	76
ALOX15	1.36	0.74	0.29	0.51	0.67	0.23	13	15	19	10
ALOX5AP	2.21	0.75	0.06	0.20	0.38	0.06	37	29	49	22
AMN	-0.78	-0.86	1.45	1.11	1.56	2.26	156	146	92	210
ANKRD1	1.38	1.29	5.29	6.89	4.99	2.25	12	9	16	5
ANKRD2	1.33	1.05	1.17	0.82	1.29	0.41	6	3	10	2

ANKRD22	0.86	1.26	8.43	8.39	10.08	5.07	21	22	30	11
ANO1	5.85	-2.31	0.04	0.79	0.73	0.01	83	23	10	77
APBB1	1.37	-1.25	0.29	0.29	0.18	0.09	447	213	72	294
APOC1	0.71	0.98	1.10	1.07	0.85	0.58	139	111	171	70
AQP7	0.82	0.67	0.08	0.17	0.43	0.15	10	6	14	6
ARHGAP40	-1.66	-0.63	2.15	0.35	0.18	0.79	117	53	42	72
ARHGEF4	-0.60	-0.99	0.41	0.41	0.51	0.69	291	267	141	386
ARL4C	-1.02	-0.66	21.69	21.79	24.21	46.43	556	589	427	792
ARSE	1.10	1.70	1.44	1.90	2.24	0.97	10	14	26	6
ARX	-0.75	-0.83	0.47	0.37	0.39	0.64	212	165	97	225
ATP11C	8.82	6.08	2.32	2.30	2.58	0.01	276	329	240	4
B3GNT9	4.34	5.02	2.21	3.50	5.91	0.23	184	189	140	5
BAIAP2L2	0.76	1.22	1.20	1.46	1.97	1.00	10	15	13	6
BCAM	1.62	0.66	25.19	24.14	34.32	9.35	257	267	269	169
BICC1	1.16	2.59	0.20	0.51	0.58	0.24	23	25	36	5
BMP8A	-0.68	-3.17	0.71	0.23	0.54	0.57	54	17	2	57
BZRAP1	-1.00	-0.97	1.33	1.26	0.75	1.94	83	60	38	94
C10orf54	-0.95	-1.19	0.56	0.73	0.63	1.30	153	102	58	175
C12orf36	0.65	0.94	1.36	1.58	2.05	1.15	23	27	38	17
C15orf52	-0.87	-0.69	1.35	1.42	1.51	2.67	62	66	51	93
C1orf85	-1.16	-1.06	4.10	3.58	2.19	6.26	155	133	65	194
C1QL4	1.07	-0.72	0.26	0.15	0.28	0.10	86	67	36	82
C1R	1.74	1.65	0.85	0.60	0.66	0.19	15	13	5	2
C1RL	0.71	1.65	2.73	3.37	3.96	2.23	15	13	5	2
C21orf67	0.99	0.65	1.60	1.65	1.35	0.75	146	164	148	99
C2orf54	-0.68	-1.00	14.20	14.91	15.29	24.12	107	154	132	284
C6orf141	1.13	0.74	1.72	3.05	2.76	1.33	229	286	217	149
C6orf15	-2.67	-2.35	8.95	2.94	3.06	19.07	4	2	4	13
C6orf222	-0.74	0.91	0.36	0.13	0.23	0.29	8	16	18	9
CACNA2D4	3.58	1.41	0.00	0.31	0.26	0.02	96	76	67	27
CAPN12	-0.91	-1.07	0.10	0.17	0.12	0.27	110	58	23	77
CASC8	2.92	0.89	0.27	0.61	0.69	0.09	30	31	31	17
CASP10	1.17	1.68	2.51	2.14	2.55	1.04	127	123	202	49
CCDC11	2.90	-4.99	0.34	0.88	1.06	0.13	190	37	1	172
CCDC146	1.35	-0.98	0.27	0.41	0.67	0.21	25	17	17	34
CCDC148	0.61	-3.51	0.24	0.29	0.34	0.20	2	2	1	13
CCDC80	2.36	0.78	0.43	0.64	0.79	0.14	77	75	119	55
CCDC88B	0.98	1.28	0.67	0.49	0.95	0.35	32	38	35	15
CCND2	3.50	1.50	0.04	0.39	0.25	0.03	23	14	40	8

CCRL2	1.93	0.71	1.91	1.59	1.96	0.46	47	69	55	37
CD109	5.92	1.16	0.01	0.28	0.23	0.00	15	11	11	5
CD22	4.77	0.94	0.23	0.49	0.64	0.02	7	7	18	6
CDH13	4.44	0.97	0.39	0.46	0.39	0.02	58	46	74	30
CDH17	1.09	0.89	22.51	26.15	34.98	14.18	20	31	52	22
CDIPT-AS1	1.56	0.62	0.14	0.11	0.34	0.07	26	28	25	17
CDKL2	-1.40	-0.85	0.22	0.16	0.12	0.36	166	94	69	145
CEP112	0.84	2.13	0.51	0.62	0.69	0.36	35	36	53	10
CES3	3.97	2.48	0.18	0.44	0.59	0.03	3	5	17	2
CGREF1	-1.30	-1.61	5.60	3.11	2.36	6.66	284	181	78	363
CHRNA1	3.50	1.47	0.71	1.09	2.61	0.15	14	18	36	9
CHST7	-1.06	-0.79	1.05	0.99	1.03	2.11	81	94	53	122
CLDN11	4.40	1.35	0.06	1.56	1.38	0.07	31	24	42	12
CLIC3	-2.74	-0.87	2.13	1.54	2.08	11.93	79	45	49	86
CNTD2	-1.87	-2.07	0.37	0.37	0.22	1.06	25	25	8	59
CNTNAP1	1.42	-1.48	0.82	0.67	0.79	0.27	139	57	42	137
COCH	-1.01	-1.01	8.24	5.07	2.62	7.33	297	190	109	290
COL5A2	1.05	-0.72	0.42	0.49	0.48	0.23	9	5	14	14
CPE	-0.89	-1.12	3.84	2.95	2.25	4.80	141	94	40	134
CPLX2	4.74	1.30	0.03	0.41	0.50	0.02	70	28	53	16
CPNE7	-1.74	-2.80	1.49	1.01	0.50	2.37	59	27	7	96
CPT1C	1.11	-0.97	0.34	0.68	0.63	0.30	9	12	13	24
CRABP2	3.47	1.06	9.59	19.68	20.47	1.81	178	149	152	72
CST7	-0.82	-0.91	50.75	25.67	20.28	40.36	176	152	91	221
CSTF3-AS1	3.57	0.72	0.13	0.28	0.42	0.03	21	21	21	12
CTA-714B7.5	-0.76	-0.80	2.23	1.90	1.34	2.71	91	74	60	117
CTC-246B18.8	-1.71	-0.98	0.85	0.59	0.26	1.27	363	270	139	382
CTD-2288O8.1	-1.82	-0.93	0.06	0.14	0.13	0.47	39	67	36	93
CTD-2357A8.3	0.69	1.19	0.57	1.15	1.86	0.91	14	8	23	6
CTD-3094K11.1	0.69	0.73	0.74	0.92	1.55	0.74	32	46	48	28
CTSH	1.26	0.68	7.88	7.36	8.65	3.32	265	283	187	143
CX3CL1	1.17	1.03	2.44	2.18	2.36	1.01	146	165	117	68
CYP3A7	5.54	3.10	0.06	0.20	0.35	0.01	3	11	18	2
CYP4F23P	2.00	-1.23	0.32	0.43	1.00	0.16	8	5	5	12
CYTIP	-0.65	-0.76	0.09	0.20	0.15	0.27	7	7	8	12
DBP	1.78	-1.07	3.30	4.08	11.81	2.02	36	22	6	23
DCLRE1CP1	2.13	-0.63	0.13	0.17	0.42	0.06	185	150	106	195
DEGS2	-2.19	-1.32	0.63	0.72	0.31	2.17	209	133	94	279
DENND2D	1.05	0.85	0.93	1.02	1.69	0.64	60	71	64	37

DGKG	1.42	0.71	0.24	0.45	0.49	0.17	49	68	51	36
DIRC2	-0.61	-0.87	1.92	1.32	1.16	1.89	238	166	101	237
DLGAP1-AS2	1.88	0.77	0.25	1.06	1.14	0.30	196	184	211	116
DTX2P1	0.78	-0.83	0.29	0.17	0.18	0.10	8	6	7	12
DUSP2	-0.92	-0.76	3.25	3.42	2.88	5.95	409	449	227	540
DYNC2H1	-1.86	-0.93	0.22	0.19	0.12	0.53	122	85	72	149
EDN1	0.92	0.74	1.30	1.47	1.21	0.71	82	97	105	61
EHD2	-2.84	0.66	0.83	0.08	0.08	0.59	140	187	224	129
EHF	1.26	1.45	21.54	20.68	22.82	9.05	77	59	70	23
ELMO3	-1.42	-2.14	6.94	5.06	5.11	13.60	112	95	33	245
EMR2	-0.93	-1.14	0.20	0.25	0.25	0.48	80	40	40	88
ENO4	0.91	1.21	0.22	0.32	0.26	0.15	7	7	13	4
EPPK1	-0.68	-0.84	1.28	0.97	0.78	1.39	74	53	37	79
ERP27	1.11	1.26	0.56	0.42	0.67	0.25	35	25	58	16
ERVMER34-1	-0.84	-0.90	4.00	3.64	1.78	4.55	217	130	82	193
ESAM	1.09	-0.75	0.89	0.82	0.91	0.41	35	11	9	17
ETNK2	-0.65	-0.99	0.64	0.30	0.19	0.37	249	169	86	240
FAAH	-0.63	-1.02	4.00	2.98	2.38	4.11	193	163	81	232
FAM124A	-1.10	-0.76	0.21	0.24	0.10	0.33	256	242	148	321
FAM27A	0.82	0.66	0.51	0.57	0.37	0.26	20	28	27	17
FAM46B	-0.85	1.89	1.28	0.76	0.83	1.43	13	15	30	6
FBP1	-0.61	-1.64	7.69	4.76	3.68	6.40	61	45	13	77
FBXO10	0.65	-0.70	2.17	2.63	2.67	1.69	357	280	138	320
FBXO6	-0.68	-0.65	1.87	0.92	1.06	1.58	134	84	52	103
FER1L6	-1.87	-0.74	0.56	0.16	0.05	0.33	54	32	30	52
FGFR3	-2.76	-1.52	1.72	0.74	0.34	3.41	324	200	85	373
FGFR4	-0.87	-1.03	1.04	0.90	0.66	1.41	176	121	58	172
FN3K	-0.90	-0.86	3.08	2.26	2.40	4.35	310	249	134	331
FOLR1	-0.97	-1.68	1.25	1.94	2.77	4.55	5	8	10	27
FOXN1	-3.06	-3.31	0.27	0.08	0.58	1.85	7	2	5	28
FOXP1	-1.02	-0.90	0.69	0.63	0.37	0.98	399	336	215	501
GABRE	-1.74	-2.51	0.70	0.86	0.07	0.80	83	81	7	137
GAL	-0.96	-0.81	34.42	25.94	17.96	41.90	322	254	170	364
GALNT5	-4.78	-1.79	1.27	0.42	0.01	1.32	102	47	19	104
GAMT	2.98	0.75	2.87	2.22	2.48	0.30	39	44	24	19
GAS6-AS1	0.73	-0.81	0.65	0.35	0.64	0.28	13	21	16	32
GAS7	-1.03	-0.76	1.47	1.45	1.55	3.06	18	30	37	57
GBP3	0.72	0.62	6.22	6.41	7.59	4.23	126	100	132	75
GEM	1.09	0.70	4.14	4.53	5.66	2.37	253	264	228	151

GEMIN8P4	0.87	0.99	0.82	0.55	0.86	0.38	15	18	15	8
GGT6	0.70	0.78	1.84	2.61	2.98	1.72	17	38	29	19
GJB6	-1.49	-0.82	1.28	0.38	0.03	0.32	167	71	44	98
GNA14	0.98	0.97	0.96	1.09	1.39	0.62	19	26	37	16
GNG2	-2.43	-3.50	0.28	0.12	0.05	0.40	29	10	2	46
GPD1	0.79	0.86	0.30	0.47	0.49	0.28	9	35	55	24
GPR19	0.91	2.01	0.34	0.41	0.45	0.23	15	22	33	7
GPRASP2	-0.79	-1.83	0.35	0.54	0.43	0.83	59	33	13	72
GPSM3	2.00	0.83	0.31	0.90	0.66	0.19	84	93	99	54
GPX3	6.46	6.05	3.70	3.68	4.47	0.05	145	118	104	2
GRIK5	0.77	1.34	0.34	0.23	0.25	0.14	35	35	45	16
GSDMB	0.72	2.40	1.83	2.33	2.78	1.55	14	13	13	2
H19	-7.92	-3.19	58.04	9.74	14.67	2892.87	105	66	63	590
HHIP	5.81	-3.41	0.12	0.88	0.78	0.01	82	27	2	85
HHIP-AS1	-0.81	-3.41	0.30	0.04	0.01	0.04	82	27	2	85
HIST1H2AI	2.51	0.74	0.52	0.46	0.39	0.08	59	84	78	48
HLTF	-1.33	-0.78	0.50	0.56	0.30	1.04	96	75	54	109
HOPX	-1.92	-0.77	0.11	0.07	0.15	0.38	9	12	17	24
HOXB5	-1.87	0.83	0.22	0.92	0.51	2.50	623	594	598	336
HOXC10	2.05	1.41	0.18	0.56	0.64	0.15	24	21	24	8
HOXD13	-1.46	-1.05	0.17	0.26	0.15	0.54	131	90	48	137
HR	-0.61	-1.23	0.72	0.44	0.19	0.44	125	64	21	87
hsa-mir-8072	0.69	0.62	1.01	1.04	1.28	0.72	122	98	136	75
HSD11B2	-1.03	-0.75	3.10	2.43	1.91	4.40	414	326	204	434
HSD17B6	0.86	0.72	0.65	0.65	0.45	0.30	250	254	345	179
HSD3B7	-1.17	-1.26	6.78	3.99	3.36	8.23	60	42	17	65
HSPA12A	-1.60	-0.65	1.41	1.72	1.50	4.86	416	394	242	483
IGF2BP1	6.07	0.63	0.02	0.61	0.57	0.01	55	45	45	29
IGFBP7	7.23	-2.76	0.12	6.17	6.23	0.04	99	41	10	134
IGSF5	0.85	0.69	0.41	0.68	0.79	0.41	28	20	21	12
IL17RB	-1.14	-1.39	4.05	3.20	1.84	5.34	38	24	13	46
IL32	-1.87	-0.78	1.43	0.28	0.04	0.38	5	7	9	13
IL33	2.58	2.54	7.16	7.68	12.62	1.65	53	43	93	11
IPPK	1.42	0.72	4.98	4.89	4.81	1.81	456	412	364	236
ISX	1.04	0.85	0.92	1.03	1.51	0.61	9	22	20	12
ITGA1	-2.00	-0.79	0.11	0.24	0.10	0.61	263	250	181	368
ITGA10	0.88	0.92	0.41	0.62	0.40	0.27	49	46	43	23
ITGB2	1.91	0.65	0.15	0.30	0.34	0.08	96	67	56	39
ITIH4	0.81	-1.37	0.34	0.61	0.70	0.37	12	3	10	13

JAG2	-0.97	-0.65	16.01	14.12	15.32	28.87	303	357	242	462
KCNN4	-1.80	-3.39	0.10	0.32	0.38	1.21	3	3	2	30
KIF7	-1.80	-3.65	0.25	0.32	0.32	1.10	38	15	3	86
KLHDC8B	1.79	0.75	1.38	0.56	0.47	0.15	164	117	84	59
KLK11	-2.48	-3.80	0.05	0.17	0.36	1.39	3	2	5	40
KLRC4-KLRK1	2.89	1.24	0.32	0.48	0.83	0.08	42	36	43	17
KRT20	2.85	2.23	21.92	4.06	3.18	0.50	59	8	8	2
KRTCAP3	-0.66	-0.82	5.13	3.91	5.39	7.24	126	82	59	122
LAGE3	-1.16	-1.25	4.93	2.77	2.71	6.11	61	37	13	52
LARP6	-0.77	-4.48	0.11	0.29	0.21	0.42	47	8	2	78
LDHD	-2.35	-1.69	0.17	0.07	0.18	0.57	11	6	9	23
LFNG	-0.92	-0.70	1.79	2.69	3.89	6.14	281	247	221	380
LHX5	-2.86	-4.44	0.17	0.12	0.02	0.34	74	36	1	117
LIF	-1.10	1.09	18.62	12.94	9.72	24.08	166	197	180	88
LINC00173	2.04	1.10	0.37	0.60	0.85	0.17	163	93	89	42
LINC00337	1.40	0.96	0.76	0.81	0.58	0.26	33	27	32	15
LMO2	4.45	1.13	0.06	0.93	0.77	0.04	15	9	19	6
LNK1	0.99	0.66	0.70	0.80	1.18	0.49	136	170	208	119
LOXL2	4.81	0.86	0.06	0.41	0.37	0.01	10	5	11	4
LPAR5	-1.48	-2.31	0.40	0.46	0.47	1.30	11	8	16	55
LPHN1	1.08	0.87	3.86	3.09	3.49	1.55	291	257	230	132
LPHN2	-2.51	-3.94	0.33	0.50	0.00	0.20	32	7	1	36
LRRC10B	-2.04	-1.17	0.04	0.07	0.12	0.39	52	51	25	81
LRRC3	-0.79	-0.84	1.28	0.81	1.11	1.63	310	210	155	322
LRRC34	-1.07	-1.03	0.17	0.19	0.22	0.42	53	39	23	61
LRRC37A17P	1.19	-1.27	0.10	0.26	0.29	0.12	225	149	75	254
LRRN4	1.08	0.82	1.39	1.61	1.29	0.68	87	74	78	43
LUCAT1	2.22	0.72	0.22	0.55	0.67	0.13	12	9	13	7
LY6G6D	-3.41	-3.52	1.66	0.84	0.62	7.66	2	4	2	30
MAFB	-1.46	-1.92	0.14	0.16	0.07	0.30	34	28	12	68
MAP1LC3A	-0.93	-0.71	1.96	2.24	2.71	4.70	52	81	89	138
MAP6D1	-1.32	-1.46	1.39	1.42	1.03	3.02	307	251	122	482
MAST1	0.65	-1.19	0.25	0.22	0.30	0.16	19	9	12	24
MC1R	1.17	-0.78	0.71	1.03	1.08	0.47	52	34	17	42
MEGT1	-2.88	-1.07	0.85	0.97	1.06	7.51	36	39	40	82
MFSD7	1.03	-1.67	0.20	0.28	0.27	0.14	31	10	6	24
MGAT3	-5.12	-3.68	0.03	0.00	0.01	0.25	4	7	1	30
MGST1	-5.04	-2.88	4.88	2.22	0.03	8.14	174	82	9	197
MMRN2	1.24	1.76	0.58	0.73	1.21	0.40	25	23	41	9

MRPL23-AS1	-2.85	-4.50	0.21	0.10	0.04	0.46	19	2	4	59
MTMR11	1.24	0.74	0.43	0.53	0.72	0.26	54	52	66	35
MUC5AC	-1.95	-1.35	11.90	10.51	6.34	31.61	87	135	53	217
MX2	-1.15	-0.88	0.33	0.24	0.47	0.74	17	18	34	46
MYD88	0.99	0.95	15.13	15.00	14.58	7.44	354	336	278	158
MYH15	2.04	1.62	0.58	0.76	0.61	0.17	21	9	11	3
MYO15B	0.95	-1.21	2.46	3.26	5.93	2.27	68	51	44	109
MYRF	-1.88	-0.79	0.22	0.10	0.07	0.32	217	171	90	214
NCOR1	-0.89	-0.71	3.22	2.13	1.18	2.92	1118	830	442	992
NETO2	-0.70	-0.60	7.14	8.09	4.70	10.00	443	384	235	457
NEURL3	1.16	-1.34	0.75	0.31	0.67	0.21	27	9	10	25
NKX2-1	-2.84	-1.02	0.57	0.21	0.09	1.00	165	113	55	159
NMB	-2.50	-2.44	0.42	0.54	0.22	1.97	40	21	6	58
NOTCH1	-0.74	-0.68	0.99	0.83	0.66	1.24	324	252	159	321
NPM2	-1.17	-1.54	0.48	0.56	0.72	1.42	16	25	17	61
NRIP3	2.84	-2.62	0.09	0.35	0.22	0.04	75	27	2	49
ODF3B	0.87	-0.79	0.16	0.26	0.19	0.12	71	30	14	36
OLR1	1.36	1.59	67.15	52.22	41.07	18.10	73	86	117	33
OPLAH	-1.88	-1.53	1.19	0.64	0.58	2.24	73	38	25	88
OPN3	0.73	0.81	9.12	9.20	11.76	6.29	12	15	20	10
PAOX	-2.10	-2.49	0.30	0.35	0.09	0.76	50	33	10	103
PARVB	5.11	-1.89	0.01	0.52	0.42	0.01	13	3	2	7
PBDC1	4.49	3.21	8.45	7.41	9.11	0.36	118	96	121	12
PCSK9	-0.71	-1.29	2.77	1.84	1.75	2.93	129	86	40	143
PDZK1IP1	3.07	2.94	2.01	1.30	1.76	0.18	15	15	11	2
PEAR1	-2.08	-3.63	0.33	0.16	0.08	0.48	68	17	2	79
PHLDB2	0.96	0.80	5.26	4.52	3.22	1.96	95	114	96	60
PIGL	-0.82	-0.65	2.68	1.94	1.86	3.34	441	319	171	367
PKN2	0.62	0.60	10.26	11.46	12.96	7.94	128	134	233	117
PLA2G4A	5.57	3.42	0.72	0.99	1.77	0.03	62	70	137	9
PLA2G4F	-1.16	-1.17	0.88	0.55	0.58	1.26	28	23	16	43
PLCG2	-0.82	-0.77	0.69	0.50	0.64	1.00	367	331	158	390
PLEKHA4	0.76	0.73	4.43	4.82	6.31	3.27	96	134	124	77
PLXNB3	-1.60	-1.13	1.24	1.33	2.02	4.98	32	72	57	141
POMZP3	-1.27	-0.91	3.40	1.75	1.18	3.46	52	32	17	43
PPP1R14D	1.16	1.24	2.83	1.31	3.91	1.01	58	44	64	22
PREX1	1.95	1.00	0.32	0.34	0.36	0.09	31	31	33	16
PRIM1	0.64	0.72	11.75	13.17	14.63	8.93	250	254	345	179
PROM2	-1.46	-2.69	2.16	1.94	2.68	6.29	13	8	13	66

PTPRH	1.16	0.76	0.60	0.22	0.42	0.14	9	6	12	5
PXMP4	-0.78	-1.07	2.21	1.21	1.04	1.92	212	122	75	201
PYGL	-1.51	1.19	4.40	3.33	2.46	8.13	100	83	101	40
QKI	-1.27	-0.66	0.93	0.57	0.27	0.95	346	272	174	344
RAB3D	1.45	1.81	0.21	0.28	0.59	0.15	8	10	21	4
RAMP1	1.29	1.25	0.24	0.75	0.83	0.32	62	66	61	27
RAPGEF3	3.51	-1.99	0.06	0.43	0.51	0.04	5	6	2	15
RARRES3	2.56	1.71	1.46	0.63	1.87	0.18	5	11	17	4
RASGRF1	3.88	1.10	0.36	0.91	0.91	0.06	14	8	10	4
RASL10A	1.20	-1.45	0.53	1.02	0.75	0.38	34	15	4	21
RASSF10	0.81	-1.06	5.41	5.98	8.22	4.01	132	102	75	182
RBM20	6.44	-0.68	0.02	0.58	0.69	0.01	161	118	83	158
RBM26-AS1	0.66	0.68	0.51	0.68	0.87	0.48	182	236	219	142
RCOR2	-0.97	-1.23	0.24	0.10	0.19	0.27	159	115	54	184
REG4	6.20	1.39	0.69	0.45	1.58	0.01	12	6	7	2
RGPD8	1.00	-0.97	2.21	2.77	3.41	1.54	14	15	7	20
RIMKLB	4.33	1.99	0.05	0.41	0.26	0.02	9	33	33	8
RINL	-1.91	-1.91	0.16	0.25	0.09	0.58	4	11	2	16
RNASEH1-AS1	1.03	0.68	5.42	6.29	6.56	3.15	171	201	194	123
RNF32	0.65	-0.89	0.28	0.40	0.60	0.31	12	10	10	19
RP1-102K2.8	-1.31	1.09	0.28	0.23	0.16	0.47	166	197	180	88
RP11-104H15.9	2.28	1.20	0.79	0.25	0.35	0.06	23	23	19	9
RP11-1055B8.3	1.77	-0.86	0.09	0.21	0.47	0.09	65	61	52	102
RP11-1134I14.2	-2.97	-2.16	0.00	0.06	0.03	0.30	21	29	19	106
RP11-127B20.3	-0.62	0.76	0.12	0.33	0.34	0.51	30	40	55	27
RP11-135A1.2	0.86	1.42	0.39	0.29	0.40	0.19	48	61	43	19
RP11-141J13.5	4.71	2.49	0.13	0.63	0.27	0.02	4	16	21	3
RP11-148B18.4	1.49	1.89	0.50	0.21	0.38	0.10	2	8	11	2
RP11-203B9.4	-1.14	-1.12	0.15	0.08	0.17	0.26	41	29	40	74
RP11-222A11.1	1.01	1.27	0.15	0.27	0.34	0.15	133	175	212	80
RP1-125I3.2	1.83	-0.62	0.13	0.39	0.45	0.12	20	11	24	25
RP11-25K19.1	-3.14	-0.98	0.00	0.05	0.05	0.45	53	53	41	92
RP11-277P12.20	2.28	0.88	1.61	1.09	1.47	0.26	414	462	509	263
RP11-284F21.7	0.69	1.68	5.85	5.05	7.35	3.78	5	3	11	2
RP11-298P3.4	0.66	-3.66	0.22	0.62	0.22	0.23	136	64	1	90
RP11-322E11.6	-0.61	0.99	0.37	0.32	1.62	1.09	18	28	25	13
RP11-38L15.3	1.21	0.99	0.77	0.66	1.57	0.44	87	40	63	25
RP11-434D12.1	1.85	1.43	0.20	0.27	0.21	0.07	15	15	16	6
RP11-43F13.3	0.73	1.13	0.16	0.32	0.54	0.25	6	7	17	5

RP11-446N19.1	0.89	1.48	0.29	0.32	0.34	0.18	14	11	17	5
RP11-46A10.5	0.84	-1.11	0.30	0.41	0.30	0.20	122	83	31	109
RP11-480I12.7	0.95	0.81	0.33	0.41	0.49	0.23	95	121	147	76
RP11-516C1.1	-1.21	0.64	0.21	0.26	0.12	0.41	182	158	181	108
RP11-525A16.4	0.88	1.23	0.80	0.72	0.57	0.35	3	9	11	4
RP11-539G18.2	0.83	0.67	0.28	0.32	0.24	0.16	62	76	86	51
RP11-540O11.1	-4.12	0.67	0.09	0.45	0.03	2.10	82	105	79	57
RP11-550I24.2	1.50	0.71	0.08	0.28	0.23	0.09	155	151	195	105
RP11-567M16.2	1.26	0.62	0.48	0.98	0.68	0.34	28	26	21	15
RP11-620J15.3	3.22	1.09	0.38	0.89	1.10	0.11	132	142	167	72
RP11-661A12.9	0.70	0.67	4.93	8.28	7.72	4.91	25	19	30	15
RP11-6J24.6	0.99	0.62	0.64	0.60	0.56	0.29	164	157	189	112
RP11-734K2.4	0.81	0.87	1.21	1.28	1.01	0.65	67	108	121	62
RP11-734K21.2	0.64	0.70	0.43	0.40	0.60	0.32	22	28	21	15
RP11-73M7.1	1.29	-0.75	1.26	1.01	1.73	0.54	26	20	13	27
RP11-758P17.3	0.82	1.34	8.14	10.79	8.38	5.39	10	14	26	7
RP11-895M11.3	-2.01	-0.70	0.12	0.07	0.06	0.26	93	59	35	73
RP4-792G4.2	-2.10	-2.72	0.15	0.17	0.08	0.49	54	32	4	74
RP5-1065P14.2	1.19	0.78	0.22	0.21	0.25	0.10	6	9	17	7
RP5-1185I7.1	-0.62	-1.93	0.49	0.54	0.38	0.69	15	14	5	31
RP5-884M6.1	0.72	1.27	0.37	0.37	0.32	0.21	36	38	56	19
RP5-908M14.5	-0.97	0.74	0.27	0.17	0.32	0.46	14	9	17	7
RP5-966M1.6	1.04	-1.37	0.32	0.46	0.48	0.23	12	3	10	13
RPS6KL1	-1.09	-1.04	0.68	0.55	0.42	1.03	259	274	128	385
S100A4	-2.98	-2.44	8.56	28.49	52.40	304.62	24	43	31	197
S100P	-4.05	-2.10	33.12	6.78	9.00	129.41	67	56	52	232
S1PR4	1.00	0.91	0.20	0.34	0.47	0.20	10	14	21	9
SCARF2	2.02	-0.81	0.19	0.33	0.39	0.09	221	179	118	255
SCD5	-0.96	-0.70	5.68	5.03	3.14	7.74	327	278	154	336
SCN5A	1.49	-0.72	0.23	0.51	0.49	0.18	127	111	70	145
SEMA6A	-1.04	-0.61	0.38	0.32	0.17	0.49	150	115	77	143
SEMA7A	-1.60	-1.18	0.86	0.39	0.15	0.72	260	226	78	300
SERPINF1	-1.82	-4.71	0.36	0.39	0.28	1.16	0	1	2	37
SEZ6L2	2.05	1.14	6.69	5.88	10.31	1.88	105	89	155	53
SGPP2	-1.97	-0.68	1.88	1.82	0.40	3.35	512	470	266	566
SH2D2A	-2.01	-3.03	0.28	0.16	0.02	0.25	62	29	2	68
SH3BGRL	-4.38	-2.86	6.16	3.82	0.12	14.26	60	34	2	66
SH3D21	0.74	1.15	0.75	0.99	1.26	0.67	37	9	2	2
SLAIN1	-2.89	-1.56	0.11	0.06	0.02	0.25	423	229	90	423

SLC16A6	4.21	-1.34	0.04	0.27	0.27	0.01	54	39	23	76
SLC19A3	-2.59	-3.75	0.38	0.10	0.04	0.39	60	15	2	65
SLC2A3	2.55	1.05	7.72	8.69	6.73	1.31	127	78	47	29
SLC35D3	-1.27	-0.64	0.57	0.26	0.06	0.31	390	316	182	373
SLC44A4	2.59	0.93	5.50	7.71	12.55	1.64	60	98	126	58
SLC51B	1.45	0.98	0.41	0.90	2.34	0.53	4	12	18	7
SLC5A1	3.40	2.15	0.15	0.37	1.23	0.06	12	29	38	7
SLC6A16	2.11	-0.92	0.07	0.35	0.37	0.08	13	5	6	11
SLC9A5	1.84	0.73	1.16	1.60	2.09	0.51	280	263	248	154
SOCS3	-0.74	-1.25	0.10	0.18	0.19	0.31	57	50	22	79
SPATC1L	1.20	1.35	3.67	3.07	3.73	1.47	286	242	270	100
SPINK2	1.68	-0.78	0.29	0.19	0.15	0.05	154	108	65	144
SSTR5	0.93	1.23	0.96	0.86	1.93	0.67	22	39	40	17
SSTR5-AS1	3.11	1.23	0.07	0.06	0.44	0.02	22	39	40	17
STAP2	0.94	0.69	6.89	7.58	11.89	4.96	223	259	251	158
STXBP6	-0.74	-0.62	2.92	2.15	2.15	3.59	365	288	188	357
SUGCT	1.28	1.60	0.54	1.01	1.77	0.55	9	10	30	6
SUSD3	-2.64	-5.45	0.25	0.12	0.09	0.64	74	5	1	88
SYCE2	1.37	1.34	0.45	0.31	0.32	0.12	35	28	32	12
SYT15	1.22	0.99	0.14	0.11	0.31	0.08	87	40	63	25
SYTL1	-1.21	-0.69	2.17	1.35	1.65	3.46	268	245	167	325
TACSTD2	-1.09	-1.08	54.13	24.48	39.79	66.51	50	35	32	71
TANC2	-1.19	2.73	0.21	0.26	0.39	0.73	6	8	16	2
TDO2	-3.93	-1.75	0.10	0.04	0.01	0.38	18	3	7	17
TFPI	1.94	0.91	0.07	0.09	0.28	0.04	44	40	59	26
THSD1	1.01	-1.42	0.67	1.33	1.18	0.62	102	60	14	78
TIMP3	-4.60	-1.41	1.26	0.73	0.06	4.97	303	190	90	349
TLDC2	-0.87	-1.38	0.45	0.55	0.76	1.19	36	47	30	98
TM4SF1-AS1	1.89	1.34	0.34	0.35	0.45	0.11	22	46	64	22
TMEM150C	-0.64	-0.95	0.42	0.32	0.37	0.54	378	261	155	389
TMEM158	-0.77	-0.60	1.14	1.33	1.35	2.27	477	459	235	500
TMEM173	1.11	0.74	3.31	5.24	7.42	2.90	43	65	97	47
TMEM25	1.31	0.64	1.00	1.12	1.26	0.48	19	34	36	22
TMEM51-AS1	1.47	1.77	0.42	0.56	0.86	0.25	20	25	33	8
TMEM52	-0.95	-0.64	3.57	2.48	1.84	4.12	206	154	102	196
TMEM52B	1.30	1.32	30.95	29.90	24.73	11.01	47	71	87	32
TNFAIP2	2.99	-0.61	0.27	0.34	0.50	0.05	73	60	36	72
TNFSF10	-0.81	-0.73	0.26	0.25	0.32	0.49	61	55	33	70
TPI1P2	1.04	0.70	0.83	0.77	0.66	0.34	191	220	228	137

TPTE2P1	1.60	0.87	0.44	0.46	0.79	0.20	31	34	40	20
TRMT10B	1.41	1.14	0.65	0.54	0.82	0.25	313	333	356	156
TRMT12	-0.93	-1.18	5.39	3.67	2.15	5.34	303	207	100	327
TRPM5	-1.11	1.99	0.22	0.19	0.10	0.29	8	8	13	2
TSPAN1	-1.28	-0.67	28.41	16.05	31.36	54.31	82	88	127	167
TTC18	0.89	-3.13	1.15	1.89	1.88	1.02	56	37	1	47
TTC25	1.16	0.97	0.48	0.63	0.92	0.34	59	47	48	24
UGT1A6	10.66	3.89	4.17	6.58	5.85	0.00	19	34	18	2
UNC5CL	0.94	-2.21	0.28	0.31	0.48	0.20	12	10	5	32
UPK3B	-0.78	-0.68	2.16	1.04	0.80	1.56	841	665	370	797
VASH2	1.44	0.84	0.50	0.49	0.34	0.15	93	98	55	41
VIL1	-1.03	-1.66	1.39	1.89	1.41	3.35	3	3	4	12
VILL	-1.72	-1.24	5.44	2.29	1.65	6.40	186	104	77	211
WDR88	1.03	1.24	0.10	0.26	0.15	0.10	19	10	13	5
WNT5A	0.90	-0.61	0.14	0.79	0.68	0.39	363	352	230	434
ZFP30	-1.46	-1.50	0.34	0.36	0.17	0.67	131	87	36	159
ZG16B	1.34	0.78	0.43	0.51	0.81	0.25	63	83	78	47
ZNF141	-2.93	-4.08	0.86	0.56	0.07	1.51	228	118	3	327
ZNF214	2.25	0.70	0.30	0.40	0.57	0.10	111	134	134	82
ZNF256	-4.07	-5.17	0.85	0.26	0.02	1.12	208	60	1	249
ZNF311	0.64	0.95	2.36	1.59	1.65	1.04	129	117	131	64
ZNF432	-1.04	-2.03	0.32	0.18	0.16	0.34	102	44	10	83
ZNF442	-2.14	-3.69	0.26	0.07	0.02	0.18	235	80	2	178
ZNF519	1.01	0.91	0.46	0.70	0.66	0.34	163	165	159	87
ZNF876P	1.15	-0.77	0.36	0.32	0.52	0.18	28	21	15	30

MET/DLD1	Δexpression	ΔH3K4me3	Expression	Expression	Expression	Expression	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3	H3K4me3
Δexpression (RPKM) <> 1.5x	log2 RPKM	log2 reads	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(RPKM)	(reads)	(reads)	(reads)	(reads)
ΔH3K4me3 (reads) <> 1.5x	MET-DLD1	MET-DLD1	DLD1	SA	SPH	MET	DLD1	SA	SPH	MET
ABHD1	-1.60	-1.22	0.29	0.17	0.31	0.10	169	97	78	72
AC000068.5	-0.96	-0.63	0.22	0.58	0.42	0.11	63	52	48	41
AC006262.5	1.79	-0.71	2.15	2.45	5.99	7.44	15	20	19	9
AC008592.3	0.69	-0.74	0.27	0.44	0.54	0.43	107	85	85	64
AC011523.2	1.10	-0.67	0.19	1.31	1.11	0.41	53	48	35	33
AC017060.1	0.66	-0.66	2.06	1.63	1.07	3.25	46	46	76	29
AC019117.1	5.22	-2.14	0.07	0.12	0.05	2.48	11	6	13	2
AC021188.4	-2.90	-0.65	0.20	0.00	0.49	0.03	275	259	205	176
AC027119.1	-1.77	-0.98	0.44	0.57	0.61	0.13	59	56	54	30
AC092594.1	1.34	1.24	0.14	0.19	0.20	0.35	19	23	22	45
ACOT4	-1.36	-0.63	1.71	0.66	0.31	0.67	112	69	33	72
ACSL5	-1.48	-0.63	31.35	26.54	24.26	11.22	81	116	100	52
ACTA2	-1.84	-0.98	0.31	0.42	0.49	0.09	89	80	114	45
ACY3	-1.28	-0.79	1.53	0.78	0.60	0.63	200	148	177	116
ADAM19	1.26	2.32	0.05	1.18	1.17	0.13	2	1	1	10
AGPAT4	-2.56	-1.41	0.30	0.16	0.06	0.05	182	101	34	68
AHR	1.51	2.27	16.35	20.30	16.10	46.67	9	17	16	43
AKR1E2	-1.35	-0.88	0.94	0.49	0.45	0.37	146	102	71	79
ALDH1A1	6.74	2.26	0.03	0.00	0.01	2.78	4	7	3	19
ALDH1L1	-5.96	-1.82	0.99	0.06	0.04	0.02	268	152	99	76
ALPK3	-0.78	-0.68	0.69	0.68	0.68	0.40	16	11	6	10
ANGPTL4	-0.96	-0.84	0.84	0.99	2.72	0.43	258	200	189	144
ANKRD1	-1.23	-1.26	5.29	6.89	4.99	2.25	12	9	16	5
ANKRD2	-1.51	-1.26	1.17	0.82	1.29	0.41	6	3	10	2
ANKRD20A5P	-1.01	-0.67	0.20	0.24	0.29	0.10	98	100	82	62
ANKRD22	-0.73	-0.96	8.43	8.39	10.08	5.07	21	22	30	11
ANKRD26P1	-4.67	2.44	0.47	0.04	0.01	0.02	2	2	0	11
AP001058.3	1.10	-1.54	0.20	0.27	0.37	0.43	29	22	12	10
AP4B1-AS1	-0.82	-0.83	1.04	1.27	0.72	0.59	98	85	77	55
APBB1	-1.71	-0.60	0.29	0.29	0.18	0.09	447	213	72	294
APOBEC3G	0.67	1.47	0.54	0.67	0.78	0.86	15	16	22	42
APOC1	-0.92	-0.99	1.10	1.07	0.85	0.58	139	111	171	70
AQP3	-1.53	-0.79	2.83	1.99	3.19	0.98	150	84	85	87
AQP7	0.93	-0.78	0.08	0.17	0.43	0.15	10	6	14	6
ARG2	-0.91	-0.77	6.44	9.75	7.73	3.44	228	170	175	133
ARHGAP28	-1.22	-0.69	1.99	1.45	1.10	0.85	173	128	136	107

ARHGAP40	-1.44	-0.69	2.15	0.35	0.18	0.79	117	53	42	72
ATP11C	-8.75	-6.05	2.32	2.30	2.58	0.01	276	329	240	4
ATP8B3	-2.02	-1.21	0.58	0.49	1.01	0.14	146	90	77	63
AXL	-0.88	-0.69	0.28	1.90	1.50	0.15	163	118	123	101
B3GNT9	-3.29	-5.20	2.21	3.50	5.91	0.23	184	189	140	5
BCAM	-1.43	-0.60	25.19	24.14	34.32	9.35	257	267	269	169
BCL2L15	-0.69	-0.83	1.00	1.50	1.44	0.62	98	85	77	55
BEND7	-2.43	-0.64	0.81	0.40	0.37	0.15	414	307	218	266
C1orf21	-1.82	-0.62	1.50	1.09	1.02	0.42	321	302	239	209
C1R	-2.18	-2.59	0.85	0.60	0.66	0.19	15	13	5	2
C22orf46	-0.63	-1.54	5.36	5.78	5.86	3.47	29	13	13	10
C2CD4C	-0.67	-0.68	0.53	0.41	0.75	0.33	202	149	161	126
C2orf54	0.76	1.41	14.20	14.91	15.29	24.12	107	154	132	284
C6orf15	1.09	1.74	8.95	2.94	3.06	19.07	4	2	4	13
C9orf169	0.84	2.41	2.62	2.81	3.88	4.70	13	34	27	69
CACNA2D4	2.27	-1.85	0.00	0.31	0.26	0.02	96	76	67	27
CADPS	-3.00	-0.72	2.20	3.97	3.42	0.27	785	840	598	477
CAPN9	3.38	0.84	0.12	0.23	0.30	1.27	28	40	44	50
CASC8	-1.66	-0.85	0.27	0.61	0.69	0.09	30	31	31	17
CASP10	-1.28	-1.37	2.51	2.14	2.55	1.04	127	123	202	49
CASS4	-0.65	-0.77	0.36	0.62	0.58	0.23	17	16	11	10
CC2D2A	0.99	0.65	0.63	0.94	0.96	1.25	70	88	92	110
CCDC114	-0.97	-0.63	0.25	0.18	0.34	0.13	182	187	147	117
CCDC162P	-0.76	2.32	0.34	0.28	0.39	0.20	2	1	0	10
CCDC88B	-0.95	-1.09	0.67	0.49	0.95	0.35	32	38	35	15
CD109	-1.48	-1.59	0.01	0.28	0.23	0.00	15	11	11	5
CDC42EP5	-2.11	-0.61	4.09	1.55	0.94	0.95	162	102	77	106
CDH13	-4.32	-0.95	0.39	0.46	0.39	0.02	58	46	74	30
CES3	-2.48	-0.85	0.18	0.44	0.59	0.03	3	5	17	2
CES4A	-1.17	-0.76	1.56	1.19	1.13	0.69	285	241	142	168
CHRNA1	-2.25	-0.61	0.71	1.09	2.61	0.15	14	18	36	9
CITED4	-1.85	-1.17	1.61	0.73	1.00	0.45	144	96	46	64
CLDN3	-0.82	-0.65	15.52	9.45	15.22	8.76	120	108	72	77
CNTD2	1.50	1.24	0.37	0.37	0.22	1.06	25	25	8	59
COL5A2	-0.84	0.65	0.42	0.49	0.48	0.23	9	5	14	14
COL6A1	-1.28	-0.72	0.21	0.17	0.28	0.09	63	34	41	38
CPLX2	-1.01	-2.14	0.03	0.41	0.50	0.02	70	28	53	16
CPNE7	0.67	0.70	1.49	1.01	0.50	2.37	59	27	7	96
CRABP2	-2.41	-1.30	9.59	19.68	20.47	1.81	178	149	152	72

CRTAM	-0.64	-1.49	6.79	8.52	3.10	4.36	35	26	46	12
CSTF3-AS1	-2.12	-0.75	0.13	0.28	0.42	0.03	21	21	21	12
CTB-175P5.4	-1.80	-0.83	0.88	0.17	0.11	0.25	189	121	131	107
CTB-17P3.4	-1.70	-0.99	0.52	0.25	0.00	0.16	106	88	82	53
CTC-326K19.6	0.81	-0.99	4.26	9.08	5.63	7.48	68	40	40	34
CTD-2288O8.1	2.91	1.26	0.06	0.14	0.13	0.47	39	67	36	93
CTD-2357A8.3	0.68	-1.26	0.57	1.15	1.86	0.91	14	8	23	6
CTD-3035D6.2	-1.60	-0.90	0.63	0.37	0.25	0.21	95	47	35	51
CTD-3148I10.9	1.10	-0.85	0.11	0.34	0.20	0.24	108	77	59	60
CTHRC1	2.75	-0.89	0.55	2.57	2.43	3.71	305	258	197	164
CTSH	-1.24	-0.89	7.88	7.36	8.65	3.32	265	283	187	143
CX3CL1	-1.28	-1.10	2.44	2.18	2.36	1.01	146	165	117	68
CYP3A7	-3.48	-0.85	0.06	0.20	0.35	0.01	3	11	18	2
CYTIP	1.66	0.84	0.09	0.20	0.15	0.27	7	7	8	12
DBN1	-2.27	-1.51	0.41	1.82	1.82	0.09	50	26	13	17
DBP	-0.71	-0.63	3.30	4.08	11.81	2.02	36	22	6	23
DHX58	-1.21	-3.26	0.40	0.24	0.21	0.17	16	1	1	2
EDAR	-0.65	-0.95	0.44	2.26	2.43	0.28	71	43	37	37
EEF1A2	-1.50	-0.68	42.61	23.09	43.07	15.01	119	75	34	74
EGR3	0.91	-1.94	0.32	0.80	0.79	0.60	16	14	17	4
EHF	-1.25	-1.72	21.54	20.68	22.82	9.05	77	59	70	23
ELF3	0.79	0.71	13.64	9.63	13.84	23.66	52	84	91	85
ELMO3	0.97	1.13	6.94	5.06	5.11	13.60	112	95	33	245
ERP27	-1.18	-1.14	0.56	0.42	0.67	0.25	35	25	58	16
ESAM	-1.13	-1.07	0.89	0.82	0.91	0.41	35	11	9	17
FAM25C	-0.90	-0.85	0.31	0.00	0.00	0.17	12	9	2	7
FBXL16	2.12	2.17	0.12	0.72	0.62	0.52	25	26	6	112
FGD2	-0.73	1.61	0.57	0.51	1.02	0.34	3	6	11	9
FOLR1	1.87	2.46	1.25	1.94	2.77	4.55	5	8	10	27
FOXN1	2.80	2.02	0.27	0.08	0.58	1.85	7	2	5	28
FSCN1	-1.62	-0.65	39.10	23.93	23.38	12.75	473	358	221	302
FSIP2	0.81	-0.68	0.26	0.34	0.21	0.45	24	19	21	15
FUT3	-1.27	-1.05	3.99	1.42	1.63	1.66	43	21	33	21
GAMT	-3.27	-1.03	2.87	2.22	2.48	0.30	39	44	24	19
GAS6-AS1	-1.19	1.28	0.65	0.35	0.64	0.28	13	21	16	32
GAS7	1.06	1.65	1.47	1.45	1.55	3.06	18	30	37	57
GCNT3	-1.35	0.74	0.41	0.20	0.61	0.16	4	3	13	7
GEM	-0.80	-0.75	4.14	4.53	5.66	2.37	253	264	228	151
GEMIN8P4	-1.12	-0.85	0.82	0.55	0.86	0.38	15	18	15	8

GJB6	-2.00	-0.76	1.28	0.38	0.03	0.32	167	71	44	98
GPR176	-1.41	-0.69	0.49	0.51	0.51	0.18	169	127	67	105
GPSM3	-0.68	-0.63	0.31	0.90	0.66	0.19	84	93	99	54
GPX3	-6.33	-6.44	3.70	3.68	4.47	0.05	145	118	104	2
GRIK5	-1.28	-1.14	0.34	0.23	0.25	0.14	35	35	45	16
H19	5.64	2.49	58.04	9.74	14.67	2892.87	105	66	63	590
HGD	0.96	-0.64	0.27	0.44	0.49	0.52	26	22	25	17
HKDC1	4.22	-1.41	0.02	0.04	0.03	0.40	31	12	23	12
HLA-B	-1.14	-1.13	18.06	12.15	15.06	8.20	175	97	116	80
HMGA2	-0.62	-0.75	2.46	2.32	1.60	1.60	35	31	49	21
HOPX	1.77	1.42	0.11	0.07	0.15	0.38	9	12	17	24
HOXB5	3.52	-0.89	0.22	0.92	0.51	2.50	623	594	598	336
HRASLS5	-3.70	-0.87	0.32	0.16	0.16	0.02	108	96	75	59
HSPA2	-0.92	-0.74	1.06	0.77	0.65	0.56	142	132	125	85
IGF2BP1	-1.07	-0.92	0.02	0.61	0.57	0.01	55	45	45	29
IGFL4	1.24	-0.63	2.37	3.09	2.87	5.58	231	199	160	149
IL11	-1.22	-1.34	0.45	0.89	0.64	0.19	59	28	17	23
IL32	-1.91	1.41	1.43	0.28	0.04	0.38	5	7	9	13
IL33	-2.11	-2.29	7.16	7.68	12.62	1.65	53	43	93	11
IL7	-2.67	-0.73	0.41	0.09	0.11	0.06	298	209	201	179
IPPK	-1.46	-0.95	4.98	4.89	4.81	1.81	456	412	364	236
IQGAP2	-4.52	-0.62	1.91	1.69	1.16	0.08	331	236	170	215
ITGA10	-0.61	-1.07	0.41	0.62	0.40	0.27	49	46	43	23
ITGB2	-0.82	-1.29	0.15	0.30	0.34	0.08	96	67	56	39
JAG2	0.85	0.61	16.01	14.12	15.32	28.87	303	357	242	462
KCNN4	3.66	3.32	0.10	0.32	0.38	1.21	3	3	2	30
KIF7	2.13	1.18	0.25	0.32	0.32	1.10	38	15	3	86
KISS1R	-1.28	-0.76	0.38	0.45	0.67	0.15	258	174	136	152
KLHDC8B	-3.22	-1.47	1.38	0.56	0.47	0.15	164	117	84	59
KLHL4	4.41	0.80	2.27	4.44	1.14	48.40	35	48	75	61
KLK11	4.69	3.74	0.05	0.17	0.36	1.39	3	2	5	40
KLRC4-KLRK1	-1.93	-1.33	0.32	0.48	0.83	0.08	42	36	43	17
KRT20	-5.46	-5.15	21.92	4.06	3.18	0.50	59	8	8	2
LARP6	2.00	0.74	0.11	0.29	0.21	0.42	47	8	2	78
LCN2	-2.38	-1.11	8.62	7.39	5.12	1.66	18	19	7	8
LDHD	1.71	1.08	0.17	0.07	0.18	0.57	11	6	9	23
LDLRAD1	1.15	0.89	0.28	0.71	2.05	0.62	9	15	27	17
LHX5	1.02	0.66	0.17	0.12	0.02	0.34	74	36	1	117
LINC00173	-1.08	-1.94	0.37	0.60	0.85	0.17	163	93	89	42

LINC00337	-1.55	-1.14	0.76	0.81	0.58	0.26	33	27	32	15
LINC00482	0.95	0.74	0.29	0.35	0.69	0.55	18	9	10	30
LINC00941	-1.21	-0.77	1.48	1.42	1.42	0.64	196	158	112	115
LMO2	-0.63	-1.36	0.06	0.93	0.77	0.04	15	9	19	6
LOXL2	-1.98	-1.26	0.06	0.41	0.37	0.01	10	5	11	4
LPAR5	1.69	2.32	0.40	0.46	0.47	1.30	11	8	16	55
LPHN1	-1.31	-1.14	3.86	3.09	3.49	1.55	291	257	230	132
LRG1	-2.02	-0.97	3.65	1.54	2.11	0.90	109	80	48	56
LRRC10B	3.21	0.64	0.04	0.07	0.12	0.39	52	51	25	81
LRRN4	-1.03	-1.01	1.39	1.61	1.29	0.68	87	74	78	43
LUCAT1	-0.78	-0.85	0.22	0.55	0.67	0.13	12	9	13	7
LY6G6D	2.20	3.91	1.66	0.84	0.62	7.66	2	4	2	30
MAFB	1.08	1.01	0.14	0.16	0.07	0.30	34	28	12	68
MAGED1	-1.73	-0.91	9.94	3.79	2.11	2.99	113	42	29	60
MAP1B	0.97	-0.68	0.12	0.81	0.72	0.23	44	33	44	27
MAP1LC3A	1.26	1.41	1.96	2.24	2.71	4.70	52	81	89	138
MAP6D1	1.12	0.65	1.39	1.42	1.03	3.02	307	251	122	482
MB21D1	-4.22	-4.51	0.27	0.06	0.02	0.01	38	9	0	2
MDK	-1.79	-0.80	4.26	2.30	1.32	1.23	310	145	82	177
MEGT1	3.14	1.20	0.85	0.97	1.06	7.51	36	39	40	82
MGAT3	2.89	2.91	0.03	0.00	0.01	0.25	4	7	1	30
MMP14	-1.62	-1.35	1.88	1.74	1.64	0.61	127	48	25	50
MRPL23-AS1	1.14	1.64	0.21	0.10	0.04	0.46	19	2	4	59
MTMR11	-0.72	-0.63	0.43	0.53	0.72	0.26	54	52	66	35
MUC5AC	1.41	1.32	11.90	10.51	6.34	31.61	87	135	53	217
MX2	1.16	1.43	0.33	0.24	0.47	0.74	17	18	34	46
MYD88	-1.02	-1.16	15.13	15.00	14.58	7.44	354	336	278	158
MYH15	-1.80	-2.66	0.58	0.76	0.61	0.17	21	9	11	3
MYH7B	1.12	0.74	0.39	1.34	1.78	0.85	15	26	24	25
MYO7A	-0.64	-0.81	0.71	0.66	0.67	0.46	181	140	124	103
MYT1	6.26	3.98	0.01	0.02	0.04	0.97	1	2	0	16
N4BP3	-1.86	-0.73	0.49	0.22	0.30	0.13	210	151	113	127
NAT16	-0.96	-1.01	0.23	0.49	0.66	0.12	72	51	47	36
NPM2	1.57	1.93	0.48	0.56	0.72	1.42	16	25	17	61
NRIP1	1.56	0.70	0.63	1.04	0.75	1.84	268	368	306	436
NRIP3	-1.22	-0.61	0.09	0.35	0.22	0.04	75	27	2	49
NRN1	0.95	-0.96	0.05	0.47	0.55	0.10	91	59	70	47
NUDT7	-0.92	-0.91	2.99	2.68	4.02	1.58	301	248	228	160
OLR1	-1.89	-1.13	67.15	52.22	41.07	18.10	73	86	117	33

OVGP1	0.78	1.06	0.98	1.29	0.98	1.69	16	10	4	33
OXGR1	2.14	0.67	0.13	0.36	0.25	0.58	57	89	67	91
PALLD	-1.20	-0.63	0.96	0.47	0.16	0.42	682	593	439	440
PAOX	1.31	1.05	0.30	0.35	0.09	0.76	50	33	10	103
PBDC1	-4.53	-3.34	8.45	7.41	9.11	0.36	118	96	121	12
PCSK5	1.25	0.63	0.15	0.47	0.62	0.35	394	607	538	608
PDE2A	-2.07	-0.69	0.30	0.07	0.08	0.07	225	156	120	139
PDZK1IP1	-3.48	-3.17	2.01	1.30	1.76	0.18	15	15	11	2
PHACTR3	-1.15	-0.65	0.44	0.28	0.25	0.20	106	93	96	67
PHLDB2	-1.43	-0.66	5.26	4.52	3.22	1.96	95	114	96	60
PLA2G16	-1.62	-0.65	12.80	6.90	8.74	4.18	258	207	245	164
PLA2G4A	-4.69	-2.76	0.72	0.99	1.77	0.03	62	70	137	9
PLEKHF1	-1.07	-0.61	0.67	0.38	0.35	0.32	260	163	101	170
PLXNB3	2.00	2.14	1.24	1.33	2.02	4.98	32	72	57	141
PPP1R14D	-1.48	-1.37	2.83	1.31	3.91	1.01	58	44	64	22
PREX1	-1.83	-0.97	0.32	0.34	0.36	0.09	31	31	33	16
PRMT6	-0.62	-1.01	8.44	7.35	6.89	5.51	535	468	335	265
PROM1	-4.33	-1.08	0.43	0.10	0.02	0.02	146	95	68	69
PROM2	1.54	2.34	2.16	1.94	2.68	6.29	13	8	13	66
PROX1	1.85	0.81	0.14	0.30	0.42	0.52	45	46	109	79
PRSS35	-1.61	-0.71	0.16	0.21	0.33	0.05	242	164	218	147
PRTN3	-1.33	-0.91	0.44	0.49	0.89	0.17	199	135	118	106
PSD	0.66	-0.62	0.10	0.28	0.46	0.16	216	173	190	141
PTAFR	2.55	4.49	0.11	0.17	0.14	0.65	1	0	0	22
PTPRH	-2.12	-0.85	0.60	0.22	0.42	0.14	9	6	12	5
PTPRR	-2.16	-0.65	0.75	0.17	0.15	0.17	107	90	94	68
PTPRS	-1.34	-0.84	0.45	0.37	0.53	0.18	329	183	218	184
PVRL3	1.06	1.25	0.28	0.82	0.96	0.59	113	176	167	269
PYGL	0.88	-1.32	4.40	3.33	2.46	8.13	100	83	101	40
QPRT	-1.79	-1.88	11.95	4.49	5.69	3.46	89	37	33	24
RAB36	0.74	0.66	0.64	0.98	0.83	1.06	124	149	98	196
RAET1E	-0.96	1.61	0.69	0.53	0.79	0.35	3	13	13	9
RASGRF1	-2.53	-1.75	0.36	0.91	0.91	0.06	14	8	10	4
RASGRF2	-2.79	-0.81	2.18	1.76	0.57	0.32	646	547	266	368
REG4	-5.92	-2.26	0.69	0.45	1.58	0.01	12	6	7	2
RINL	1.82	1.98	0.16	0.25	0.09	0.58	4	11	2	16
RP1-102K2.8	0.73	-0.91	0.28	0.23	0.16	0.47	166	197	180	88
RP11-1000B6.3	-1.56	-0.86	0.39	0.27	0.48	0.13	47	32	25	26
RP11-104H15.9	-3.70	-1.33	0.79	0.25	0.35	0.06	23	23	19	9

RP11-1084J3.4	0.75	-0.61	3.97	5.53	4.50	6.67	85	71	104	56
RP11-135A1.2	-1.07	-1.32	0.39	0.29	0.40	0.19	48	61	43	19
RP11-14P20.1	-2.22	-0.98	0.19	0.37	0.34	0.04	28	13	16	14
RP11-167H9.6	-1.08	-0.78	0.76	0.57	0.84	0.36	50	34	25	29
RP11-203B9.4	0.74	0.85	0.15	0.08	0.17	0.26	41	29	40	74
RP11-218M11.3	1.10	0.91	0.07	0.07	0.74	0.14	12	23	16	22
RP11-277P12.20	-2.63	-0.65	1.61	1.09	1.47	0.26	414	462	509	263
RP11-284F21.7	-0.63	-1.59	5.85	5.05	7.35	3.78	5	3	11	2
RP11-303E16.8	-2.53	-0.60	0.74	0.96	1.25	0.13	264	228	223	174
RP11-38L15.3	-0.79	-1.80	0.77	0.66	1.57	0.44	87	40	63	25
RP11-434D12.1	-1.63	-1.36	0.20	0.27	0.21	0.07	15	15	16	6
RP11-446N19.1	-0.70	-1.49	0.29	0.32	0.34	0.18	14	11	17	5
RP11-455F5.3	-0.74	-0.79	0.30	0.29	0.20	0.18	13	14	12	7
RP11-514O12.4	1.60	0.91	2.72	3.80	4.80	8.27	12	15	20	22
RP11-516C1.1	1.00	-0.75	0.21	0.26	0.12	0.41	182	158	181	108
RP11-53O19.1	1.18	1.47	0.08	0.13	0.30	0.17	3	4	11	8
RP11-568K15.1	0.69	-1.07	0.29	0.35	0.44	0.46	89	52	54	42
RP11-620J15.3	-1.84	-0.86	0.38	0.89	1.10	0.11	132	142	167	72
RP13-131K19.2	-1.19	-0.61	1.92	1.60	1.36	0.84	98	109	78	64
RP4-553F4.6	-0.69	0.82	0.50	0.32	0.24	0.31	8	6	13	14
RP4-639F20.1	-0.71	-0.61	1.32	1.71	2.06	0.81	178	164	142	117
RP4-784A16.5	-1.77	-0.68	0.36	0.25	0.33	0.11	32	28	21	20
RP5-884M6.1	-0.84	-0.91	0.37	0.37	0.32	0.21	36	38	56	19
RP5-908M14.5	0.76	-0.90	0.27	0.17	0.32	0.46	14	9	17	7
RTN4RL2	-1.32	-0.92	1.34	0.73	1.04	0.53	251	145	114	132
S100A4	5.15	3.04	8.56	28.49	52.40	304.62	24	43	31	197
S100P	1.97	1.79	33.12	6.78	9.00	129.41	67	56	52	232
S1PR5	-2.73	-1.29	0.36	0.28	0.34	0.05	141	87	50	57
SAP30L-AS1	1.46	-0.79	0.08	0.23	0.29	0.23	52	52	29	30
SBSPON	-1.14	-1.00	5.91	6.83	2.77	2.69	177	178	90	88
SDR42E1	2.24	1.89	0.34	0.01	0.00	1.59	25	3	1	92
SEMA4A	2.14	1.64	0.14	0.41	0.59	0.62	4	8	7	12
SERPINB5	1.27	0.81	3.56	3.60	8.27	8.59	37	55	82	65
SEZ6L2	-1.83	-0.98	6.69	5.88	10.31	1.88	105	89	155	53
SIPA1L2	1.25	-1.70	1.41	2.63	2.19	3.35	19	7	15	6
SLC2A3	-2.56	-2.12	7.72	8.69	6.73	1.31	127	78	47	29
SLC38A8	-0.96	-1.17	0.23	0.29	0.49	0.12	30	14	19	13
SLC5A1	-1.27	-0.68	0.15	0.37	1.23	0.06	12	29	38	7
SLC9A5	-1.18	-0.86	1.16	1.60	2.09	0.51	280	263	248	154

SPATC1L	-1.32	-1.52	3.67	3.07	3.73	1.47	286	242	270	100
SYCE2	-1.86	-1.59	0.45	0.31	0.32	0.12	35	28	32	12
SYT15	-0.82	-1.80	0.14	0.11	0.31	0.08	87	40	63	25
SYTL2	-1.44	-0.61	6.78	7.97	6.16	2.50	370	361	251	243
TANC2	1.78	-1.85	0.21	0.26	0.39	0.73	6	8	16	2
TFPI	-0.77	-0.77	0.07	0.09	0.28	0.04	44	40	59	26
TGM2	-0.91	-0.71	0.29	3.39	3.16	0.15	41	26	21	25
TLDC2	1.40	1.45	0.45	0.55	0.76	1.19	36	47	30	98
TMEM51-AS1	-0.75	-1.26	0.42	0.56	0.86	0.25	20	25	33	8
TNFRSF11A	-2.28	-0.71	0.24	0.27	0.29	0.05	352	297	219	215
TNNT1	-2.40	-1.19	4.75	1.65	1.61	0.90	144	55	37	63
TPTE2P1	-1.17	-0.63	0.44	0.46	0.79	0.20	31	34	40	20
TRIM31	-1.41	-0.70	1.65	1.09	1.54	0.62	170	131	88	105
TRIM6	-1.43	-0.65	2.40	0.69	1.43	0.89	218	173	223	139
TRMT10B	-1.39	-1.01	0.65	0.54	0.82	0.25	313	333	356	156
TSPAN1	0.93	1.03	28.41	16.05	31.36	54.31	82	88	127	167
TUBB2B	-0.99	-0.84	0.52	3.34	4.15	0.26	177	146	129	99
TXK	-0.90	-1.19	0.27	0.20	0.14	0.14	40	18	13	17
UCP2	-0.72	-0.65	1.75	0.79	0.54	1.06	139	112	65	88
UGT1A6	-10.08	-3.51	4.17	6.58	5.85	0.00	19	34	18	2
VASH2	-1.74	-1.19	0.50	0.49	0.34	0.15	93	98	55	41
VIL1	1.26	1.96	1.39	1.89	1.41	3.35	3	3	4	12
WDR72	0.67	-0.71	0.21	0.32	0.37	0.33	53	33	35	32
XXbac-BPG32J3.20	0.93	0.63	2.74	4.07	3.49	5.23	34	34	38	52
ZDHH8P1	-0.97	-0.64	0.73	0.60	0.85	0.37	88	68	62	57
ZNF311	-1.18	-1.01	2.36	1.59	1.65	1.04	129	117	131	64
ZNF517	-0.62	-0.71	0.68	0.64	0.93	0.45	430	396	300	263
ZNF738	1.19	1.02	0.44	0.62	0.66	1.00	44	70	58	89