Supplementary Table 1

List of genes recurrently lost in tetraploid clones on chromosome 4q

hgnc_symbol	chromosome_name	start_position	end_position
LPHN3	4	62045434	62620762
EPHA5	4	65872241	66218104
CENPC1	4	68020584	68099114
STAP1	4	68107041	68155650
UBA6	4	68164077	68249484
GNRHR	4	68285701	68304399
TMPRSS11D	4	68369196	68432311
TMPRSS11A	4	68457704	68511739
TMPRSS11F	4	68601511	68678182
SYT14L	4	68608907	68611610
TMPRSS11B	4	68774967	68794004
YTHDC1	4	68858700	68898419
TMPRSS11E2	4	69465108	69515259
UGT2B15	4	69546933	69570979
UGT2B10	4	69716302	69731503
UGT2A3	4	69828756	69852093
UGT2B11	4	69904925	70115031
UGT2B7	4	69996814	70013293
UGT2B28	4	70180806	70195356
UGT2B4	4	70380473	70396215
UGT2A1	4	70488724	70548007
SULT1B1	4	70627277	70661019
SULT1E1	4	70741520	70760459
CSN1S1	4	70831388	70846877
CSN2	4	70855564	70861315
STATH	4	70896237	70902760
HTN3	4	70928761	70936834
HTN1	4	70950748	70959145
C4orf40	4	71054493	71079084
ODAM	4	71096833	71104881
C4orf7	4	71126377	71135553
CSN3	4	71142894	71151732
C4orf35	4	71235260	71237421
SMR3A	4	71261082	71267412
SMR3B	4	71283384	71290548
PROL1	4	71298188	71310496
MUC7	4	71372525	71383302
AMTN	4	71418887	71433048
AMBN	4	71492582	71507591
ENAM	4	71713325	71731405
IGJ	4	71740131	71751114
UTP3	4	71773098	71775132
RUFY3	4	71806560	71891789
GRSF1	4	71900368	71924408
MOBKL1A	4	71986928	72072755
DCK	4	72078218	72115491
SLC4A4	4	72271867	72656663
GC	4	72826296	72868798
NPFFR2	4	73116385	73232642
ADAMTS3	4	73365551	73653380
COX18	4	74139280	74154336
ANKRD17	4	74159369	74343366
ALB	4	74488870	74505996
AFP	4	74520744	74540358
AFM	4	74566326	74588582
RASSF6	4	74657024	74705151
IL8	4	74825122	74828295
CXCL6	4	74921277	74923340
PF4V1	4	74937877	74939062
CXCL1	4	74953973	74968249
PF4	4	75065660	75066541
PPBP	4	75071622	75072764
CXCL5	4	75080224	75083286
CXCL3	4	75121178	75123354
CXCL2	4	75169527	75183874
BMP2K	4	79916556	80052363
PAQR3	4	80027331	80079606
ARD1B	4	80457298	80466195
GK2	4	80546538	80548471
ANTXR2	4	81045749	81213650
PRDM8	4	81325448	81344504
FGF5	4	81406766	81431194
C4orf22	4	81475947	82103918
BMP3	4	82171143	82197709
PRKG2	4	82228861	82355212
RASGEF1B	4	82567243	82612085
HNRNPD	4	83493491	83514173
HNRPDL	4	83563371	83570402
ENOPH1	4	83570787	83601263
SCD5	4	83769714	83939034
SEC31A	4	83958839	84040715
THAP9	4	84040861	84060146
LIN54	4	84065167	84151006
COPS4	4	84175263	84215994
PLAC8	4	84230239	84254935
COQ2	4	84404003	84425091
HPSE	4	84435494	84475330
HELQ	4	84547525	84596049
MRPS18C	4	84596196	84601900
FAM175A	4	84601124	84625314
AGPAT9	4	84676248	84746052
SNCA	4	90865728	90978489
MMRN1	4	91019706	91094803
GRID2	4	93444831	94914730
ATOH1	4	94969065	94970244
SMARCAD1	4	95348217	95431462
PDLIM5	4	95592061	95808400
BMPR1B	4	95898151	96295190
UNC5C	4	96308712	96689031
PDHA2	4	96980262	96981648
C4orf37	4	98699050	99283414
RAP1GDS1	4	99401550	99584031
TSPAN5	4	99612435	99798750
EIF4E	4	100020236	100069298
FAM177A2	4	100096174	100096948
METAP1	4	100135903	100202976
ADH5P4	4	100211152	100240090
ADH4	4	100263855	100284472
ADH6	4	100342818	100359426
ADH1A	4	100416547	100431165
ADH1B	4	100445157	100461579
ADH7	4	100552441	100575548
C4orf17	4	100651197	100682463
RG9MTD2	4	100686889	100704197
MTTP	4	100715022	100763425
TACR3	4	104730074	104860422
CXXC4	4	105608912	105635500
TET2	4	106286481	106419126
PPA2	4	106509684	106614676
INTS12	4	106823233	106849714
GSTCD	4	106849390	106988331
NPNT	4	107036054	107112273
SCYE1	4	107456302	107489831
DKK2	4	108062418	108176903
PAPSS1	4	108754272	108860868
SGMS2	4	108965168	109051558
CYP2U1	4	109072166	109094060
HADH	4	109130319	109175780
LEF1	4	109188150	109309027
RPL34	4	109761182	109771086
OSTC	4	109791190	109808423
AGXT2L1	4	109882657	109903658
COL25A1	4	109954304	110443248
SEC24B	4	110574320	110681058
CCDC109B	4	110700814	110829331
CASP6	4	110829234	110844078
PLA2G12A	4	110854140	110870660
CFI	4	110881297	110942783
GAR1	4	110956115	110965340
RRH	4	110968599	110985312
LRIT3	4	110991935	111012920
EGF	4	111053499	111152860
ELOVL6	4	111186451	111339258
ENPEP	4	111616678	111703938
PITX2	4	111758031	111782611
C4orf32	4	113286127	113329678
C4orf16	4	113372430	113410652
TIFA	4	113416232	113426508
ALPK1	4	113437948	113583211
NEUROG2	4	113654125	113656777
C4orf21	4	113730236	113777508
LARP7	4	113777569	113798190
ANK2	4	114190281	114529333
RPS26P54	4	114219937	114355024
CAMK2D	4	114591637	114902177
ARSJ	4	115040889	115120327
UGT8	4	115739414	115817463
NDST4	4	115968378	116254481
TRAM1L1	4	118224158	118226180
NDST3	4	119174213	119399235
PRSS12	4	119421865	119493370
MYOZ2	4	120276469	120328383
USP53	4	120353239	120435239
C4orf3	4	120439095	120445048
FABP2	4	120457854	120462766
PDE5A	4	120635000	120769429
MAD2L1	4	121200040	121207411
PRDM5	4	121835380	122063463
C4orf31	4	122176232	122213123
TNIP3	4	122272017	122304926
QRFPR	4	122469247	122521631
ANXA5	4	122808598	122837585
TMEM155	4	122899535	122906032
EXOSC9	4	122941922	122957626
CCNA2	4	122957991	122964468
BBS7	4	122965089	123011092
TRPC3	4	123019633	123092285
KIAA1109	4	123292938	123503357
ADAD1	4	123519618	123570407
IL2	4	123592080	123597100
IL21	4	123753221	123761662
BBS12	4	123873307	123885547
FGF2	4	123967313	124038840
NUDT6	4	124033256	124063573
SPATA5	4	124063675	124460050
SPRY1	4	124537406	124544357
ANKRD50	4	125804916	125851382
FAT4	4	126457004	126633537
INTU	4	128773570	128857374
SLC25A31	4	128871024	128914896
HSPA4L	4	128922903	128973974
PLK4	4	129021495	129039800
MFSD8	4	129061027	129106554
C4orf29	4	129105885	129176928
LARP2	4	129201953	129362995
PGRMC2	4	129409847	129429434
PHF17	4	129950229	130015829
SCLT1	4	130024602	130234214
C4orf33	4	130234279	130253292
PCDH10	4	134289920	134332181
PCDH18	4	138659522	138673079
SLC7A11	4	139304698	139382953
CCRN4L	4	140156393	140186541
ELF2	4	140198321	140317822
C4orf49	4	140406767	140420942
NDUFC1	4	140430521	140443155
NARG1	4	140442126	140531972
RAB33B	4	140594411	140616511
SETD7	4	140646642	140697373
MGST2	4	140806372	140844857
MAML3	4	140859927	141031580
SCOC	4	141397890	141523158
CLGN	4	141529059	141568232
ELMOD2	4	141664772	141694374
UCP1	4	141700500	141709457
TBC1D9	4	141762799	141896921
RNF150	4	142006175	142274066
ZNF330	4	142361541	142375298
IL15	4	142777204	142874062
INPP4B	4	143168636	143603331
USP38	4	144325548	144362087
GAB1	4	144477500	144610728
SMARCA5	4	144654066	144694016
FREM3	4	144718013	144841278
GYPB	4	145011470	145037784
GYPA	4	145249906	145281296
HHIP	4	145786623	145879337
ANAPC10P	4	146135765	146238815
ABCE1	4	146238606	146270126
OTUD4	4	146274252	146320575
SMAD1	4	146622401	146699773
MMAA	4	146759990	146799293
ZNF827	4	146901342	147079057
LSM6	4	147316331	147330646
SLC10A7	4	147394594	147662542
POU4F2	4	147779495	147783073
TTC29	4	147847630	148086484
EDNRA	4	148621575	148685555
TMEM184C	4	148758046	148776120
ARHGAP10	4	148872903	149213376
NR3C2	4	149219365	149583093
DCLK2	4	151218876	151398033
LRBA	4	151405044	152156329
MAB21L2	4	151722753	151725293
RPS3AP49	4	152240204	152245252
SH3D19	4	152260886	152367022
FAM160A1	4	152549848	152806069
PET112L	4	152811462	152901609
FBXW7	4	153461860	153675622
TMEM154	4	153766727	153820641
TIGD4	4	153909958	153920343
ARFIP1	4	153920562	154052514
FHDC1	4	154083585	154120298
TRIM2	4	154345068	154479924
MND1	4	154485251	154555693
KIAA0922	4	154606948	154777313
TLR2	4	154843472	154846688
RNF175	4	154850763	154900837
SFRP2	4	154921194	154929678
DCHS2	4	155375138	155632318
PLRG1	4	155677113	155690973
FGB	4	155703596	155711683
FGA	4	155723730	155731368
FGG	4	155732831	155753451
LRAT	4	155884602	155893720
RBM46	4	155921950	155969414
NPY2R	4	156349231	156357677
MAP9	4	156483260	156517572
GUCY1A3	4	156807328	156872926
GUCY1B3	4	156899661	156951636
ACCN5	4	156970331	157006875
TDO2	4	157044297	157061000
CTSO	4	157064728	157094498
PDGFC	4	157902214	158111996
GLRB	4	158216788	158312299
GRIA2	4	158361186	158506677
C4orf18	4	159265213	159313652
TMEM144	4	159351126	159395886
RXFP1	4	159662379	159793969
C4orf46	4	159807279	159927622
ETFDH	4	159812727	159849292
PPID	4	159849730	159864002
FNIP2	4	159909632	160047402
C4orf45	4	160055473	160175783
RAPGEF2	4	160408448	160500747
FSTL5	4	162524501	163304636
NAF1	4	164269275	164307523
NPY1R	4	164464567	164473198
NPY5R	4	164484541	164492534
TKTL2	4	164612456	164614336
C4orf43	4	164635292	164661134
MARCH1	4	164667738	164994733
ANP32C	4	165337609	165338313
NACA3P	4	166083889	166084641
TRIM61	4	166095050	166118268
C4orf39	4	166097625	166098098
TRIM60	4	166180669	166182346
TRIM75	4	166199711	166201156
TMEM192	4	166216681	166253474
KLHL2	4	166348238	166463748
SC4MOL	4	166468268	166483757
CPE	4	166519540	166638926
TLL1	4	167013860	167244443
SPOCK3	4	167891110	168392316
PALLD	4	169654792	170086183
CBR4	4	170145319	170167997
SH3RF1	4	170251982	170428824
NEK1	4	170557813	170770307
CLCN3	4	170778297	170878731
C4orf27	4	170887205	170915637
MFAP3L	4	171144325	171184936
AADAT	4	171217948	171247947
HSP90AA6P	4	171739196	171762710
GALNTL6	4	172971229	174199266
GALNT7	4	174326479	174481692
HMGB2	4	174489363	174492167
SAP30	4	174528668	174535257
HAND2	4	174684227	174687953
FBXO8	4	175394384	175441977
KIAA1712	4	175441631	175490017
HPGD	4	175647958	175680213
GLRA3	4	175799773	175987040
ADAM29	4	176076132	176135905
GPM6A	4	176791083	177160642
WDR17	4	177224126	177340959
SPATA4	4	177342719	177353816
ASB5	4	177371825	177427367
SPCS3	4	177478126	177486490
VEGFC	4	177841685	177950889
NEIL3	4	178468022	178520994
AGA	4	178588918	178600585
ODZ3	4	183482168	183958498
DCTD	4	184048238	184075624
FAM92A3	4	184195854	184196495
WWC2	4	184257440	184478924
CLDN22	4	184477703	184478365
HELT	4	186177077	186178920
SLC25A4	4	186301392	186305418
KIAA1430	4	186328447	186362176
SNX25	4	186368278	186527942
LRP2BP	4	186522027	186537146
ANKRD37	4	186554834	186558384
UFSP2	4	186558437	186584062
C4orf47	4	186587538	186607816
CCDC110	4	186603336	186629879
PDLIM3	4	186659905	186693650
SORBS2	4	186743592	187114516
TLR3	4	187227303	187243244
FAM149A	4	187302989	187330810
CYP4V2	4	187349668	187371605
KLKB1	4	187385619	187416618
F11	4	187424112	187447829
MTNR1A	4	187691808	187713715
FAT1	4	187745932	187881981
ZFP42	4	189153919	189163193
TRIML2	4	189249421	189263402
TRIML1	4	189297592	189305643
HSP90AA4P	4	190631295	190633338
FRG1	4	191098968	191121350
TUBB4Q	4	191140672	191143020
FRG2	4	191182516	191185406
DUX4	4	191229661	191230935