

Symbol (Homo sapiens)	Symbol (Mus musculus)	Hypoxia						Nutrient Starvation						Double-Deprivation Stress					
		HeLa	HepG2	T98G	A431	Mus		HeLa	HepG2	T98G	A431	Mus		HeLa	HepG2	T98G	A431	Mus	
ANGPTL4	Angptl4	6.90	9.04	7.79	3.65	1.38	0.71	2.17	9.09	1.23	0.42	10.05	8.77	33.33	22.16	7.51			
ANKRD37	Ankrd37	2.83	2.22	0.77	2.19	1.51	2.50	1.64	1.38	1.44	1.46	10.07	6.50	1.95	17.36	88.62			
BHLHE40	Bhlhb2	1.14	2.27	0.83	1.37	0.15	0.74	1.81	1.14	1.16	0.59	6.75	6.55	2.22	3.23	8.09			
BNIP3L	Bnip3l	5.29	8.27	2.42	4.11	0.00	0.74	3.72	1.78	2.07	2.17	5.67	13.08	3.90	8.08	9.80			
BTG1	Btg1	1.25	1.68	1.48	1.72	0.41	2.15	5.52	2.41	2.66	4.16	2.99	7.34	5.96	4.35	10.31			
C12orf68	A1836003	0.00	0.00	0.34	5.10	0.82	0.72	0.00	0.00	1.64	2.34	2.95	8.57	5.20	0.00	7.31			
C5orf41	A930001N09Rik	1.32	0.85	1.28	1.43	0.59	9.89	11.63	3.47	5.18	17.35	15.84	13.65	3.44	18.23	13.54			
CA9	Car9	189.27	378.40	18.78	35.82	0.64	0.15	0.95	0.36	0.60	0.68	79.96	42.68	32.11	33.90	94.67			
CD86	Cd86	1.18	0.51	1.72	0.94	1.50	1.96	4.23	5.81	1.70	0.00	5.04	5.12	3.75	8.21	17.10			
CITED2	Cited2	1.47	3.63	1.37	1.33	1.04	4.64	1.53	1.18	1.83	2.21	5.81	5.49	1.75	2.77	6.73			
CLN3	Cln3	1.23	0.42	0.87	0.99	2.32	12.08	1.52	2.45	2.20	14.03	6.86	1.60	2.26	5.14	11.50			
DDIT3	Ddit3	1.20	0.61	0.53	1.36	2.45	31.19	1.43	6.55	5.47	15.18	57.40	2.80	9.45	9.53	21.23			
EDA2R	Eda2r	0.00	1.12	3.09	0.00	4.36	5.64	3.43	3.94	0.00	1.56	4.98	4.12	19.61	5.41	17.97			
FOSL2	Fosl2	1.06	1.47	1.45	1.91	2.81	2.70	4.31	0.97	2.04	1.40	3.43	7.16	1.89	7.90	9.46			
GAB2	Gab2	1.10	0.68	1.04	1.56	2.17	0.72	1.82	1.90	2.51	1.88	5.55	1.82	3.13	7.61	8.54			
HK2	Hk2	5.60	2.53	1.91	1.89	1.42	3.75	1.71	1.47	1.43	2.11	15.22	4.18	3.71	10.58	5.80			
IL1RAP	Il1rap	1.52	0.92	1.11	1.29	1.43	7.03	1.60	2.00	1.57	0.49	18.67	2.72	5.48	3.69	5.81			
JHDM1D	A630082K20Rik	0.73	1.58	1.96	1.87	0.76	2.47	5.62	5.50	2.53	4.95	2.08	7.19	6.35	7.72	5.98			
KDM3A	Jmjd1a	2.03	2.49	1.35	2.27	1.98	2.07	2.38	1.33	2.13	2.28	8.36	6.33	3.28	11.75	8.22			
KLF4	Klf4	0.95	0.22	0.97	1.54	1.02	3.83	1.44	7.02	3.31	1.40	2.89	2.70	10.29	11.13	6.42			
LPP	Lpp	1.05	0.74	1.24	1.00	0.60	8.47	3.39	2.25	1.45	1.71	7.49	5.54	3.09	8.23	7.06			
MAFF	Maff	1.60	1.14	2.10	1.22	0.70	51.56	4.62	4.79	3.09	1.69	31.17	5.49	14.89	3.51	7.08			
NR1D1	Nr1d1	1.01	0.52	0.92	0.86	0.90	19.58	2.09	1.73	1.79	4.00	7.49	2.07	3.16	6.15	6.36			
NR1D2	Nr1d2	0.93	2.17	0.76	0.82	1.10	12.21	3.89	1.52	2.12	5.55	11.50	7.69	2.54	5.31	6.71			
NRN1L	Nrn1l	0.66	1.05	3.00	2.66	1.22	0.24	2.28	3.93	4.57	4.47	0.88	2.31	6.33	6.10	8.28			
NUPR1	Nupr1	2.20	0.43	1.46	2.61	1.07	7.61	1.39	4.75	6.18	5.81	5.64	1.41	6.81	7.67	6.23			
PDK1	Pdk1	6.84	7.50	2.85	2.80	0.74	2.88	0.92	1.40	1.34	0.91	13.89	6.35	6.18	6.51	8.04			
PNRC1	Pnrc1	1.53	1.68	1.56	1.77	0.83	1.37	5.33	2.86	2.53	2.92	1.48	6.78	3.21	5.94	11.30			
PPP1R15A	Myd116	1.01	1.09	1.37	1.25	1.56	10.07	7.19	2.73	3.79	8.88	16.47	12.81	6.82	6.75	18.66			
RORA	Rora	8.19	3.17	7.63	21.22	8.55	7.15	5.20	4.70	5.10	6.12	59.51	18.86	41.85	406.64	21.32			
SERTAD4	Sertad4	0.00	0.00	1.28	1.33	0.00	222.70	0.00	2.57	2.97	3.19	50.53	0.00	2.19	5.69	9.05			
SLC23A3	Slc23a3	0.38	7.90	1.70	6.19	0.00	3.61	32.49	1.79	172.76	2.14	4.38	30.59	14.47	18.59	5.84			
STRC	Strc	1.47	0.00	0.20	5.49	0.00	1.87	0.00	4.73	12.87	0.64	1.26	3.00	5.77	6.52	5.12			
TCP1L2	Tcp1l2	2.03	1.04	0.80	1.31	0.74	2.86	9.60	1.17	1.99	5.58	5.83	5.23	3.29	7.99	7.03			
VEGFA	Vegfa	1.59	1.63	1.31	1.85	1.51	4.76	1.77	1.73	4.30	2.25	6.54	3.26	5.00	6.63	11.74			