

GeneSymbol	Hypoxia				Nutrient Starvation				Double-Deprivation Stress			
	HeLa	HepG2	A431	T98G	HeLa	HepG2	A431	T98G	HeLa	HepG2	A431	T98G
DPPA3	-0.16	0.27	-0.14	-0.21	0.08	0.07	-0.31	-0.02	8.50	3.78	7.89	3.75
MLN	0.56	-1.44	-0.14	-0.21	-1.08	-0.10	-0.31	0.92	7.06	1.90	3.83	2.03
AK090762	3.11	0.27	-0.14	-2.41	3.64	0.07	-0.31	0.89	6.21	3.38	4.13	2.32
LRRC2	3.20	0.27	-2.54	-1.12	6.72	2.99	0.65	4.92	6.19	3.25	3.06	5.33
LOC283129	-0.16	5.27	-0.14	-1.10	5.08	0.94	3.78	3.57	5.89	3.55	3.80	3.80
TPCN2	2.96	0.00	0.91	0.37	3.06	1.40	2.82	2.18	5.58	3.01	3.35	3.33
RORA	3.08	3.05	4.40	1.67	2.38	2.85	2.34	2.39	5.54	5.91	8.66	4.25
THC2650074	1.46	1.20	0.25	-0.21	4.33	-1.81	2.44	3.29	5.52	4.38	2.46	4.23
ANGPTL4	2.98	2.79	1.88	3.19	3.20	-0.48	0.31	1.13	5.08	3.34	4.48	3.15
CA9	4.24	7.58	5.16	8.64	-1.47	-2.69	-0.74	0.00	5.01	6.33	5.08	5.50
GABRA4	-0.16	0.27	-0.14	-0.21	0.08	6.66	-0.31	-0.02	4.97	3.14	4.20	2.95
BE839843	-0.16	1.21	2.58	-0.84	4.29	5.21	2.82	2.84	4.94	5.44	4.64	3.22
C1orf101	-0.16	0.27	-0.14	-0.21	5.03	4.52	1.58	1.34	4.76	4.63	4.36	3.50
THC2523411	2.74	3.14	0.68	-0.45	0.08	0.07	3.85	1.57	4.74	1.67	2.94	1.81
A_32_P144452	3.54	1.64	3.98	0.98	5.02	2.70	2.34	1.64	4.66	2.75	4.72	5.95
EDA2R	1.93	-2.61	-2.71	0.29	2.28	2.71	-2.88	1.90	4.60	2.53	2.66	2.16
A_23_P10091	-0.16	0.23	1.25	-2.47	0.08	-0.42	-0.31	1.85	4.58	1.99	1.96	6.24
LOC283666	1.61	2.75	4.27	1.91	1.60	3.00	4.03	2.93	4.55	5.93	8.55	4.48
OTUD1	0.82	0.22	0.37	0.53	2.90	0.39	1.08	3.22	4.54	2.14	2.30	3.85
THC2527953	-0.16	2.66	3.19	-1.06	4.23	2.28	2.77	-0.87	4.51	2.90	4.17	2.47
A_24_P315774	2.03	0.61	1.73	3.24	2.64	3.20	2.01	3.49	4.38	3.63	2.74	4.65
KIAA1244	-0.16	4.26	1.48	1.18	0.08	1.83	1.28	1.15	4.36	5.35	1.87	2.42
AK022645	1.85	-0.85	-0.14	-0.21	3.01	1.70	-0.31	4.01	4.26	1.81	1.62	4.98
P11	1.57	-0.37	3.09	-0.21	3.36	0.39	2.01	-0.02	4.25	2.14	3.77	1.98
SDR-O	0.96	0.27	-2.18	-0.21	3.66	4.45	2.14	-0.02	4.20	4.01	4.87	2.86
FLJ32784	-0.16	0.27	6.98	-0.21	0.08	2.89	-0.31	3.16	4.19	3.77	5.01	4.50
SLC23A3	1.07	0.27	2.62	2.98	1.15	2.11	7.42	5.02	4.16	2.39	4.21	4.93
AF355802	-0.16	-0.07	-0.14	-0.21	0.08	-0.27	-0.31	1.77	4.11	3.68	4.22	5.06
A_32_P162322	-0.16	-1.77	-0.14	-0.21	1.15	1.51	-0.31	3.76	4.10	3.04	4.18	4.95
SPATA19	3.38	3.73	1.01	3.59	0.08	2.14	-0.31	3.14	4.02	5.85	2.28	3.18
USP36	0.41	0.62	0.42	-0.40	2.84	3.99	2.89	1.75	3.95	5.05	4.31	2.22
AK027082	3.30	0.95	2.46	0.20	2.68	0.09	2.56	1.04	3.95	3.99	2.20	6.60
MLLT4	1.70	0.50	0.33	0.29	1.29	2.12	0.85	1.03	3.94	1.97	2.12	1.59
MAFF	1.08	0.68	0.29	0.20	2.27	5.70	1.63	2.21	3.90	4.97	1.81	2.46
ENST00000320746	1.25	-1.20	2.50	-0.21	2.36	1.22	1.49	-0.02	3.90	2.09	4.55	3.40
PPL	1.36	1.07	0.84	0.93	2.58	-0.27	1.27	2.22	3.89	1.74	1.78	2.01
ATF3	-0.66	0.83	1.09	0.05	2.54	5.17	2.94	2.78	3.83	5.12	3.73	3.29
ENST00000356197	1.96	0.49	1.69	-0.17	2.76	2.35	1.34	1.05	3.78	2.17	2.49	1.64
C22orf23	1.57	-1.95	1.27	-0.21	2.91	2.41	2.50	3.65	3.76	2.89	3.04	2.97
AF086261	0.96	3.10	4.02	1.30	-3.51	0.57	4.46	1.85	3.75	7.11	6.93	2.01
AL833372	1.59	-2.05	-0.14	-0.73	3.06	1.84	1.49	4.12	3.73	2.67	3.03	4.78
IL1RAP	0.88	0.90	-0.03	0.25	1.98	3.30	1.01	0.93	3.73	4.68	1.75	2.02
THC2667891	1.13	1.70	3.97	-1.19	2.97	-0.14	4.56	1.38	3.69	3.24	6.79	2.26
NDRG1	2.02	3.22	4.16	4.24	0.45	1.09	1.56	2.70	3.67	5.09	4.43	5.31
EGR2	1.79	2.09	-0.31	-1.40	3.25	3.81	1.69	3.59	3.66	4.78	1.74	2.96
LPL	-0.16	0.80	3.26	-0.21	0.08	2.44	3.83	3.06	3.65	2.41	6.91	4.56
KCNE2	1.47	0.27	1.45	2.16	2.20	7.87	4.05	4.63	3.64	7.53	2.16	6.37
PPFIA4	2.81	6.03	3.64	6.48	-0.16	-1.23	0.28	2.06	3.64	6.12	4.28	5.30
PLGLB2	-0.16	0.27	-0.14	0.11	4.21	5.02	-0.31	-0.02	3.57	3.15	2.11	1.96
THC2696722	2.68	0.27	-0.14	1.59	1.68	0.07	-0.31	3.30	3.50	4.00	3.56	2.18
ATAD3B	0.48	0.10	0.85	0.39	1.81	1.65	1.91	2.90	3.45	2.04	2.62	3.01
PLGLB1	1.97	0.11	-0.14	-0.68	3.40	2.77	4.76	4.85	3.44	3.21	4.94	5.23
NYD-SP18	3.79	0.18	0.41	-0.21	3.71	2.89	2.30	-0.02	3.44	2.39	3.68	2.09
TMPRSS11F	-0.43	0.27	4.04	-0.02	3.89	2.62	4.02	0.53	3.44	2.48	3.95	-3.12
VEGFA	0.30	0.59	0.37	0.98	0.36	2.28	1.81	1.49	3.44	3.13	2.80	2.65
AY358241	0.13	0.60	3.00	0.31	2.57	-0.11	4.83	5.64	3.42	1.69	6.29	5.82
AK022892	0.51	0.96	0.92	-0.18	2.97	1.67	2.41	2.38	3.41	1.86	3.21	2.36
WDR78	1.33	-0.19	0.69	2.29	3.24	1.90	2.08	3.62	3.38	2.13	3.08	4.08
KCNQ4	1.84	0.27	0.13	1.98	1.90	7.75	3.25	2.94	3.28	3.02	2.84	2.14
PIWIL2	-0.16	1.48	3.47	-0.20	0.08	1.12	-0.31	1.93	3.28	3.08	6.24	2.44
FGF17	1.53	0.83	0.81	-2.16	3.03	1.71	0.10	2.93	3.28	2.07	2.55	3.07
ATF3	-0.66	0.72	0.55	-0.19	2.38	4.42	2.17	2.24	3.26	4.31	3.48	2.61
KLF6	1.03	0.27	2.51	0.16	2.32	3.03	1.47	2.27	3.23	2.60	4.09	2.80
A_24_P846810	1.57	-0.13	1.24	0.21	2.05	1.23	2.34	1.25	3.22	2.06	1.74	1.70
L3MBTL2	0.77	0.58	0.85	0.57	2.59	2.03	2.14	1.62	3.20	3.37	2.16	2.16
MAFK	0.42	1.94	-0.16	0.33	1.08	3.21	1.05	2.17	3.16	3.60	2.01	2.55
FLJ32679	1.12	1.75	2.16	0.57	1.50	3.20	2.12	1.23	3.10	5.12	3.18	2.64
CD55	0.94	0.42	1.43	0.28	1.57	1.58	3.81	2.62	3.09	3.37	5.80	3.49
PIWIL2	2.09	1.03	4.32	1.16	1.87	0.62	-0.31	2.27	3.08	2.16	3.23	3.22
AK074181	1.10	0.65	1.56	0.99	2.25	0.99	0.59	2.39	3.07	2.15	3.60	4.13
NEDD9	2.03	-1.10	1.68	1.34	2.32	4.28	2.65	1.53	3.04	3.74	2.78	1.84

AV702101	1.92	0.79	-0.84	0.27	2.44	1.38	0.09	2.94	3.03	2.78	1.74	3.87
AEBP1	1.97	2.61	-0.14	0.52	0.13	0.07	3.52	1.76	3.03	3.11	5.24	2.85
AK123483	1.57	3.54	2.62	5.47	1.08	-7.36	0.73	2.19	2.96	4.06	3.16	4.74
CA420688	1.78	2.11	0.31	-2.59	3.47	2.90	1.09	1.77	2.93	2.76	2.11	1.65
BM552308	1.83	3.50	3.67	6.12	1.09	-3.30	-1.77	1.17	2.91	2.01	3.70	5.10
STC2	0.76	2.99	1.28	0.33	1.80	6.25	3.28	1.42	2.91	6.89	4.11	2.24
TBC1D3	0.73	0.66	1.61	1.59	1.05	2.25	1.88	3.67	2.90	3.21	3.30	4.71
FOS	0.86	0.30	0.07	0.14	2.47	1.80	0.33	3.17	2.90	2.75	2.69	3.52
NDRG1	1.76	2.71	2.75	4.05	1.05	0.61	0.58	2.56	2.90	3.81	3.23	4.89
PDK1	1.49	2.91	1.90	3.03	-0.38	2.38	0.00	-0.10	2.85	4.59	2.65	3.61
EIF2C4	1.02	2.37	2.58	0.84	2.10	2.89	4.81	3.45	2.83	2.73	2.44	4.12
EFNA3	2.10	2.56	3.65	3.50	-1.89	-0.06	3.22	2.35	2.82	3.74	4.86	6.78
GTF2IRD2	1.10	0.92	2.10	1.82	1.52	1.26	3.91	4.38	2.82	1.71	4.73	5.19
BRUNOL6	1.18	-0.27	1.93	-0.55	3.25	1.12	3.65	2.38	2.81	1.65	4.11	2.00
FAM80A	1.31	3.14	1.23	3.16	1.05	-2.17	0.74	0.60	2.79	3.13	2.74	2.74
PPP1R15A	0.45	0.01	0.32	0.13	1.45	3.34	1.92	2.85	2.77	4.05	2.75	3.69
A_32_P114268	0.68	0.09	1.07	0.43	1.78	2.48	2.14	1.95	2.77	2.42	2.49	2.46
LARP2	0.41	0.29	0.11	0.19	2.00	2.35	1.55	1.12	2.76	2.03	2.98	1.86
DUSP5	-0.20	-0.32	0.76	-1.49	2.30	3.39	2.30	1.95	2.75	6.47	2.89	2.13
PLGLB1	1.00	-1.30	-0.14	-0.21	2.55	2.33	4.83	5.75	2.74	2.68	5.34	6.33
PFKFB4	1.68	3.51	2.14	4.20	-0.76	2.66	-1.04	-0.83	2.73	3.88	2.88	4.00
THC2749290	0.83	-0.34	0.80	2.11	1.48	0.94	2.83	1.85	2.72	1.75	3.03	1.69
IL27	0.49	0.92	1.00	1.35	2.19	1.78	2.45	2.71	2.71	2.30	2.89	2.89
CD3G	-0.14	0.94	3.91	1.10	0.95	3.65	1.19	1.50	2.71	2.20	2.77	2.81
THC2635199	1.68	2.47	2.90	0.93	1.59	-1.65	2.30	1.84	2.69	1.90	5.26	1.90
BC051742	0.89	2.27	1.38	3.40	1.45	0.45	1.38	3.36	2.68	3.15	2.28	4.99
GOLGA	1.05	1.72	-0.33	0.59	1.10	2.99	0.96	1.25	2.66	4.84	2.23	2.38
SPAG4	2.02	3.93	2.75	3.93	-0.55	0.56	-0.69	-0.35	2.65	3.37	2.44	1.92
CF143262	0.22	0.28	-0.28	-1.12	2.09	2.36	2.21	4.00	2.65	3.07	2.28	4.44
PPP1R13L	0.88	0.55	0.89	1.76	0.58	0.52	0.67	0.98	2.64	1.93	2.68	2.65
PDK1	1.51	2.78	1.49	2.91	0.49	1.53	0.43	-0.12	2.63	3.80	2.70	2.67
CIRBP	0.12	0.57	0.28	0.67	1.45	4.13	3.07	2.31	2.62	3.40	2.97	2.67
EGLN1	1.01	1.44	0.58	0.81	0.43	1.11	0.28	1.30	2.61	2.72	1.89	2.11
AK090405	1.50	1.32	1.97	1.81	1.27	1.60	1.09	1.69	2.61	2.36	4.68	3.69
ATG9B	1.95	-2.50	-5.10	1.87	2.21	2.22	-5.74	1.33	2.60	-5.10	-5.90	4.48
FLCN	-0.33	0.03	-0.29	-0.70	1.03	2.05	0.18	1.22	2.60	2.63	2.03	1.66
ENST00000355788	1.50	0.07	1.29	1.97	1.11	0.68	0.09	2.44	2.58	2.64	3.71	3.69
ITSN1	1.61	-1.15	0.47	-0.21	3.18	0.90	9.06	1.60	2.57	1.89	2.19	1.80
LOC154761	1.97	5.56	4.28	4.78	-0.51	0.07	-0.31	2.01	2.53	5.77	4.24	5.21
CD200	1.83	-2.61	1.34	2.44	2.89	0.69	0.19	-0.02	2.49	1.70	3.02	1.76
BC041636	0.92	1.30	0.81	1.05	2.67	0.67	1.76	1.76	2.49	1.82	1.70	1.87
A_24_P324424	1.36	2.87	3.98	1.00	2.17	3.42	4.56	2.00	2.48	2.94	4.27	2.25
A_24_P268474	0.36	-0.91	0.60	0.25	1.23	0.73	1.69	2.66	2.46	1.82	1.92	2.98
BE542385	6.04	0.27	0.33	0.33	2.11	0.07	0.47	3.51	2.43	2.86	4.83	4.97
AF318321	0.56	0.81	0.58	-0.16	0.07	1.01	1.18	1.36	2.43	2.65	2.73	4.19
THC2662587	1.22	1.28	-0.21	-0.19	1.72	3.71	1.60	1.77	2.40	2.77	2.06	1.98
AY129015	0.43	0.27	0.68	1.20	0.91	1.72	1.12	1.35	2.38	2.41	1.87	1.71
THC2661208	-1.36	-0.49	2.25	2.75	-1.46	1.18	-0.31	4.30	2.35	2.99	2.63	4.13
GOLGA8B	1.15	1.71	0.41	0.60	0.67	2.82	1.75	1.29	2.35	4.87	2.89	2.34
VEGFA	0.39	0.67	0.89	0.70	0.80	2.25	2.11	0.83	2.32	2.71	2.73	1.71
YPEL2	1.08	-0.49	2.57	0.49	2.44	0.32	4.81	1.97	2.31	2.14	5.30	2.22
THC2688196	0.23	0.72	-0.10	0.83	2.54	2.66	2.00	3.43	2.31	3.36	1.82	3.90
GPR146	1.26	1.50	1.36	1.26	0.86	-0.37	0.47	2.00	2.27	2.38	2.80	2.64
AVIL	1.39	0.49	2.65	0.47	2.13	1.92	3.37	2.69	2.26	2.99	4.83	2.69
THC2650352	0.81	0.72	0.76	0.30	2.70	2.69	2.72	3.53	2.24	3.34	3.59	3.52
EGLN1	0.79	1.61	0.64	0.59	0.34	1.28	0.20	0.78	2.24	2.72	2.28	2.01
A_24_P306994	0.74	0.23	0.88	1.13	1.30	1.31	1.43	1.80	2.19	2.50	2.01	2.01
THC2474831	0.28	0.50	0.74	0.65	1.52	0.88	1.90	1.21	2.18	1.74	2.55	1.70
AVIL	1.43	-0.11	3.66	0.09	1.61	0.93	4.54	2.88	2.17	1.89	5.64	3.08
THC2713242	0.74	-1.02	0.29	0.14	1.57	2.35	2.39	1.23	2.17	4.03	2.63	1.70
ENST00000340301	0.22	0.45	0.74	0.37	1.12	2.49	1.99	1.70	2.16	2.23	1.85	1.92
A_24_P686263	0.13	0.06	1.64	-0.66	2.14	1.82	2.39	2.50	2.13	1.72	3.61	2.30
DKFZp667E0512	1.02	0.47	1.22	-0.35	1.57	0.49	1.49	2.11	2.11	2.44	3.88	2.32
THC2643084	1.03	1.16	1.60	2.47	3.21	0.09	2.09	-0.52	2.10	1.97	2.07	2.64
PTPRH	0.92	1.41	1.28	1.67	-0.74	1.20	1.85	2.19	2.09	2.67	1.79	3.02
THC2544198	0.04	-0.11	-0.31	-0.28	1.49	1.24	2.07	2.53	2.04	2.62	3.74	3.64
C16orf78	2.56	0.41	1.16	-1.61	2.20	0.53	-0.31	1.04	2.03	4.43	7.38	3.04
INSIG2	0.93	2.12	0.98	1.17	0.19	-0.18	0.22	2.14	2.01	3.58	2.62	2.76
A_24_P910338	0.29	0.27	-0.14	-0.21	-0.58	0.07	-0.31	-0.02	1.99	3.92	3.42	6.94
CHD2	0.64	0.05	0.47	0.29	1.57	2.65	1.10	1.90	1.98	2.36	1.73	2.34
BNIP3L	1.28	2.40	2.04	3.05	0.83	-0.42	1.05	1.90	1.96	2.50	3.01	3.71
SAMD4A	0.23	1.03	1.38	0.78	0.08	3.95	0.25	0.75	1.96	3.80	3.24	2.21
HK2	0.85	2.20	0.71	1.18	0.04	2.05	0.21	0.56	1.96	4.18	3.98	2.12

CR606969	0.21	0.64	0.31	0.16	1.38	3.18	2.06	1.95	1.95	2.62	1.96	1.85
ZNF581	0.27	0.07	0.04	0.36	1.50	1.38	1.57	2.10	1.95	2.49	1.81	2.07
ENST00000339120	0.41	0.43	1.01	0.84	0.57	1.78	1.31	2.71	1.94	2.63	2.38	2.96
EFNB2	0.13	0.63	0.24	1.16	3.12	3.80	0.12	1.50	1.93	3.07	2.28	2.28
CDCP1	-0.16	1.56	0.54	3.67	0.08	-1.23	0.31	3.44	1.93	2.31	1.63	1.75
CD86	0.80	0.34	-0.06	-0.94	2.56	1.07	0.80	2.10	1.92	2.43	3.07	2.37
JMJD1A	0.34	1.05	1.57	1.23	0.51	1.10	1.52	1.52	1.92	3.32	4.07	2.93
A_32_P79719	0.23	0.45	0.49	0.47	0.71	2.01	0.73	0.98	1.90	2.09	1.82	1.59
HK2	0.93	2.48	0.92	1.34	0.56	1.91	0.52	0.78	1.89	3.93	3.40	2.07
NPY6R	2.04	1.14	3.08	0.07	4.10	1.13	3.44	3.37	1.86	1.86	4.90	3.52
EGLN3	1.28	2.79	3.91	3.32	-0.44	-5.84	0.70	1.27	1.85	2.01	5.68	4.75
DAAM1	0.02	-0.14	0.54	-0.38	0.81	1.01	0.81	1.52	1.84	2.52	2.02	1.67
AK093691	-0.35	-1.68	-0.72	-0.63	1.60	1.09	0.67	2.36	1.84	1.81	2.78	3.14
SLFNL1	0.37	-0.47	2.75	-1.88	0.79	2.48	2.40	3.47	1.82	3.62	1.64	3.13
ZXDA	0.09	0.19	1.41	-0.41	0.78	1.51	2.76	1.82	1.80	2.15	2.69	2.87
LOC153222	0.35	0.41	0.53	-0.22	1.80	3.31	2.38	3.55	1.78	3.99	4.20	3.78
BNIP3L	1.33	2.29	1.76	3.02	0.47	-0.04	0.70	1.45	1.78	2.19	2.28	3.18
C8orf58	0.39	0.67	0.72	1.86	0.17	1.01	0.85	0.38	1.77	2.90	2.86	2.77
TCP11L2	-0.31	1.05	0.42	0.12	0.25	1.54	1.03	3.32	1.74	2.57	3.03	2.45
FAM9C	5.85	0.27	2.52	-0.21	0.08	6.78	-0.24	1.75	1.73	1.85	3.07	4.70
JMJD1A	0.44	1.02	1.18	1.32	0.41	1.05	1.09	1.25	1.72	3.07	3.55	2.67
GFAP	-0.13	-0.07	0.53	0.76	1.14	0.78	1.52	1.63	1.72	2.05	2.19	2.02
LRRC39	0.76	-1.65	1.64	-1.46	1.68	1.82	2.55	1.26	1.71	2.89	3.30	2.42
JMJD1A	0.24	1.11	1.45	1.09	0.37	1.14	1.27	1.10	1.71	3.30	4.09	2.25
C1orf145	0.36	-0.52	-0.14	-0.21	1.89	0.23	-0.31	-0.02	1.69	2.03	2.33	2.58
PAG1	0.23	1.35	1.46	0.32	1.20	-0.85	0.28	2.89	1.68	3.53	1.74	2.44
ZNF33A	0.70	0.50	1.17	0.14	1.15	1.89	2.64	3.14	1.68	1.87	3.71	3.57
ZNF395	0.85	2.25	0.97	1.34	0.77	1.05	0.61	0.90	1.66	3.39	1.84	2.02
RAB33B	0.39	1.89	0.63	0.05	1.33	5.17	1.59	0.45	1.65	5.33	2.38	2.18
FLJ23834	0.70	0.21	3.02	-0.46	1.69	0.37	1.56	2.41	1.64	2.03	3.29	2.60
FGF18	0.22	-2.62	1.21	2.75	1.44	1.29	-0.10	3.42	1.64	2.79	2.93	4.41
LOC650440	0.54	1.27	1.15	1.27	0.07	-0.37	0.35	0.23	1.64	1.66	1.61	1.78
LPP	0.32	0.08	0.00	-0.42	1.17	3.09	0.54	1.76	1.63	2.91	3.04	2.47
MAB21L2	-0.11	0.65	1.00	0.61	1.23	0.85	2.06	1.33	1.61	1.79	2.46	1.59
C1orf51	0.50	1.45	2.81	1.92	0.06	1.86	3.62	0.75	1.60	3.58	3.78	3.07
TBC1D3	0.28	0.85	0.89	0.61	0.70	2.40	1.37	2.37	1.59	3.08	2.92	2.81
TMEM118	-0.03	-0.31	-1.11	-0.19	-1.37	-3.49	-1.13	-1.72	-1.59	-3.08	-3.19	-2.14
MRAS	-0.04	-0.36	-2.72	-0.96	-0.34	-0.58	-3.48	-0.73	-1.59	-1.69	-3.23	-1.85
COX7B	-0.17	-0.42	-0.41	-0.41	-0.34	-2.56	-0.32	-1.41	-1.60	-3.31	-2.46	-1.93
THC2697412	-0.23	-0.62	0.02	0.40	-0.69	-1.79	-1.36	-1.35	-1.60	-2.04	-2.46	-2.34
MLKL	-0.61	-0.85	-0.84	-0.35	-1.12	-2.29	-0.36	-2.61	-1.61	-1.91	-1.89	-2.92
CXorf6	-0.50	-0.19	-0.05	-2.10	-1.03	-1.75	-0.03	-0.13	-1.61	-1.80	-2.04	-2.51
GINS4	-0.25	-0.15	-0.55	0.16	-2.61	-0.33	-2.21	-2.08	-1.62	-2.17	-3.01	-2.50
DARS2	-0.40	-0.27	0.30	-0.52	-1.39	-2.10	-1.47	-1.83	-1.63	-1.97	-1.89	-2.27
C1orf161	-0.96	-0.59	-0.65	-0.31	-1.67	-1.46	-1.68	-1.97	-1.63	-1.65	-1.96	-1.91
DUSP13	-0.59	-0.93	-0.91	-1.26	-0.93	-3.89	-1.26	-2.09	-1.67	-3.26	-1.93	-2.15
ASAH1	-0.49	-0.75	-0.69	-0.88	-0.75	-2.05	-0.81	-1.54	-1.70	-1.93	-1.64	-1.87
RBM14	-0.57	-0.11	-0.53	-0.57	-0.99	-0.42	-1.39	-1.43	-1.70	-2.28	-1.91	-1.60
LARS2	-0.44	-0.53	-0.70	-0.32	-0.89	-0.23	-0.79	-1.12	-1.70	-1.70	-2.33	-1.64
TLR5	2.70	-6.20	1.03	-2.64	1.60	0.21	-0.53	-3.57	-1.73	-6.25	-3.98	-6.68
WBSCR28	0.48	-0.31	-0.05	-1.05	0.19	4.43	-0.90	-1.44	-1.73	-1.78	-4.95	-4.02
BC013295	-0.77	-0.21	-1.74	-0.22	0.15	0.11	-1.18	-1.39	-1.73	-2.54	-4.64	-2.97
DLX1	-0.27	-0.26	-0.75	-0.02	-0.87	-1.30	-0.71	-1.96	-1.74	-2.82	-2.13	-1.61
C16orf33	-0.24	-0.24	-0.32	-0.19	-1.26	-1.61	-1.45	-1.83	-1.74	-2.00	-1.71	-1.89
TUBAL3	0.07	1.30	1.76	0.40	-0.38	-1.96	-0.50	-1.87	-1.74	-1.94	-1.64	-3.93
THC2783023	-0.56	-0.53	-0.37	-0.73	-0.23	-0.94	-0.71	-1.88	-1.76	-2.55	-1.65	-2.26
SDSL	-0.21	-0.06	-0.54	0.05	-1.23	-0.91	-1.39	-1.94	-1.76	-2.14	-1.84	-1.96
FLJ10292	1.47	-0.84	-0.35	-0.76	-1.32	-1.02	-0.57	-4.32	-1.78	-5.12	-4.57	-4.71
BC015903	-0.73	-0.13	0.11	-0.57	-1.85	-0.67	-1.13	-1.86	-1.80	-2.94	-4.19	-3.38
C12orf4	-0.26	0.00	-0.21	-0.31	-0.47	-1.66	-0.74	-1.69	-1.81	-2.56	-1.84	-1.96
SFRS1	0.15	-0.39	-0.24	-0.95	-0.30	-0.76	-0.28	-2.04	-1.81	-1.89	-1.94	-2.21
SRA1	-0.40	0.02	-0.30	-0.15	-1.17	-0.25	-0.97	-2.31	-1.81	-1.71	-1.70	-2.41
AK054852	-0.46	-0.62	-0.12	-0.61	0.01	-2.52	0.04	-0.96	-1.82	-1.59	-1.61	-1.61
CD83	-0.76	-0.68	-0.64	-1.65	-1.12	-1.23	-1.00	-2.40	-1.82	-1.81	-2.52	-1.87
TPM3	-0.15	-0.49	-0.07	-0.44	0.29	-2.05	-0.61	-1.33	-1.82	-3.25	-1.63	-2.03
A_32_P67303	-0.79	-0.25	2.31	-4.02	-0.33	-2.29	-0.15	-1.17	-1.82	-3.66	-2.00	-3.50
MLKL	-0.59	-0.57	-0.62	-0.51	-1.21	-1.95	-0.36	-2.71	-1.83	-1.94	-2.17	-3.07
C14orf80	-0.15	-0.23	-0.04	0.15	-1.77	-2.00	-1.56	-1.51	-1.83	-2.45	-2.42	-2.49
RAB7B	-0.26	-2.18	-0.12	-2.51	-0.98	-5.30	-3.00	0.98	-1.84	-5.14	-5.85	-1.99
DUSP19	-0.17	-0.42	-1.48	-0.04	-0.76	-5.19	-4.14	-1.55	-1.87	-3.69	-3.64	-1.75
SPG7	0.27	0.05	-0.91	0.74	-1.39	-3.02	-3.33	-2.23	-1.87	-5.38	-6.44	-1.94
CCND3	-0.47	-0.75	-0.52	-0.23	-0.88	-1.00	-0.16	-2.04	-1.88	-2.35	-2.37	-2.66
GSTCD	-0.56	-0.38	-0.30	-0.18	-1.89	-1.26	-1.07	-1.40	-1.89	-2.03	-1.64	-1.64

THC2537856	0.17	-0.36	0.04	-0.07	-1.20	-2.58	-1.37	-1.67	-1.91	-2.66	-2.38	-1.66
LRRCC1	-0.49	0.09	-0.42	-0.58	-0.49	-2.90	-1.36	-1.84	-1.92	-2.57	-1.95	-2.67
IFI30	0.07	0.18	-0.83	-0.79	-0.48	-1.12	-0.99	-2.12	-1.94	-2.18	-2.38	-3.05
TAF9B	-0.86	-1.66	-0.78	-0.88	-0.94	-1.20	-1.97	-1.44	-1.95	-2.64	-2.11	-1.97
COQ3	-0.11	-0.61	-0.41	-0.32	-1.20	-2.43	-1.36	-1.70	-1.99	-1.72	-2.44	-1.76
A_32_P128399	-0.89	-1.57	-1.75	-0.79	0.33	0.56	-1.01	-1.74	-2.00	-1.77	-3.69	-3.21
POP5	-0.31	-0.36	-0.69	-0.33	-1.09	-1.52	-2.23	-2.16	-2.00	-2.15	-3.06	-2.64
THC2557626	-0.17	-0.41	-0.27	0.97	-1.08	-1.44	-1.09	-2.31	-2.00	-2.44	-2.19	-2.79
TRDMT1	-0.22	-1.66	1.58	-2.97	-1.20	-1.86	0.72	-4.94	-2.00	-1.71	-2.32	-4.61
ELOVL6	-0.49	-0.88	-1.09	-0.75	-1.04	-0.66	-1.64	-1.39	-2.04	-2.17	-3.78	-1.92
CENPI	-0.22	-0.63	0.09	-0.12	-2.40	-2.74	-1.77	-1.72	-2.05	-2.94	-2.42	-2.31
TMEM118	-0.15	-0.11	-0.99	-0.26	-1.20	-3.71	-1.40	-1.90	-2.07	-2.73	-2.50	-2.02
ABHD11	-0.45	-0.45	-0.38	0.17	-1.19	-1.18	-1.22	-1.73	-2.09	-1.84	-2.52	-2.14
PASK	-0.43	-0.08	-0.12	-0.18	-1.08	-2.12	-0.43	-2.17	-2.11	-1.91	-1.75	-2.27
FKBP5	-0.53	-0.55	-1.07	-1.43	-0.76	0.37	0.20	-1.96	-2.11	-1.89	-2.73	-3.16
CCDC134	-0.33	-0.39	-0.91	-0.17	-2.08	-1.81	-1.97	-2.11	-2.13	-1.77	-2.04	-1.94
SPC24	0.19	-0.01	-0.16	0.31	-1.79	-1.47	-1.96	-2.21	-2.14	-1.62	-2.96	-2.05
PCDH17	-3.16	-2.88	-7.36	0.33	-2.37	-7.46	-3.66	-0.73	-2.17	-6.16	-6.71	-2.41
BRI3BP	-0.36	-0.11	-0.39	-0.26	-1.56	-0.98	-0.97	-1.71	-2.18	-1.82	-1.65	-2.12
SAMHD1	-0.01	-1.15	-0.73	-1.07	-1.35	-4.70	-1.51	-2.09	-2.24	-4.83	-3.13	-2.57
MGC11257	-0.23	0.12	-0.26	0.04	-2.15	-3.47	-4.15	-3.08	-2.24	-1.94	-2.65	-2.98
MLLT11	-0.02	-0.28	-0.24	0.06	-1.73	-2.36	-1.93	-2.09	-2.28	-2.62	-2.30	-2.06
DDC	-4.82	-0.56	0.85	-1.23	-3.83	0.18	1.23	-2.44	-2.31	-3.33	-2.25	-2.72
C10orf6	1.22	-0.58	-2.82	0.15	-2.38	-3.27	-4.33	1.75	-2.32	-3.12	-5.89	-4.24
THC2698892	0.15	-0.85	0.29	0.45	-2.20	-2.94	-3.40	-1.32	-2.33	-3.44	-5.86	-1.69
TCF19	-0.06	0.30	0.21	1.04	-2.19	-3.11	-1.69	-2.59	-2.35	-2.22	-3.07	-2.23
SFRS7	-0.50	-0.49	-0.23	0.30	-0.82	-0.95	-1.62	-1.90	-2.36	-3.30	-3.61	-2.64
LRP8	-0.73	-1.12	-0.52	-1.05	-0.73	-2.25	-0.83	-3.95	-2.36	-2.64	-3.25	-7.47
SOLH	-0.52	-0.02	-0.95	-0.78	-0.47	-0.12	-1.04	-1.77	-2.36	-2.45	-1.77	-2.12
AU184995	1.49	1.01	1.58	1.39	-5.38	-0.68	-4.68	-0.01	-2.39	-4.79	-4.18	-3.36
BRI3BP	-0.48	0.02	-0.42	0.47	-1.18	-1.66	-1.35	-1.17	-2.39	-2.52	-3.27	-1.62
TMEM110	-0.40	0.12	-0.22	-0.03	-1.93	-4.46	-2.23	-2.42	-2.43	-2.05	-4.02	-2.42
AA452590	-0.69	-1.79	-2.79	2.82	-0.54	-0.12	-1.87	-2.77	-2.45	-1.84	-4.59	-2.34
TOR3A	-0.93	-0.28	-0.83	-0.08	-1.38	-0.73	-0.83	-1.60	-2.46	-1.74	-3.35	-1.78
ASF1B	-0.19	0.01	-0.14	0.62	-1.72	-0.94	-1.36	-2.18	-2.48	-2.63	-2.65	-1.62
AK023121	-0.26	-1.67	0.42	-0.39	1.26	-3.25	-0.23	-1.55	-2.49	-2.42	-2.00	-2.78
LOC198437	-0.52	-0.49	-1.99	-1.95	-1.02	-1.18	-6.50	-3.36	-2.49	-2.04	-3.83	-3.11
U88048	-0.14	-0.02	-0.42	-0.68	-3.01	-3.66	-2.14	-1.94	-2.51	-2.12	-2.76	-2.24
THC2672257	-0.76	-0.20	-0.11	-0.29	-1.84	-2.64	-1.56	-3.50	-2.53	-2.42	-2.62	-2.99
POP1	-0.96	-0.56	-0.79	-0.37	-1.71	-1.01	-1.31	-1.83	-2.55	-1.90	-2.93	-2.25
THC2658030	-0.53	-0.02	-0.73	-0.63	-1.39	-1.82	-1.04	-2.94	-2.56	-3.24	-2.23	-2.98
DCC1	-0.67	-0.37	-0.85	-0.27	-1.63	-1.41	-1.58	-2.02	-2.59	-2.01	-2.95	-1.66
KIAA1328	0.18	-0.98	0.17	-0.28	-4.76	-4.46	-0.55	-1.88	-2.60	-4.53	-2.40	-3.84
CHRNA5	-0.70	-1.07	-0.79	-0.74	-1.82	-1.16	-1.02	-1.95	-2.60	-2.52	-2.63	-3.53
LOC134145	-0.58	-0.30	-0.95	-0.61	-1.44	-0.99	-2.11	-2.68	-2.65	-2.44	-5.35	-3.29
RRM2	-0.79	0.22	-0.28	-0.13	-2.46	-0.23	-2.73	-2.46	-2.66	-1.59	-2.61	-2.00
BC015334	-0.52	-0.61	-0.61	-0.65	-1.80	-1.09	-2.18	-2.28	-2.69	-1.71	-1.82	-3.04
HIST1H3G	0.00	-0.68	0.46	1.03	-2.56	-3.23	-1.56	-0.06	-2.74	-3.38	-2.08	-2.27
CD242823	-0.71	-0.02	-0.41	-0.80	-0.93	-2.21	-1.22	-1.71	-2.74	-3.33	-2.02	-2.13
FEN1	-0.42	-0.33	-0.19	0.23	-1.85	-0.29	-1.02	-2.53	-2.75	-1.65	-2.80	-2.46
PCDHB1	-1.81	-4.39	-3.01	0.30	-2.75	-4.59	-1.35	-2.70	-2.77	-4.42	-2.67	-2.36
LMNB1	-0.09	-0.09	-0.33	-0.25	-1.52	-1.28	-1.81	-2.41	-2.77	-2.22	-3.00	-2.22
ENST00000368778	-0.50	-0.05	-1.02	-0.10	-2.20	-1.00	-2.71	-2.39	-2.77	-1.87	-3.07	-2.46
TOR3A	-0.84	-0.14	-0.95	-0.37	-1.27	-0.82	-0.87	-1.60	-2.78	-1.96	-2.80	-1.76
PCYOX1L	-0.46	-0.16	-0.61	-0.01	-1.46	-1.51	-0.91	-3.90	-2.79	-3.07	-3.02	-5.01
AW291149	-0.43	-0.38	-0.33	0.05	-2.02	-1.31	-1.08	-1.46	-2.82	-2.15	-2.99	-1.66
TOR3A	-1.10	-0.15	-0.74	-0.55	-1.17	-0.86	-0.81	-1.66	-2.86	-1.70	-2.34	-1.74
TMPO	-0.43	-0.54	-0.42	-0.14	-2.28	-0.94	-1.18	-1.66	-2.87	-2.19	-3.47	-2.27
ZIC3	-0.83	-2.59	-4.77	-0.68	-2.93	-2.80	-6.20	-3.91	-2.87	-2.65	-7.08	-3.58
TCF19	-0.33	0.52	0.36	-0.99	-2.18	-3.20	-1.84	-3.63	-2.88	-2.59	-2.13	-3.61
LOC439949	-0.73	0.04	-0.82	-0.61	-1.21	-0.85	-1.23	-2.14	-2.91	-1.59	-2.74	-3.58
C20orf142	-0.26	-0.98	-0.99	0.09	-2.37	-1.97	-2.68	-2.25	-2.93	-3.41	-3.80	-2.69
TMEM20	-0.90	-0.97	-0.27	-0.40	-0.93	-1.77	-1.00	-2.11	-3.00	-2.92	-3.13	-3.34
RRM2	-0.55	0.06	0.01	0.38	-2.03	0.25	-2.13	-2.86	-3.01	-1.71	-3.44	-2.27
AK095167	-0.14	0.02	-0.59	-0.34	-1.83	-0.33	-2.00	-2.09	-3.02	-1.64	-5.44	-2.16
CASC2	-0.14	0.92	0.09	-1.21	-0.75	0.52	-0.67	-2.28	-3.04	-3.83	-2.19	-1.95
TIFA	-1.12	-0.52	-0.21	-0.84	-2.07	-4.36	-0.65	-4.67	-3.09	-4.20	-5.76	-4.76
C18orf54	-0.79	-0.11	-0.09	-0.12	-2.18	-1.75	-1.46	-1.97	-3.19	-2.77	-2.13	-2.04
PIK3R3	-0.22	-0.30	-1.27	-1.17	-1.08	-2.14	-1.46	-3.18	-3.21	-3.38	-1.84	-3.72
LRP8	-1.03	-0.38	-0.90	-1.54	-1.30	-0.85	-0.84	-3.68	-3.21	-1.67	-2.56	-4.09
SPC25	-0.65	-0.66	-0.44	-0.41	-2.48	-0.89	-2.49	-2.62	-3.23	-1.90	-2.59	-1.96
C21orf71	1.13	-0.80	0.10	-0.55	-0.01	-2.28	-0.27	-2.88	-3.33	-2.13	-3.62	-2.54
C1QTNF2	-0.24	-0.71	2.75	-3.30	-1.69	-1.28	-0.97	1.33	-3.40	-4.16	-3.72	-2.78

ENST00000371327	0.02	0.07	0.01	0.20	-1.32	-1.56	-0.53	-2.79	-3.45	-2.28	-2.99	-2.67
ANKRD32	-0.71	-0.07	-0.43	-0.59	-1.50	-0.39	-1.29	-3.37	-3.50	-2.39	-1.59	-3.22
UBE2T	-0.71	0.10	-0.34	-0.50	-2.14	-0.77	-1.63	-3.00	-3.51	-1.76	-2.29	-2.68
TMEM162	-3.18	-1.53	-2.53	-2.27	-0.89	-3.95	0.35	-0.69	-3.52	-5.91	-3.65	-3.47
THC2552705	0.41	0.05	-0.44	-1.46	-3.58	-1.46	-2.81	-4.48	-3.52	-4.82	-4.82	-4.15
P2RY6	-0.90	-0.89	-1.90	-1.16	-1.20	-5.75	-3.11	-1.66	-3.64	-4.37	-4.11	-3.13
A_32_P206917	-0.21	-0.06	0.14	-0.03	-2.15	-2.28	-3.30	-3.80	-3.64	-1.73	-2.96	-3.46
CN479126	-0.52	-0.42	-1.10	0.42	-2.81	-0.97	-1.49	-1.64	-3.66	-3.87	-2.96	-1.74
SKP2	-0.67	-0.52	-0.91	-0.03	-2.95	-3.76	-2.61	-3.45	-3.67	-3.89	-4.85	-3.95
POLA2	-0.74	0.02	-0.74	0.21	-2.32	-0.52	-2.21	-3.00	-3.69	-2.30	-4.32	-3.25
ID1	-0.41	-0.60	-1.24	-0.08	-2.41	-0.93	-1.33	-2.04	-3.71	-3.81	-2.61	-2.18
THC2652707	0.04	-0.23	-0.52	0.10	0.20	-2.21	-0.99	-2.14	-3.73	-2.79	-4.20	-3.25
LOC392454	-0.81	-0.05	-0.15	-0.23	-1.68	-0.17	-1.09	-2.16	-3.74	-1.90	-2.43	-2.55
BU686376	0.20	0.23	-0.39	-1.04	-3.77	-1.52	-1.51	-5.21	-3.83	-2.25	-3.97	-5.43
WDR62	-0.65	-2.15	1.15	-1.81	-3.93	-0.35	0.29	-4.36	-3.87	-2.27	-2.82	-2.33
SMC4	-0.09	-0.25	0.11	-0.58	-2.05	-0.83	-1.37	-3.82	-3.91	-1.64	-2.95	-2.34
SUV39H2	-0.74	-0.60	-0.45	-0.20	-1.55	0.62	-0.82	-2.02	-3.95	-2.71	-4.03	-4.60
DLEU2	-0.61	-0.49	-0.45	-0.83	-3.20	-0.44	-4.49	-4.23	-3.96	-2.95	-3.09	-4.17
ID3	-0.63	-0.87	-0.52	0.00	-2.34	-1.04	-2.70	-1.88	-4.05	-4.02	-3.12	-2.07
IGHD	-5.08	-5.57	-1.28	-2.66	-2.39	-3.67	3.61	4.07	-4.27	-5.62	-2.97	-2.13
CXorf21	-0.84	-4.66	5.07	-3.31	-0.13	-5.24	-0.14	-0.63	-4.29	-5.09	-2.69	-2.78
USP2	-4.60	-2.50	-2.15	1.61	-1.44	-2.71	-1.59	-1.38	-4.30	-2.20	-1.82	-3.36
DTL	-0.88	0.25	-0.41	-0.03	-1.82	-0.08	-1.29	-3.17	-4.34	-1.71	-3.41	-3.21
TPMT	-0.11	-4.97	-3.31	1.59	-3.89	-5.17	-3.48	2.75	-4.53	-5.02	-2.98	-1.85
AA843546	-0.56	0.18	-1.30	-0.13	-0.93	-1.13	-1.61	-0.91	-4.58	-2.47	-3.82	-1.61
ENST00000357138	-1.39	-0.12	-0.43	-0.25	-1.77	-0.43	-2.92	-2.79	-4.62	-1.69	-3.44	-2.45
AW327568	-1.06	0.33	1.03	-0.71	-2.34	0.17	-3.31	-2.34	-4.65	-2.82	-1.59	-2.42
BG951379	0.09	0.11	-0.28	-0.37	-0.96	-2.09	-1.07	-2.73	-4.79	-1.83	-2.29	-3.48
A_32_P205350	-1.10	-0.27	-0.09	-0.46	-2.25	-1.37	-2.11	-2.11	-5.02	-2.37	-2.91	-2.60
PHIP	-0.94	0.11	0.48	-0.59	-0.33	-1.05	-0.86	-1.08	-5.11	-2.50	-2.36	-3.67
C2orf34	-0.35	-1.15	-0.95	-0.70	-1.49	-2.17	-4.90	-2.22	-5.77	-3.08	-3.45	-2.92
AK090911	-5.90	-2.56	-0.33	-0.69	-6.85	-2.50	-3.70	-4.30	-6.23	-2.61	-3.19	-2.81
LOC728407	-4.11	-1.45	-0.86	-0.11	-4.91	-1.04	-4.18	-0.52	-6.76	-1.66	-3.68	-2.97
CLSPN	-0.62	-0.41	-1.63	-0.09	-2.34	-1.59	-2.88	-2.36	-7.32	-3.18	-3.62	-5.74
SLC10A4	-0.38	0.96	-0.11	-4.51	-2.64	-1.97	-0.03	-4.32	-7.35	-2.30	-3.35	-3.99
FAM111B	-0.82	0.59	-0.08	-0.34	-2.40	-1.78	-2.30	-3.22	-7.82	-3.44	-4.41	-2.88